



"مقاله پژوهشی"

ارزیابی مقدماتی عملکرد، خصوصیات زراعی و واکنش به بیماری
پژمردگی بوته لاین‌های کنجد در منطقه مغان

حسین زینلزاده تبریزی^۱ و سعدالله منصوری^۲

۱- استادیار، بخش تحقیقات علوم زراعی و باغی، مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی استان اردبیل، سازمان تحقیقات، ترویج و آموزش کشاورزی، اردبیل

(مغان)، ایران، (نویسنده مسول: h.zeinalzadeh@areeo.ac.ir)

۲- استادیار، بخش تحقیقات دانه‌های روغنی، موسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر، سازمان تحقیقات، ترویج و آموزش کشاورزی، کرج، ایران

تاریخ ارسال: ۹۹/۰۶/۱۶ تاریخ پذیرش: ۹۹/۰۸/۱۷

صفحه: ۱۸۰ تا ۱۹۲

چکیده

به منظور ارزیابی عملکرد و خصوصیات زراعی و واکنش به بیماری پژمردگی بوته لاین‌های خالص انتخابی با استفاده از روش‌های چندمتغیره، آزمایشی در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با سه تکرار در سال ۱۳۹۸ به اجرا در آمد. مواد ژنتیکی مورد ارزیابی در این بررسی شامل ۲۰ لاین برتر انتخابی به همراه رقم شاهد اولتان بودند. در طول فصل رشد صفات مختلف مانند درصد سبز کردن، روز تا شروع گلدهی، روز تا رسیدگی، ارتفاع بوته، ارتفاع شاخه‌بندی، ارتفاع اولین کیسول، تعداد کیسول در بوته، طول کیسول، قطر ساقه، تعداد دانه در کیسول، تعداد شاخه فرعی، میزان سبزیگی برگ، وزن هزار دانه و عملکرد دانه در هکتار اندازه‌گیری شدند. همچنین واکنش ژنوتیپ‌ها از نظر آلودگی به بیماری بوته‌میری فوزاریومی نمره‌دهی گردید. نتایج نشان داد که لاین ۲۰ با ۱۶۰۴ کیلوگرم در هکتار بالاترین عملکرد دانه را در بین ژنوتیپ‌های مورد مقایسه داشت. ارزیابی بیماری پژمردگی فوزاریومی بوته نشان داد که لاین‌های ۱، ۴، ۱۹ و ۲۰ متحمل‌ترین ژنوتیپ‌ها به بیماری پژمردگی فوزاریومی بوته بودند. بیشترین همبستگی مثبت و معنی‌دار عملکرد دانه با صفات تعداد کیسول در بوته، میزان سبزیگی برگ، تعداد دانه در کیسول، ارتفاع بوته، وزن هزاردانه، طول کیسول و درصد سبز کردن بود اما با تعداد روز تا شروع گلدهی، روز تا رسیدگی و ارتفاع اولین کیسول منفی و معنی‌دار بود. نتایج تجزیه رگرسیون گام‌به‌گام و تجزیه علیت صفت عملکرد دانه به‌عنوان متغیر وابسته و سایر صفات زراعی به‌عنوان متغیرهای مستقل نشان داد که سه صفت تعداد کیسول در بوته، تعداد دانه در کیسول و قطر ساقه به ترتیب بیشترین تاثیر مستقیم مثبت و معنی‌دار را روی عملکرد دانه داشتند. بیشترین تاثیر غیرمستقیم روی عملکرد دانه توسط تعداد دانه در کیسول از طریق تعداد کیسول در بوته بود. تجزیه خوشه‌ای، ژنوتیپ‌ها را در ۳ گروه متمایز گروه‌بندی کرد. گروه اول شامل لاین‌های ۱، ۴، ۱۳ و ۲۰ در اکثر صفات زراعی جزو ژنوتیپ‌های مطلوب بوده و به‌خوبی توسط تجزیه خوشه‌ای از سایر ژنوتیپ‌ها متمایز شدند. در کل، نتایج حاصل از این پژوهش نشان داد که لاین‌های ۲۰، ۴ و ۱ به ترتیب با بیشترین عملکرد دانه در هکتار و برتر از نظر خصوصیات زراعی مهم و متحمل به بیماری پژمردگی بوته نسبت به رقم شاهد اولتان به‌عنوان لاین‌های امیدبخش قابل توصیه در منطقه مغان بودند.

واژه‌های کلیدی: بیماری پژمردگی بوته، تجزیه علیت، عملکرد، کنجد، همبستگی

مقدمه

اهمیت دانه‌های روغنی در تامین نیاز خوراکی و حتی صنعتی غیرقابل انکار است. با این وجود متأسفانه در کشور ما برخلاف سایر کشورها به تولید، مدیریت و توسعه دانه‌های روغنی در مقایسه با سایر محصولات زراعی کمتر توجه شده است و نتیجه آن واردات بیش از ۸۵ درصدی روغن مورد نیاز کشور از خارج می‌باشد (۲).

در بین گیاهان زراعی، کنجد (*Sesamum indicum* L.) به دلیل مقاومت به خشکی و گرما اهمیت زیادی در توسعه کشاورزی در مناطق خشک و نیمه‌خشک به‌عنوان کشت تابستانه دارد (۳۶). کنجد یکی از کهن‌ترین دانه‌های روغنی است که در بیشتر مناطق گرمسیری و نیمه‌گرمسیری کشت می‌شود. در ایران کشت کنجد در استان‌های خوزستان، بوشهر، سیستان و بلوچستان، فارس، سمنان و اردبیل (مغان) متداول است (۱۳). به دلیل نیاز آبی کم، کنجد به‌صورت زراعت اصلی یا کشت مخلوط همراه با پنبه در بهار و همچنین به‌عنوان کشت دوم پس از برداشت غلات کشت می‌شود. از دانه کنجد به‌صورت خام، آجیلی، در شیرینی‌پزی و

نانوایی و یا در صنعت برای تهیه عطر، صابون، کاغذهای کربنی و... استفاده می‌شود (۳۷، ۱۶).

از طرف دیگر، روغن کنجد از کیفیت بالایی برخوردار بوده و به دلیل دارا بودن میزان قابل توجهی ترکیبات ریزمغذی از جمله ترکیبات آنتی‌اکسیدانی، یون‌های فلزی و اسیدآمین‌های ضروری و نیز اسیدهای چرب غیراشباع به‌عنوان ملکه دانه‌های روغنی شناخته شده است (۳۵). در کنار مصارف کنجد به‌صورت تغذیه‌ای، این گیاه به دلیل سازگاری به طیف وسیعی از شرایط آب و هوایی، تحمل به تنش کم‌آبی و قابلیت رشد در انواع خاک‌های نامطلوب، جایگاه ویژه‌ای در کشاورزی جهان دارد (۳). طبق آمار فائو در سال ۲۰۱۸، میزان سطح زیر کشت کنجد در ایران ۴۲ هزار هکتار، میانگین عملکرد دانه ۶۹۰ کیلوگرم در هکتار و میزان تولید دانه کنجد ۲۹ هزار تن بوده است (۸).

با وجود اینکه دانه کنجد از نظر غذایی بسیار غنی بوده، روغن و پروتئین زیاد و با کیفیت بسیار مطلوب دارد (۲۹) اما عواملی همچون پایین‌تر بودن عملکرد دانه کنجد (۳۷) و تولید آسان‌تر سایر دانه‌های روغنی (۳۱)، عدم بهره‌گیری از

از طرف دیگر، پوسیدگی فوزاریومی ریشه و ساقه کنگد که پوسیدگی یکطرفه نیز نامیده می‌شود، مهمترین بیماری خاکزاد و بذرزاد کنگد در مناطق معتدله محسوب می‌شود (۳۰). قارچ *Fusarium oxysporum* (Schlecht.) f.sp. عامل بیماری پژمردگی بوته در کنگد می‌باشد (۱). بنابراین، بررسی واکنش لاین‌های منتخب برای معرفی به عنوان رقم جدید کنگد برای منطقه مغان از نظر تحمل به این بیماری نیز بسیار حائز اهمیت است.

هدف از این پژوهش، ارزیابی عملکرد و خصوصیات زراعی و واکنش به بیماری پژمردگی بوته لاین‌های خالص انتخابی در یک آزمایش مقدماتی عملکرد با استفاده از روش‌های چندمتغیره در منطقه مغان بود.

مواد و روش‌ها

موقعیت جغرافیایی محل آزمایش

این مطالعه در ایستگاه تحقیقات کشاورزی مغان واقع در مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی استان اردبیل واقع در دشت مغان با مشخصات عرض جغرافیایی ۳۹ درجه و ۳۹ دقیقه شمالی و طول جغرافیایی ۴۷ درجه و ۴۲ دقیقه شرقی و ارتفاع از سطح دریا ۶۰ متر انجام شد. این منطقه دارای تابستان‌های گرم و نسبتاً مرطوب و زمستان‌های معتدل دارای یخبندان محدود با متوسط حداکثر دمای سالانه ۳۵ درجه سانتی‌گراد و متوسط بارندگی سالیانه ۲۵۰ میلی‌متر می‌باشد. حداکثر درجه حرارت ثبت‌شده ۴۱ درجه سانتی‌گراد در تیرماه و حداقل آن ۱۶/۵- درجه در دی ماه می‌باشد. متوسط تبخیر سالانه ۱۴۸۶ میلی‌متر می‌باشد که بیشترین مقدار آن متعلق به ماه‌های تیر و مرداد می‌باشد. شرایط آب و هوایی محل اجرای آزمایش طی سال‌های اجرای آزمایش در جدول ۱ آورده شده است.

روش‌های نوین کشت و نیز فقدان مواد ژنتیکی اصلاح‌شده (ارقام جدید) منجر به کاهش عملکرد و ناکارآمد جلوه‌نمودن زراعت کنگد در مقایسه با گیاهان زراعی دیگر شده است (۴۱،۲۶،۲۵).

گزینش ژنوتیپ‌ها در کنگد برای دستیابی به عملکرد بالا یکی از علاقه‌مندی‌های به‌نژادگران این گیاه می‌باشد. روند به‌نژادی در کنگد کار آسانی نیست زیرا همانند سایر گیاهان، صفت عملکرد یک پدیده پیچیده و تحت کنترل عوامل ژنتیکی و محیطی مختلفی می‌باشد که بصورت مستقیم و غیر مستقیم بر آن اثر می‌گذارند (۳۷). اجزای عملکرد نیز خصوصیات پیچیده‌ای دارند و بررسی برهمکنش آنها با هم و همچنین تاثیر آنها روی عملکرد گیاه بسیار حائز اهمیت است (۶). بنابراین، درک روابط بین عملکرد و اجزای آن در روند گزینش و در خلال برنامه اصلاحی بسیار مهم است که می‌تواند بوسیله روش‌های تجزیه همبستگی، علیت، تجزیه عاملی، مولفه‌های اصلی و ... انجام پذیرد. تاکنون پژوهشگران مختلفی از تجزیه همبستگی و علیت، تجزیه به مولفه‌های اصلی، تجزیه به عامل‌ها، و تجزیه خوشه‌ای برای درک روابط عملکرد و اجزای آن در کنگد استفاده کرده‌اند (۵، ۱۱، ۱۶، ۱۹، ۲۲، ۲۵، ۲۶، ۳۷، ۳۸، ۴۰). از طرف دیگر، در گذشته عمده زراعت کنگد در کشور ما با استفاده از ارقام و توده‌های بومی صورت گرفته است. از معایب توده‌های بومی کنگد کشور دیررسی، غیریکنواختی و حساسیت به بیماری‌ها می‌باشد (۴۱). در این راستا تعیین لاین‌های برتر در آزمایش‌های مقدماتی می‌تواند زمینه‌ساز اجرای آزمایش‌های سازگاری در مناطق مختلف کشور شده و نهایتاً منجر به معرفی ارقام جدید و جایگزینی با ارقام یا توده‌های بومی فعلی شود. در شرایط کنونی، پایداری سطح کشت و تداوم زراعت هر گیاه در عرصه کشاورزی کشور ضمن بررسی بازدهی اقتصادی آن صورت می‌گیرد و از این دیدگاه معرفی ارقام برتر کنگد در توسعه سطح کشت این گیاه در منطقه مغان به عنوان یکی از مناطق مستعد رشد این گیاه تاثیر گذار خواهد بود.

جدول ۱- داده‌های هواشناسی منطقه مغان در طول فصل رویش کنگد در سال ۱۳۹۸

Table 1. Meteorological data of Moghan region during the sesame growing season in 2019

متغیر	تیر	مرداد	شهریور	مهر	آبان
درجه حرارت کمینه (درجه سلسیوس)	۲۰/۳	۲۰/۸	۱۶/۸	۱۳/۶	۶/۳
درجه حرارت بیشینه (درجه سلسیوس)	۳۴/۲	۳۳/۱	۲۷/۲	۲۴/۶	۱۹/۷
میانگین درجه حرارت (درجه سلسیوس)	۲۷/۳	۲۷/۰	۲۲/۰	۱۹/۱	۱۲/۱
بارش (میلی‌متر)	۰/۱	۰/۱	۱/۰	۰/۴	۰/۱

۱۳۹۷-۹۷۰۷۵۱-۱۳۹-۰۳-۰۳-۰۰) در سال ۱۳۹۷ (۱۸) به‌همراه رقم شاهد اولتان بودند (جدول ۱). آزمایش در منطقه مغان در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با سه تکرار در سال ۱۳۹۸ به اجرا درآمد.

مواد ژنتیکی و روش اجرای آزمایش

مواد ژنتیکی مورد ارزیابی در این بررسی شامل برترین لاین‌های انتخابی (۲۰ لاین) از نسل F6 حاصل از اداره نسل‌های درحال تفکیک به‌روشن شجره‌ای طی پروژه شماره

جدول ۲- شجره مواد ژنتیکی استفاده شده در آزمایش مقدماتی لاین‌های امیدبخش کنجد در سال ۱۳۹۸

Table 2. Pedigree of genetic materials used in the preliminary experiment of promising sesame lines in 2019

ردیف	شجره ژنوتیپ	شماره لاین سال قبل
۱	۳- Ts×۲۸۲۲	۹۷-۶۰۱
۲	۳- Ts×۲۸۲۲	۹۷-۶۰۳
۳	۳- Ts×۲۸۲۲	۹۷-۶۰۴
۴	۱۹- M×۲۸۲۲	۹۷-۶۰۶
۵	yell×۲۸۲۲	۹۷-۶۰۸
۶	yell×۲۸۲۲	۹۷-۶۰۹
۷	Ch×۱-k	۹۷-۶۱۰
۸	Ch×۱-k	۹۷-۶۱۱
۹	Ch×۱-k	۹۷-۶۱۳
۱۰	۳- Ts×Olt	۹۷-۶۱۵
۱۱	۲۵ Tc×Olt	۹۷-۶۱۶
۱۲	۱۹ M×۱ \India	۹۷-۶۱۷
۱۳	۱۹ M×۱ \India	۹۷-۶۱۸
۱۴	۱۹ M×۱ \India	۹۷-۶۱۹
۱۵	Sis× KBk × ۲۸۲۲	۹۷-۶۲۰
۱۶	Sis× KBk × ۲۸۲۲	۹۷-۶۲۱
۱۷	Sis× KBk × ۲۸۲۲	۹۷-۶۲۲
۱۸	Pm×HN×Kbk	۹۷-۶۲۳
۱۹	Pm×HN×Kbk	۹۷-۶۲۴
۲۰	(TN× KBK) ×Olt	۹۷-۶۲۵
۲۱	اولتان	رقم شاهد

شجره‌های تکراری، لاین‌های انتخابی از مناطق مختلف در بررسی نسل‌های در حال تفکیک هستند.

شد. بعد از برداشت وزن هزار دانه و عملکرد دانه در هکتار محاسبه شدند.

برای ارزیابی شدت بیماری بوته‌میری فوزاریومی ژنوتیپ‌ها از مقیاس ۱ الی ۵ (۳۰) بدین صورت استفاده شد: ۱: گیاه فاقد نشانه‌های بیماری و کاملاً سالم (متحمل)، ۲: تعداد محدودی لکه نکروزه روی ساقه و ریشه (نسبتاً متحمل)، ۳: لکه‌های نکروزه توسعه یافته و آلودگی بخشی از گیاه (نسبتاً حساس)، ۴: توسعه نشانه‌های بیماری کاملاً بر روی ریشه و ساقه پژمردگی گیاه (حساس) و ۵: مرگ گیاه بر اثر بیماری (بسیار حساس).

تجزیه و تحلیل داده‌ها

جهت تجزیه آماری نخست شناسایی و اصلاح داده‌های پرت با استفاده از آزمون گراب (۱۲) و فاصله ماهالانویس (۱۷) صورت گرفت. سپس نرمال بودن توزیع داده‌ها توسط آزمون شاپیرو-ویلک (۳۳) بررسی شد. به دلیل یکسان نبودن صفت درصد سبز کردن لاین‌ها، قبل از تجزیه واریانس تجزیه کوواریانس انجام و میانگین‌ها بر اساس نتایج آن تصحیح شدند. سپس تجزیه واریانس داده‌ها بر اساس طرح بلوک‌های کامل تصادفی و مقایسه میانگین‌های صفاتی که آزمون F آنها در جدول تجزیه واریانس معنی‌دار بود به روش حداقل اختلاف معنی‌دار (LSD) توسط نرم‌افزار SAS نسخه ۹/۱ (۳۲) صورت گرفت. به دلیل رتبه‌ای بودن داده‌های شدت بیماری، از آزمون ناپارامتری فریدمن (۹) با استفاده از نرم‌افزار Minitab نسخه ۱۸ (۳۴) استفاده شد.

بافت خاک مزرعه آزمایشی لومی بوده و زمین مورد آزمایش در سال قبل زیر کشت گندم بود. زمین زراعی در نظر گرفته شده در اواسط بهار شخم زده شد. کوددهی با توجه به آزمون خاک به صورت ۱۵۰ کیلوگرم کود اوره و ۱۵۰ کیلوگرم کود فسفات، ۵۰ کیلوگرم در هکتار کود ازته به صورت سرک در مرحله قبل از گلدهی و ۳ کیلوگرم در هکتار کود کامل ماکرو و میکرو به صورت محلول پاشی در مرحله قبل از گلدهی صورت گرفت. آبیاری به صورت دور آبیاری و بر اساس عرف منطقه صورت گرفت. برای مبارزه با علف‌های هرز از علف کش ترفلان به نسبت ۲ لیتر در هکتار و همچنین وچین دستی استفاده شد. فارو کشی با ایجاد خطوط به فاصله ۶۰ سانتیمتر انجام شد. کاشت در ۹ تیر ماه ۱۳۹۸ انجام شد. هر کرت آزمایشی شامل ۳ خط ۵ متری، با فاصله خطوط ۶۰ سانتیمتر و فاصله بوته‌ها روی خطوط ۱۰ الی ۱۵ سانتیمتر و به صورت جوی و پشته انجام شد. در طول دوره رشد مراقبت‌های زراعی از قبیل مبارزه با علف‌های هرز و آفات احتمالی صورت گرفت. در طول فصل رشد یادداشت‌برداری از صفات مختلف مانند درصد سبز کردن، روز تا شروع گلدهی، روز تا رسیدگی، ارتفاع بوته، ارتفاع شاخه‌بندی، ارتفاع اولین کپسول، تعداد کپسول در بوته، طول کپسول، قطر ساقه، تعداد دانه در کپسول، تعداد شاخه فرعی، میزان سبزیگی برگ (SPAD) انجام شد. در پایان فصل با توجه به اختلاف زمان رسیدگی لاین‌ها، با در نظر گرفتن اثرات حاشیه‌ای با حذف دو خط کناری و ۰/۵ متر از ابتدا و انتهای خطوط برداشت انجام

به منظور رعایت مفروضات تجزیه رگرسیون، آزمون دوربین-واتسون برای تشخیص خود همبستگی در مدل رگرسیون انجام شد. به منظور اجتناب از عامل تورم واریانس (VIF) از تبدیل لگاریتمی متغیر وابسته (log transform) و تبدیل استاندارد (Z score transform) متغیرهای مستقل در مدل رگرسیونی استفاده شد. برای تجزیه همبستگی، رگرسیون گام به گام و تجزیه علیت از نرم افزار SPSS نسخه ۲۴ (۱۴) استفاده شد. دندروگرام تجزیه خوشه‌ای با استفاده از نرم افزار Minitab نسخه ۱۸ (۳۴) انجام یافت.

نتایج و بحث

تجزیه واریانس و مقایسه میانگین صفات

تجزیه واریانس داده‌های کنجد نشان داد که صفات درصد سبز کردن، روز تا شروع گلدهی، روز تا رسیدگی، ارتفاع شاخه بندی، تعداد دانه در کپسول، تعداد شاخه فرعی، میزان سبزیگی، وزن هزار دانه و عملکرد دانه در سطح احتمال یک درصد و صفت تعداد کپسول در بوته در سطح احتمال پنج درصد معنی دار بود اما برای صفات ارتفاع بوته، ارتفاع اولین کپسول، طول کپسول و قطر ساقه غیر معنی دار بود (جدول ۳). مقایسه میانگین داده‌های درصد سبز کردن نشان داد که لاین‌های ۲۰ و ۱۳ بیشترین (۱۰۰) و لاین ۲ کمترین (۵۵) درصد سبز کردن را داشتند. لاین‌های ۱، ۴، ۱۷ و ۱۲ بالاتر از رقم شاهد اولتان (۹۳) بودند اما رقم شاهد اختلاف آماری معنی داری با آنها نداشت (جدول ۴).

از نظر صفت روز تا شروع گلدهی لاین ۲۰ با ۴۲/۷ روز در مدت زمان کوتاه‌تری به گل رفت. لاین ۶ با ۶۵/۷ روز نیز بیشترین تعداد روز تا شروع گلدهی را داشت. همین ژنوتیپ با

۱۰۷/۳ روز دیررس‌ترین لاین در بین ژنوتیپ‌های مورد مقایسه بود در حالی که لاین ۱۳ با ۹۷/۳ روز کمترین تعداد روز تا رسیدگی را داشت. ضریب تغییرات صفات روز تا شروع گلدهی و روز تا رسیدگی در این آزمایش به ترتیب ۴/۸۹ و ۲/۸۵ درصد بود که حاکی از دامنه تغییرات محدود این صفات در بین ژنوتیپ‌های مورد بررسی بود. این ضرایب در آزمایش صالحی و سعیدی (۳۱) به ترتیب ۲/۳۲ و ۶/۵۲ بود که با نتایج این آزمایش همخوانی داشت. آنها نتیجه گرفتند که صفت زودرسی در کنجد برای همزمان نشدن دوره رسیدگی محصول با شرایط نامطلوب محیطی (از جمله سرمای زودرس و بارندگی‌های پاییزه آخر فصل در منطقه مغان) بسیار مهم می‌باشد. نتیجه مشابهی نیز توسط بابو و همکاران (۴) و نصیری و سعیدی (۲۱) گزارش شده است.

نصیری و سعیدی (۲۱) گزارش کردند بین ژنوتیپ‌های مورد بررسی از نظر تعداد روز تا رسیدگی تنوع زیادی مشاهده شد و بیان کردند که ژنوتیپ انتخابی از توده محلی با ۱۷۰ روز بیشترین و رقم یکتا با ۱۱۸ روز کمترین طول دوره رشد را داشتند.

از نظر صفت ارتفاع شاخه بندی لاین ۲۰ با ۱۷/۵ سانتی‌متر کمترین و لاین ۸ با ۵۷/۳ سانتی‌متر بیشترین ارتفاع شاخه بندی را داشتند (جدول ۴). در آزمایش رضانی و منصوری (۲۶) و ایرانی تکل و همکاران (۱۵) بین ژنوتیپ‌های مورد مقایسه از نظر صفت ارتفاع شاخه بندی اختلاف آماری معنی داری مشاهده نشد اما آنها بیان کردند که برای افزایش عملکرد می‌توان از این صفت در ارتباط با عملکرد دانه به دلیل داشتن همبستگی مثبت و معنی دار با آن بهره جست.

جدول ۳- تجزیه واریانس ۲۱ لاین امیدبخش کنجد از نظر عملکرد، اجزای عملکرد و صفات زراعی

Table 3. Analysis of variance in 21 promising lines of sesame for yield, yield components and agronomic traits

منابع تغییر	درصد سبز کردن	روز تا شروع گلدهی	روز تا رسیدگی	ارتفاع بوته (سانتی‌متر)	ارتفاع شاخه‌بندی (سانتی‌متر)	ارتفاع اولین کپسول (سانتی‌متر)	تعداد کپسول در بوته	تعداد کپسول (میلی‌متر)	قطر ساقه (میلی‌متر)	تعداد دانه در کپسول	تعداد شاخه فرعی	میزان سبزیگی برگ (SPAD)	وزن هزار دانه (گرم)	عملکرد دانه (کیلوگرم در هکتار)
بلوک	۱۱۶/۶۸	۸/۸۷	۱۰/۳۳	۲۴۸/۷۵	۳۱/۳۳	۱۴۲/۲۱	۲۰/۸۹	۲/۰۵	۷/۶۸*	۲۸۷/۱۹*	-/۰۹	۶/۳۹	۰/۲۵	۲۳۶۴۸/۰۴
ژنوتیپ	۵۶۵/۵۸**	۱۳۰/۴۰**	۲۰/۹۰**	۱۶۸/۴۳	۲۶۹/۶۹**	۱۵۳/۳۳	۱۷۸/۹۹*	۷/۸۴	۱/۵۲	۳۲۹/۵۶**	۱/۲۰**	۳۶/۲۳**	۰/۸۴**	۱۷۶۱۳۰/۸۲**
خطا	۱۲۸/۴۸	۶/۸۲	۸/۴۷	۳۷۳/۶۴	۸۸/۶۰	۱۹۸/۲۹	۷۷/۶۹	۴/۴۵	۲/۱۱	۸۸/۹۹	-/۵۰	۱۲/۸۲	۰/۲۵	۶۷۲۵۰/۰۳
ضریب تغییرات (درصد)	۱۳/۵۵	۴/۸۹	۲/۸۵	۱۹/۷۵	۲۴/۳۵	۲۲/۴۴	۱۷/۶۷	۸/۵۷	۱۱/۹۶	۳۰/۴۴	۲۳/۶۴	۷/۵۵	۱۸/۸۵	۲۳/۱۲

* و **: به ترتیب معنی‌دار در سطح احتمال ۵ و ۱ درصد

جدول ۴- مقایسه میانگین ۲۱ لاین امیدبخش کنجد از نظر عملکرد، اجزای عملکرد و صفات زراعی به روش حداقل اختلاف معنی‌دار (LSD)

Table 4. Mean comparison of 21 promising sesame lines for yield, yield components and agronomic traits using the least significant difference (LSD) method

ژنوتیپ	درصد سبز کردن	روز تا شروع گلدهی	روز تا رسیدگی	ارتفاع شاخه‌بندی (سانتی‌متر)	تعداد کپسول در بوته
۱	a	۹۹/۰	efg	۹۸/۷	ab
۲	f	۵۵/۰	fg	۱۰۳/۰	bcdefg
۳	ab	۸۵/۰	bc	۱۰۳/۳	g
۴	a	۹۸/۵	fg	۱۰۷/۷	abc
۵	abcd	۸۳/۰	ef	۱۰۲/۷	abc
۶	ef	۶۰/۵	a	۱۰۷/۳	defg
۷	def	۶۴/۵	ab	۱۰۶/۷	bcdef
۸	bcde	۷۶/۰	abc	۱۰۳/۰	defg
۹	bcde	۷۸/۵	fg	۱۰۲/۰	abcd
۱۰	cdef	۶۵/۰	fg	۱۰۰/۰	bcdef
۱۱	ab	۸۷/۵	g	۹۷/۷	bcdef
۱۲	a	۹۷/۵	fg	۱۰۷/۳	bcdef
۱۳	a	۱۰۰	fg	۹۷/۳	abcd
۱۴	ab	۸۵/۰	fg	۱۰۰/۷	bcdefg
۱۵	bcde	۷۵/۰	fg	۱۰۷/۷	bcdefg
۱۶	abc	۸۳/۵	de	۱۰۲/۰	fg
۱۷	a	۹۷/۵	fg	۱۰۴/۰	abcde
۱۸	abcd	۸۱/۵	ab	۱۰۶/۳	cdefg
۱۹	ab	۹۱/۰	cd	۱۰۲/۳	efg
۲۰	a	۱۰۰	h	۱۰۰/۰	a
۲۱	ab	۹۳/۰	fg	۱۰۲/۳	bcdefg

میانگین‌ها در هر ستون که دارای حداقل یک حرف مشابه می‌باشند بر اساس آزمون حداقل اختلاف معنی‌دار (LSD) در سطح احتمال پنج درصد تفاوت معنی‌دار ندارند.

ادامه جدول ۴- مقایسه میانگین ۲۱ لاین امیدبخش کنگد از نظر عملکرد، اجزای عملکرد و صفات زراعی به روش حداقل اختلاف معنی‌دار (LSD)

Continue of Table 4. Mean comparison of 21 promising sesame lines for yield, yield components and agronomic traits using the least significant difference (LSD) method

ژنوتیپ	تعداد دانه در کپسول	تعداد شاخه فرعی	میزان سبزیگی برگ (SPAD)	وزن هزاردانه (گرم)	عملکرد دانه (کیلوگرم در هکتار)	واکنش به بیماری (مجموع رتبه)
۱	۴۷/۶	bc	۴۹/۵۸	۲/۹۲	abcd	۱۵
۲	۲۳/۵	ab	۴۴/۲۰	۱/۶۸	efgh	۵۲/۵
۳	۲۰/۳	bcd	۴۳/۶۲	۲/۳۷	gh	۲۸
۴	۲۸/۵	e	۵۲/۶۲	۳/۱۱	ab	۱۴۴۵
۵	۲۷/۴	bcde	۴۹/۶۲	۲/۸۸	abcdef	۲۷
۶	۲۳/۱	abc	۴۴/۷۷	۱/۵۸	cdefgh	۵۶/۵
۷	۱۸/۴	ab	۴۸/۳۹	۲/۱۵	defgh	۵۱/۵
۸	۲۶/۶	bcde	۴۷/۰۷	۲/۱۴	fgh	۵۱/۵
۹	۳۹/۵	bcde	۴۸/۹۲	۲/۷۵	abcde	۴۵/۵
۱۰	۴۴/۲	de	۴۸/۲۴	۲/۹۳	bedefgh	۳۵/۵
۱۱	۳۸/۳	de	۴۶/۴۷	۳/۱۳	bedefgh	۲۶/۵
۱۲	۳۴/۰	bcd	۴۴/۸۰	۲/۶۷	cdefgh	۲۶/۵
۱۳	۴۷/۹	bcde	۵۳/۲۶	۳/۲۳	ab	۳۱
۱۴	۲۵/۷	cde	۴۲/۸۳	۲/۳۶	cdefgh	۳۳
۱۵	۲۶/۳	bcde	۴۶/۴۶	۲/۸۸	cdefgh	۲۶/۵
۱۶	۱۷/۰	bcde	۴۶/۱۹	۳/۰۲	h	۲۸/۵
۱۷	۳۰/۳	bcde	۴۷/۲۱	۳/۱۷	abcdefg	۳۲
۱۸	۱۸/۸	bcde	۴۱/۳۶	۱/۸۱	gh	۳۶
۱۹	۲۴/۴	bcde	۴۴/۸۸	۲/۷۷	fgh	۱۵
۲۰	۵۱/۳	a	۵۴/۳۹	۳/۴۰	a	۱۵
۲۱	۳۷/۷	bcde	۵۰/۹۰	۳/۰۰	bedefgh	۳۵

جدول ۵- همبستگی ساده بین صفات مختلف لاین‌های خالص کنجد

Table 5. Simple correlation among various traits of sesame lines

عملکرد دانه (۱۴)	وزن هزاردانه (۱۳)	میزان سبزیگی برگ (۱۲)	تعداد شاخه فرعی (۱۱)	تعداد دانه در کپسول (۱۰)	قطر ساقه (۹)	طول کپسول (۸)	تعداد کپسول در بوته (۷)	ارتفاع اولین کپسول (۶)	ارتفاع شاخه‌بندی (۵)	ارتفاع بوته (۴)	روز تا رسیدگی (۳)	روز تا شروع گلدهی (۲)	درصد سبز کردن (۱)
۱													
۲												۱	۰/۵۲۲*
۳											۱	۰/۷۹۱**	۰/۵۱۹*
۴										۱	۰/۴۳۱	۰/۵۵۵**	۰/۵۶۸**
۵									۱	۰/۲۴۶	۰/۵۶۵**	۰/۶۹۱**	۰/۱۲۴*
۶								۱	۰/۵۰۹*	۰/۱۷۵	۰/۶۴۸**	۰/۶۱۴**	۰/۰۷۳*
۷							۱	۰/۴۴۹*	۰/۲۸۱	۰/۶۹۷**	۰/۴۲۱	۰/۶۵۴**	۰/۴۱۵
۸							۱	۰/۲۷۶	۰/۳۸۳	۰/۳۱۲	۰/۵۱۵*	۰/۴۷۶*	۰/۲۸۳
۹							۱	۰/۱۳۳	۰/۳۳۷	۰/۳۴۹	۰/۴۱۹	۰/۱۵۲	۰/۰۵۶
۱۰							۱	۰/۵۷۳**	۰/۷۳۴**	۰/۵۱۱*	۰/۷۴۰**	۰/۷۳۳**	۰/۴۶۲*
۱۱							۱	۰/۳۸۱	۰/۱۹۳	۰/۰۷۸	۰/۳۰۰	۰/۰۹۲	۰/۱۰۸
۱۲							۱	۰/۴۱۷	۰/۷۶۷**	۰/۷۲۵**	۰/۴۵۰*	۰/۵۷۴**	۰/۴۳۴*
۱۳							۱	۰/۰۰۱	۰/۴۴۸*	۰/۴۱۵	۰/۷۱۰**	۰/۷۵۳**	۰/۷۲۴**
۱۴							۱	۰/۰۰۳	۰/۴۶۴*	۰/۲۸۷	۰/۴۹۶*	۰/۶۸۱**	۰/۴۸۷*

* و **: به ترتیب معنی‌دار در سطح احتمال ۵ و ۱ درصد

جدول ۶- ضرایب رگرسیونی استاندارد β و سطوح معنی‌داری متغیرهای وارد شده به مدل عملکرد دانه

Table 6. Standard regression coefficients and statistical significance of entered variables to the seed yield model

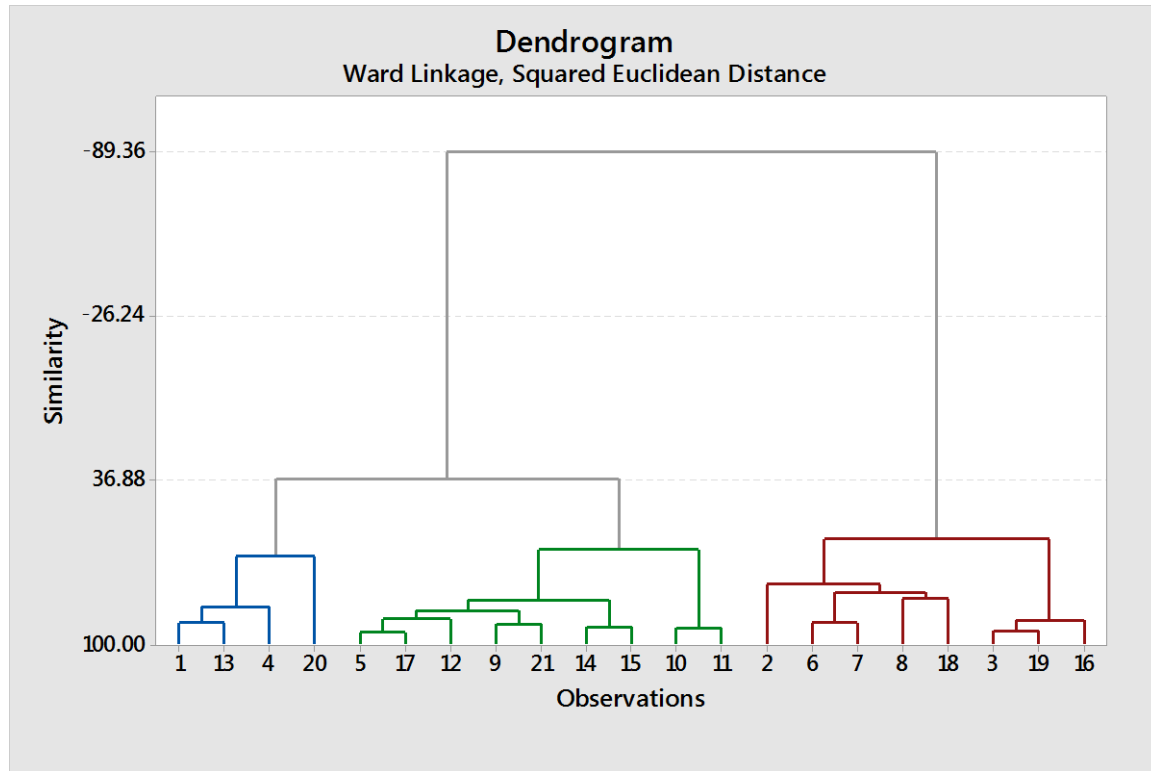
وزن هزاردانه	میزان سبزیگی برگ	تعداد شاخه فرعی	تعداد دانه در کپسول	قطر ساقه	طول کپسول	تعداد کپسول در بوته	ارتفاع اولین کپسول	ارتفاع شاخه‌بندی	ارتفاع بوته	روز تا رسیدگی	روز تا شروع گلدهی	درصد سبز کردن	ضریب رگرسیونی استاندارد β
۰/۰۵۰	۰/۱۱۱۲	۰/۰۶۵	۰/۳۵۹	۰/۱۶۲	۰/۰۸۷	۰/۶۸۷	۰/۰۳۵	۰/۱۱۱	۰/۰۶۴	۰/۰۱۶	۰/۰۱۴	۰/۰۰۶	ضریب رگرسیونی استاندارد β
۰/۵۷۵	۰/۳۱۳	۰/۳۳۴	۰/۰۰۳	۰/۰۴۰	۰/۳۷۱	۰/۰۰	۰/۷۱۱	۰/۱۳۸	۰/۵۸۰	۰/۸۷۲	۰/۸۸۷	۰/۹۳۳	سطح معنی‌دار

جدول ۷- اثرات مستقیم و غیرمستقیم صفات مستقل موثر بر عملکرد دانه لاین‌های کنجد

Table 7. Direct and indirect effects of independent variables affecting seed yield of sesame lines

متغیرها	اثر مستقیم	اثر غیرمستقیم از طریق		ضریب همبستگی ساده با عملکرد دانه
		تعداد کپسول در بوته	تعداد دانه در کپسول	
تعداد کپسول در بوته	۰/۶۸۷**	-	۰/۲۶۰	۰/۹۳۹**
تعداد دانه در کپسول	۰/۳۵۹**	۰/۴۹۷	-	۰/۷۹۹**
قطر ساقه	۰/۱۶۲*	۰/۰۲۵	۰/۱۳۴	۰/۰۰۳
مقدار باقیمانده: ۰/۲۸		ضریب تبیین تصحیح‌شده: ۰/۹۲۱		ضریب تبیین: ۰/۹۳۳

* و **: به ترتیب معنی‌دار در سطح احتمال ۵ و ۱ درصد



شکل ۱- دندروگرام تجزیه خوشه‌ای ۲۱ ژنوتیپ کنجد از نظر عملکرد و سایر خصوصیات زراعی
 Figure 1. Dendrogram of cluster analysis of 21 sesame genotypes in terms of yield and other agronomic characteristics

جدول ۸- میانگین افراد داخل هر گروه از نظر صفات اندازه‌گیری شده در تجزیه خوشه‌ای

Table 8. The average of within-group in terms of traits measured in cluster analysis

گروه	درصد سبز کردن	روز تا شروع گلدهی	روز تا رسیدگی	ارتفاع بوته (cm)	ارتفاع شاخه‌بندی	ارتفاع اولین کپسول	تعداد کپسول در بوته	طول کپسول	قطر ساقه	تعداد دانه در کپسول	تعداد شاخه فرعی	میزان سبزی‌نگی برگ	وزن هزار دانه	عملکرد دانه	واکنش به بیماری
گروه ۱	۹۹/۴	۴۶/۹	۹۹/۴	۱۰۸/۴	۳۱/۸	۵۹	۶۰/۶	۲۵/۱	۱۲	۴۳/۸	۳/۲	۵۲/۵	۳/۲	۱۴۹۷/۹	۱/۳
گروه ۲	۸۴/۷	۵۰	۱۰۱/۴	۹۷/۹	۳۷/۹	۶۰/۵	۵۱/۲	۲۵/۴	۱۲/۱	۳۳/۷	۲/۷	۴۷/۳	۲/۹	۱۱۵۱/۶	۲/۵
گروه ۳	۷۴/۶	۶۰/۴	۱۰۴/۳	۹۲/۶	۴۲/۹	۶۷/۱	۴۳/۱	۲۳/۳	۱۲/۱	۲۱/۵	۳/۲	۴۵/۱	۲/۲	۹۰۰/۳	۳/۴

مغان ۱، هندی ۱۱، مغان ۱۳، محلی مغان ۲ و B5YM7 به ترتیب دارای کمترین میزان آلودگی به بیماری بوده و به‌عنوان ژنوتیپ‌های نسبتاً مقاوم معرفی شدند. فلاح‌پوری و همکاران (۷) در بررسی ۲۰ ژرم‌پلاسم کنجد نتیجه گرفتند، توده محلی آسفیج په‌باد به‌عنوان مقاوم‌ترین و توده محلی کهنوج به‌عنوان حساس‌ترین ژرم‌پلاسم به این بیماری شناسایی شدند.

همبستگی ساده صفات

همبستگی ساده بین صفات مختلف زراعی لاین‌های کنجد در جدول ۵ ارائه شده است. بر این اساس، بیشترین همبستگی مثبت و معنی‌دار عملکرد دانه با صفات تعداد کپسول در بوته، میزان سبزی‌نگی برگ، تعداد دانه در کپسول، ارتفاع بوته و وزن هزاردانه در بود هرچند با صفات طول کپسول و درصد سبزرکدن نیز همبستگی مثبت و معنی‌دار ضعیف‌تری داشت اما همبستگی عملکرد دانه با تعداد روز تا شروع گلدهی، روز تا رسیدگی و ارتفاع اولین کپسول منفی و معنی‌دار بود. همبستگی وزن هزاردانه با صفات درصد سبزرکدن، میزان سبزی‌نگی برگ، تعداد دانه در کپسول، ارتفاع بوته، تعداد کپسول در بوته و طول کپسول مثبت و معنی‌دار اما با تعداد روز تا شروع گلدهی و تعداد روز تا رسیدگی منفی و معنی‌دار بود. میزان سبزی‌نگی برگ همبستگی مثبت و معنی‌داری با تعداد کپسول در بوته، ارتفاع بوته، تعداد دانه در کپسول و درصد سبزرکدن داشت در حالی که با صفات تعداد روز تا شروع گلدهی، تعداد روز تا رسیدگی و ارتفاع اولین کپسول همبستگی منفی و معنی‌داری داشت. قطر ساقه و تعداد شاخه فرعی با هیچ‌کدام از صفات همبستگی معنی‌داری نداشتند.

صفت تعداد دانه در کپسول با تعداد کپسول در بوته، طول کپسول، ارتفاع بوته و درصد سبزرکدن همبستگی مثبت و معنی‌داری داشت اما همبستگی آن با صفات تعداد روز تا شروع گلدهی، تعداد روز تا رسیدگی، ارتفاع اولین کپسول و ارتفاع شاخه‌بندی منفی و معنی‌دار بود. همبستگی طول کپسول با صفات تعداد روز تا شروع گلدهی و تعداد روز تا رسیدگی منفی و معنی‌دار بود. تعداد کپسول در بوته همبستگی مثبت و معنی‌داری با ارتفاع بوته داشت اما با صفات تعداد روز تا شروع گلدهی و ارتفاع اولین کپسول همبستگی منفی و معنی‌داری داشت.

همبستگی ارتفاع اولین کپسول با صفات تعداد روز تا شروع گلدهی، تعداد روز تا رسیدگی و ارتفاع شاخه‌بندی مثبت و معنی‌دار بود. ارتفاع شاخه‌بندی با تعداد روز تا شروع گلدهی و تعداد روز تا رسیدگی همبستگی مثبت و معنی‌داری داشت. همبستگی ارتفاع بوته با درصد سبزرکدن مثبت و معنی‌دار اما با تعداد روز تا شروع گلدهی منفی و معنی‌دار بود. همبستگی معنی‌دار اما با درصد سبزرکدن منفی و معنی‌دار بود. در خصوص همبستگی صفات مختلف با عملکرد دانه کنجد بین پژوهشگران نتایج متفاوتی گزارش شده است. بیشترین همبستگی مثبت و معنی‌دار با عملکرد دانه در آزمایش راثو و همکاران (۲۷) طول کپسول، در آزمایش رضانی و منصوری

از نظر تعداد کپسول در بوته تنوع ژنتیکی معنی‌داری در بین ژنوتیپ‌های مورد بررسی مشاهده شد به طوری که لاین ۲۰ با ۶۵/۸ عدد بیشترین و لاین ۳ با ۳۴/۹ عدد کمترین تعداد کپسول در بوته را داشتند (جدول ۴). صالحی و سعیدی (۳۱) گزارش کردند کمترین و بیشترین میانگین تعداد کپسول در بوته به ترتیب مربوط به توده اردستان و لاین اهواز ۱۰ بود. همچنین ضریب تغییرات این صفت در آزمایش آنها ۱۶/۵۴ درصد بود که با نتایج حاضر (۱۷/۶۷ درصد) هم‌خوانی داشت. در آزمایش رضانی و منصوری (۲۶) بیشترین تعداد کپسول در بوته مربوط به توده محلی بیرجند در مقایسه با لاین‌های امیدبخش و رقم شاهد اولتان بود که با نتایج این پژوهش هم‌خوانی نداشت. از نظر تعداد دانه در کپسول رتبه اول به لاین ۲۰ با ۵۱/۳ دانه در کپسول اختصاص داشت در حالی که کمترین تعداد دانه در کپسول مربوط به لاین ۱۶ با ۱۷/۰ دانه بود (جدول ۴). از نظر تعداد شاخه فرعی لاین ۲۰ با ۴/۷ شاخه فرعی بیشترین و لاین ۴ با ۱/۹ شاخه فرعی کمترین این صفت را به خود اختصاص داد (جدول ۴). در آزمایش نصیری و سعیدی (۲۱) بین ژنوتیپ‌های مورد مطالعه از نظر تعداد شاخه فرعی اختلاف معنی‌داری مشاهده شد که امکان انتخاب را در بین ژنوتیپ‌های مورد بررسی آنها فراهم ساخت. مقایسه میانگین ژنوتیپ‌ها از نظر میزان سبزی‌نگی در مرحله گلدهی نشان داد که لاین ۲۰ با ۵۴/۳۹ بیشترین و لاین ۱۸ با ۴۱/۳۶ کمترین میزان سبزی‌نگی را داشتند (جدول ۴). بیشترین وزن هزاردانه در آزمایش مربوط به لاین ۲۰ با ۳/۴۰ گرم و کمترین آن مربوط به لاین ۶ با ۱/۵۸ گرم بود (جدول ۴).

مقایسه ژنوتیپ‌ها از نظر عملکرد دانه نشان داد که لاین ۲۰ با ۱۶۰۴ کیلوگرم در هکتار بالاترین عملکرد و لاین ۱۶ با ۷۴۷ کیلوگرم در هکتار کمترین عملکرد دانه را در بین ژنوتیپ‌های مورد مقایسه داشت. لاین‌های ۱۳ (۱۵۲۱ کیلوگرم در هکتار)، ۴ (۱۴۴۵ کیلوگرم در هکتار)، ۱ (۱۴۲۱ کیلوگرم در هکتار)، ۹ (۱۳۷۹ کیلوگرم در هکتار)، ۵ (۱۲۷۶ کیلوگرم در هکتار) و ۱۷ (۱۲۰۳ کیلوگرم در هکتار) بعد از لاین ۲۰ و بدون تفاوت معنی‌دار از نظر آماری با آن، به ترتیب بیشترین عملکرد دانه را نسبت به رقم شاهد اولتان با ۱۱۵۷ کیلوگرم در هکتار داشتند (جدول ۴).

واکنش به بیماری پژمردگی بوته (*Fusarium wilt*)

جهت ارزیابی واکنش لاین‌های اصلاحی کنجد به بیماری پژمردگی فوزاریومی بوته، کرت‌های آزمایشی از نظر آلودگی به این بیماری نمره‌دهی شدند. به دلیل نرمال نبودن داده‌های رتبه‌ای حاصل، از آزمون فریدمن برای تجزیه نتایج استفاده شد. نتایج نشان داد که بین ژنوتیپ‌ها از نظر واکنش به بیماری اختلاف معنی‌داری در سطح احتمال ۵ درصد وجود دارد. در بین ژنوتیپ‌ها لاین‌های ۱، ۴، ۱۹ و ۲۰ با کمترین مجموع رتبه، متحمل‌ترین ژنوتیپ‌ها به بیماری پژمردگی فوزاریومی بوته شناخته شدند (جدول ۴). صادقی و منصوری (۳۰) در بررسی واکنش ارقام و لاین‌های پیشرفته کنجد به بیماری پژمردگی فوزاریومی در شرایط آزمایشگاه و گلخانه نتیجه گرفتند که ژنوتیپ‌های مغان ۱۹، شاهد گیجویه، محلی

بوته، وزن هزاردانه، طول کپسول و قطر ساقه به ترتیب اثر مستقیم مثبت و معنی‌داری بر عملکرد تک‌بوته داشتند. در آزمایش زینلی و همکاران (۳۸) نیز تعداد کپسول در بوته، وزن دانه در بوته و وزن هزاردانه اثر مستقیم و مثبت معنی‌داری بر عملکرد تک‌بوته‌ها داشتند. قاسمی‌پناه و همکاران (۱۰) در شرایط بدون تنش نتیجه گرفتند که به ترتیب صفات تعداد دانه در کپسول، تعداد کپسول در بوته و درصد روغن به‌عنوان متغیرهای تاثیرگذار مثبت بر عملکرد دانه بودند. خان و همکاران (۱۶)، پاریمالا و ماتور (۲۲) و راثو و همکاران (۲۷) گزارش کردند که تعداد کپسول در بوته بیشترین تاثیر مستقیم و مثبت را بر عملکرد دانه در کنجد دارد که با نتایج این تحقیق هم‌خوانی داشت. در بررسی پاتیل و لوکشا (۲۳) تعداد دانه در کپسول و تعداد کپسول در بوته به ترتیب بیشترین تاثیر مستقیم و مثبت روی عملکرد دانه کنجد داشتند در حالی که تاثیر تعداد روز تا رسیدگی و طول کپسول روی عملکرد دانه منفی بود. راثو و همکاران (۲۷) نتیجه گرفتند طول کپسول همبستگی مثبتی با عملکرد دانه داشت در حالی که تاثیر مستقیم آن روی عملکرد دانه منفی و به‌طور غیرمستقیم از طریق تعداد کپسول در بوته تاثیر مثبت بر عملکرد دانه کنجد دارد. نتایج آزمایش یول و همکاران (۳۷) ارتفاع بوته را بیشترین عامل تاثیرگذار مثبت و مستقیم در عملکرد دانه کنجد مشخص کرد و صفات تعداد روز تا شروع گلدهی، تعداد کپسول در بوته و وزن هزاردانه را در رتبه‌های بعدی قرار داد. همچنین تعداد شاخه فرعی و تعداد کپسول در بوته از طریق ارتفاع بوته بیشترین تاثیر غیرمستقیم مثبت را بر عملکرد دانه داشتند. آنها نتیجه گرفتند که این صفات در گزینش غیرمستقیم برای عملکرد دانه در کنجد اهمیت زیادی دارند.

تجزیه خوشه‌ای

به‌منظور گروه‌بندی ژنوتیپ‌های مورد مطالعه از نظر کلیه صفات زراعی، تجزیه خوشه‌ای به روش وارد (ward) و فاصله توان دوم اقلیدسی انجام یافت. بر اساس دندروگرام حاصله، ۳ گروه متمایز شکل گرفتند (شکل ۱). گروه اول شامل لاین‌های ۱، ۴، ۱۳ و ۲۰، گروه دوم شامل لاین‌های ۵، ۹، ۱۰، ۱۱، ۱۲، ۱۴، ۱۵، ۱۷ و رقم شاهد اولتان (۲۱) و گروه سوم شامل لاین‌های ۲، ۳، ۶، ۷، ۸، ۱۶، ۱۸ و ۱۹ بودند. میانگین صفات افراد گروه اول نشان داد که آنها در اکثر صفات زراعی جزو ژنوتیپ‌های مطلوب بوده و به‌خوبی توسط تجزیه خوشه‌ای از سایر ژنوتیپ‌ها متمایز شدند. گروه دوم شامل افراد دارای ارزش‌های کمتر از افراد گروه اول بودند که تنها در صفات طول کپسول و قطر ساقه اندکی بیشتر از میانگین افراد گروه اول بودند که تاثیر معنی‌داری در گروه‌بندی نداشت. گروه سوم نیز شامل افرادی بودند که کمترین ارزش‌ها را در بین ژنوتیپ‌های مورد بررسی داشتند. از نظر تحمل به بیماری نیز افراد گروه اول نسبت به گروه دوم و سوم متحمل‌تر بودند (جدول ۸).

نتایج تجزیه خوشه‌ای با نتایج فام و همکاران (۲۴) و رضانی و منصوری (۲۶) هم‌خوانی داشت. در آزمایش آنها نیز ژنوتیپ‌های کنجد در ۳ گروه متمایز جای گرفتند که میانگین افراد گروه‌های آنها با همدیگر متفاوت بود. مسعودی و

(۲۶) طول دوره رویش، در آزمایش‌های مسعودی (۱۹)، خان و همکاران (۱۶)، پاریمالا و ماتور (۲۲)، زینل زاده تبریزی و منصوری (۴۰)، زینلی و همکاران (۳۸) تعداد کپسول در بوته، در آزمایش پاتیل و لوکشا (۲۳) تعداد دانه در کپسول، در آزمایش قاسمی‌پناه و همکاران (۱۰) عملکرد روغن و در آزمایش یول و همکاران (۳۷) ارتفاع بوته گزارش شده است. روش‌های مختلفی از جمله تجزیه واریانس، همبستگی، رگرسیون و تجزیه علیت برای تجزیه و تحلیل عملکرد و اجزای آن استفاده می‌شود. اطلاع از همبستگی بین صفات، پایه‌ای را برای برنامه‌ریزی‌های اصلاحی در آینده فراهم می‌سازد و همچنین به‌نژادگران را در گزینش غیرمستقیم برای صفات مهم زراعی که اندازه‌گیری آنها آسان‌تر است یاری می‌رساند (۳۸).

رگرسیون چندگانه و تجزیه علیت

ارزیابی همبستگی صفات بسته به اینکه مثبت یا منفی باشند به دلیل اینکه در مسیر گزینش ژنوتیپ‌ها تاثیر می‌گذارند از اهمیت بالایی برخوردار هستند (۳۹). بدین‌منظور جهت درک بهتر و تفسیر مناسب‌تر نتایج حاصل از همبستگی ساده صفات، از تجزیه رگرسیون چندگانه گام‌به‌گام و تجزیه علیت برای شناسایی اثرات مستقیم و غیرمستقیم استفاده شد که نتایج آنها در جداول ۶ و ۷ آمده است.

نتایج رگرسیون گام‌به‌گام عملکرد دانه به‌عنوان متغیر وابسته و سایر صفات زراعی به‌عنوان صفات مستقل و پیش‌بینی‌کننده نشان داد که سه صفت تعداد کپسول در بوته ($0/687^*$)، تعداد دانه در کپسول ($0/359^*$) و قطر ساقه ($0/162^*$) به ترتیب بیشترین تاثیر مستقیم مثبت و معنی‌دار را روی عملکرد دانه داشتند و بقیه صفات در حضور این سه صفت اهمیت خود را از دست داده و در معادله نهایی وجود نداشتند. ضریب تبیین بالا ($0/933$) برای معادله رگرسیون بیانگر برازش مطلوب مدل آماری بود. البته مقدار بزرگ ضریب تبیین لزوماً به‌معنای مطلوب بودن مدل رگرسیون نیست. چرا که افزودن یک متغیر به مدل همیشه مقدار ضریب تبیین را صرفنظر از اینکه این متغیر در مدل مشارکت داشته باشد یا نه، افزایش خواهد داد. بنابراین متخصصان آمار استفاده از آماره ضریب تبیین تصحیح‌شده را ترجیح می‌دهند که با جایگزین کردن SSS و SSSY با MSD و MSY در فرمول محاسبه ضریب تبیین به‌دست می‌آید (۲۸). در معادله رگرسیونی مقدار ضریب تبیین تصحیح‌شده نیز بالا بوده و برابر با $0/921$ بود که نشانگر ورود متغیرهای با مشارکت پرمعنا در برازش مدل بوده و متغیرهای فاقد مشارکت پرمعنا از مدل حذف شده‌اند.

علیرغم اینکه صفت قطر ساقه همبستگی معنی‌داری با عملکرد دانه نداشت ($0/003$) اما اثر مستقیم مثبت و معنی‌داری روی عملکرد دانه ($0/162$) داشته است. بیشترین تاثیر غیرمستقیم روی عملکرد دانه توسط تعداد دانه در کپسول از طریق تعداد کپسول در بوته تبیین شد که با نتایج پاتیل و لوکشا (۲۳) در تطابق بود. زینل‌زاده تبریزی و منصوری (۴۰) در بررسی ارتباط صفات زراعی با عملکرد تک‌بوته در کنجد نتیجه گرفتند که صفت تعداد کپسول در

تعداد کپسول در بوته، تعداد دانه در کپسول و قطر ساقه به‌ترتیب بیشترین تاثیر مستقیم مثبت و معنی‌دار را روی عملکرد دانه داشتند. بیشترین تاثیر غیرمستقیم روی عملکرد دانه توسط تعداد دانه در کپسول از طریق تعداد کپسول در بوته بود. تجزیه خوشه‌ای، ژنوتیپ‌ها را در ۳ گروه متمایز گروه‌بندی کرد. گروه اول شامل لاین‌های ۱، ۴، ۱۳ و ۲۰ در اکثر صفات زراعی جزو ژنوتیپ‌های مطلوب بوده و به‌خوبی توسط تجزیه خوشه‌ای از سایر ژنوتیپ‌ها متمایز شدند. در کل، نتایج حاصل از این پژوهش نشان داد که لاین‌های ۱، ۴ و ۱۳ به‌ترتیب با بیشترین عملکرد دانه در هکتار و برتر از نظر خصوصیات زراعی مهم و متحمل به بیماری پژمردگی بوته نسبت به رقم شاهد اولتان به‌عنوان لاین‌های امیدبخش قابلیت ورود به آزمایش‌های سازگاری و سپس تحقیقی-ترویجی به‌منظور معرفی رقم در منطقه مغان را داشتند.

تشکر و قدردانی

این پژوهش بر اساس نتایج حاصل از اجرای پروژه ملی مصوب به‌شماره ۰۰۳-۰۳-۰۸۵-۹۸۰۵۶۴-۰۰۳-۰۳ موسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر در منطقه مغان است. بدین‌وسیله از موسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر به‌پاس‌تأمین هزینه‌های اجرای پروژه و نیز از مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی استان اردبیل به‌جهت فراهم‌نمودن امکانات اجرای پروژه تقدیر و تشکر به‌عمل می‌آید.

احمدی (۲۰) در بررسی ۹۴ لاین کنجد آنها را در ۵ گروه متمایز دسته‌بندی کردند و نتیجه گرفتند که گروه‌بندی ژنوتیپ‌ها با توزیع جغرافیایی آنها ارتباطی نداشته و تفاوت‌های مرفولوژیکی باعث تمایز و گروه‌بندی ژنوتیپ‌ها شده است. صالحی و سعیدی (۳۱) با استفاده از تجزیه خوشه‌ای، ۲۰ ژنوتیپ کنجد مورد بررسی در مطالعه‌شان را در دو گروه ژنوتیپی قرار دادند. ژنوتیپ‌های گروه اول دارای بیشترین عملکرد دانه و روغن در واحد سطح نسبت به ژنوتیپ‌های گروه دوم بودند. بنابراین نتیجه گرفتند که چنانچه هدف افزایش عملکرد باشد، انتخاب از میان ژنوتیپ‌های گروه اول مؤثرتر خواهد بود. در آزمایش نصیری و سعیدی (۲۱) بر اساس تجزیه خوشه‌ای ۷۰ ژنوتیپ کنجد در سه گروه متمایز گروه‌بندی شدند که با توجه به اینکه گروه دوم دارای تعداد کپسول در بوته و عملکرد دانه بالاتری بودند پیشنهاد کردند که از ژنوتیپ‌های گروه دوم برای برنامه‌های به‌نژادی آینده استفاده شود.

نتایج این پژوهش نشان داد که لاین ۲۰ با ۱۶۰۴ کیلوگرم در هکتار بالاترین عملکرد دانه را در بین ژنوتیپ‌های مورد مقایسه داشت. ارزیابی بیماری پژمردگی فوزاریومی بوته نشان داد که لاین‌های ۱، ۴، ۱۹ و ۲۰ متحمل‌ترین ژنوتیپ‌ها به بیماری پژمردگی فوزاریومی بوته بودند. بیشترین همبستگی مثبت و معنی‌دار عملکرد دانه با صفات تعداد کپسول در بوته، میزان سبزیگی برگ، تعداد دانه در کپسول، ارتفاع بوته، وزن هزاردانه، طول کپسول و درصد سبزکردن بود. نتایج تجزیه رگرسیون گام‌به‌گام و تجزیه علیت نشان داد که سه صفت

منابع

1. Afshari-Azad, H., A.A. Keyhanian and P. Shimi. 2018. Sesame Handbook (Plant Protection). Agricultural Research, Education and Extension Organization, Iranian Research Institute of Plant Protection.
2. Anonymous. 2012. Annual Report. Iranian Vegetable Oil Industry Association.
3. Ashri, A. 2007. Sesame (*Sesamum indicum* L.). In: Singh RJ, editor. Genetics resources, chromosome engineering and crop Improvement, oilseed crops. In edited by: CRC Press.
4. Babu, D., P. Kumar and C. Rani. 2005. Genetic variability, heritability and genetic advance of seed yield and its components in sesame (*Sesamum indicum* L.). Research on Crops, 6(2): 307-308.
5. Biabani, A. and H. Pakniyat. 2008. Evaluation of seed yield-related characters in sesame (*Sesamum indicum* L.) using factor and path analysis. Pakistan Journal of Biological Sciences, 11(8): 1157-1160.
6. Bidgoli, A.M., G.A. Akbari, M.J. Mirhadi, E. Zand and S. Soufizadeh. 2006. Path analysis of the relationships between seed yield and some morphological and phenological traits in safflower (*Carthamus tinctorius* L.). Euphytica, 148(3): 261-268.
7. Fallahpori, A., H. Aminian, N. Sahebani and S. Esmailzadeh-Hosseini. 2013. Evaluation of resistance of 20 sesame germplasms to damping-off caused by *Fusarium oxysporum* F. SP. Sesami in Yazd region and investigation of Phenylalanine Ammonialyase (PAL) activity in resistant and susceptible germplasms. Iranian Journal of Plant Pathology, 49(4): 149-151 (In Persian).
8. FAOSTAT. 2018. Agriculture Organization of the United Nations Statistics Division (2018). Available online at: <http://www.fao.org/faostat/en/#data>. Accessed August 2020.
9. Friedman, M. 1939. The use of ranks to avoid the assumption of normality implicit in the analysis of variance. Journal of the American Statistical Association, 32(200): 675-701.
10. Ghasemipanah, M., R. Aminian, M. Gholamhoseini and F. Habibzadeh. 2019. Study the relationship between grain and oil yields with some morphological traits in sesame by multivariate analysis. Journal of Crop Production, 12(3): 119-208 (In Persian).
11. Gholinezhad, E. and R. Darvishzadeh. 2020. Path analysis of effective traits on oil and protein yield in sesame genotypes under different moisture conditions and mycorrhiza utilization. Iranian Journal of Field Crop Science, 51(1): 177-194 (In Persian).
12. Grubbs, F.E. 1969. Procedures for detecting outlying observations in samples. Technometrics, 11(1): 1-21.

13. Heidari, M., M. Goleg, H. Ghorbani and M. Baradaran-Firozabad. 2016. Effect of drought stress and foliar application of iron oxide nanoparticles on grain yield, iron content and photosynthetic pigments in sesame (*Sesamum indicum* L.). Iranian Journal of Field Crop Science, 46(4): 619-628 (In Persian).
14. IBM CORPORATION. 2016. SPSS for Windows, version 24. IBM Corp Armonk (NY).
15. Irani-Taklae, S.K., S. Farzaneh, A. Tobeh and H. Zeinalzadeh-Tabrizi. 2019. Investigation and comparison of promising cultivars and lines of sesame in Moghan region using correlation and cluster analysis. 2nd International and 6th National Iranian Congress on Organic vs. Conventional Agriculture, University of Mohaghegh Ardabili, Ardabil, Iran, August 2019.
16. Khan, N.U.I., M. Akbar, K.M. Sabir and S. Iqbal. 2001. Characters association and path coefficient analysis in sesame (*Sesamum indicum* L.). Journal of Biological Sciences, 1: 99-100.
17. Mahalanobis, P.C. 1936. On the generalized distance in Statistics.
18. Mansouri, S. 2012. Selection in landraces and segregating generations and differentiation of sesame traits for agronomical traits and optimal quality. Research Report. Seed and Plant Improvement Institute (SPII). (In Persian).
19. Masoudi, B. 2019. An evaluation of the relationship between seed yield and oil percentage with some important agronomic traits in sesame by using path analysis and principal component analysis. Iranian Journal of Field Crops Research, 17(1): 99-110 (In Persian).
20. Masoudi, B. and M. Ahmadi. 2019. Evaluation of genetic diversity of agronomic and morphological traits of sesame genotypes. Journal of Crop Breeding, 11(31): 78-91 (In Persian).
21. Nasiri, F. and G. Saeidi. 2013. Evaluation of genetic variation of the breeding lines isolated from sesame (*Sesamum indicum* L.) landraces. Iranian Journal of Field Crops Research, 10(4): 659-666 (In Persian).
22. Parimala, K. and R. Mathur. 2006. Yield component analysis through multiple regression analysis in sesame. International Journal of Agricultural Research, 2: 338-340.
23. Patil, M. and R. Loksha. 2018. Estimation of genetic variability, heritability, genetic advance, correlations and path analysis in advanced mutant breeding lines of sesame (*Sesamum indicum* L.). Journal of Pharmacognosy & Natural Products, 4: 1-4.
24. Pham, T.D., M. Geleta, T.M. Bui, T.C. Bui, A. Merker and A.S. Carlsson. 2011. Comparative analysis of genetic diversity of sesame (*Sesamum indicum* L.) from Vietnam and Cambodia using agro-morphological and molecular markers. Hereditas, 148(1): 28-35.
25. Ramazani, S.H.R. 2013. Investigation on the yield and yield components of Iranian promising Sesame (*Sesamum indicum* L.) lines. International Journal of Agriculture and Crop Sciences, 6(1): 23-26.
26. Ramazani, S.H.R. and S. Mansouri. 2017. Relationships of quantitative traits in advanced lines of sesame. Journal of Crop Breeding, 9(23): 58-66 (In Persian).
27. Rao, V.T., D. Bharathi, Y.C. Mohan, V. Venkanna and D. Bhadru. 2013. Genetic variability and association analysis in sesame (*Sesamum indicum* L.). Crop Research (Hisar), 46(1/3): 122-125.
28. Rezaei, A. and A. Soltani. 1998. An Introduction to Applied Regression Analysis. Isfahan University of Technology, Isfahan, Iran.
29. Robbelen, G., R.K. Downey and A. Ashri. 1987. Oil Crops of the World. Mc GrawHill Publication. New York.
30. Sadeghi, H. and S. Mansouri. 2016. Reaction of improved sesame lines and cultivars to fusarium wilt at in vitro and greenhouse conditions. Applied Researches in Plant Protection, 5(2): 59-70 (In Persian).
31. Salehi, M. and G. Saeidi. 2012. Genetic variation of some agronomic traits and yield component in breeding lines of sesame. Journal of Crop Breeding, 9: 77-92 (In Persian).
32. SAS Institute. 2008. SAS/STAT User's Guide Version 9.1. SAS Institute, Cary, NC.
33. Shapiro, S.S. and M.B. Wilk. 1965. An analysis of variance test for normality (complete samples). Biometrika, 52(3/4): 591-611.
34. Software, M.S. 2010. State College, PA: Minitab, Inc. In edited by. Original edition.
35. Vakili, H., M. Eshaqi, and H. Salimi. 2014. Sesame the queen of oilseeds. Sepid Berg Publishers.
36. Weiss, E.A. 2000. Oilseed Crops. 2nd Edition. Bodmin, UK: Blackwell Sc. Ltd.
37. Yol, E., E. Karaman, S. Furat and B. Uzun. 2010. Assessment of selection criteria in sesame by using correlation coefficients, path and factor analyses. Australian Journal of Crop Science, 4(8): 598.
38. Zeinali, H., A. Mirlohi and L. Safaei. 2006. Evaluation of relationship between grain yield and yield components in sesame (*Sesamum indicum* L.). Journal of Research in Agricultural Science, 2(1): 1-9 (In Persian).
39. Zeinalzadeh-Tabrizi, H. and M. Ghaffari. 2010. Regression and path analysis of oil and seed yield in sunflower single cross hybrids (*Helianthus annuus* L.). Journal of Research in Crop Sciences, 2(6): 41-54 (In Persian).
40. Zeinalzadeh-Tabrizi, H. and S. Mansoori. 2018. Regression and path analysis of selected genotypes in segregating populations of sesame. 15th National Iranian Crop Science Congress, Karaj, Iran.
41. Zeinalzadeh-Tabrizi, H. and S. Mansouri. 2020. Identification of adapted genotypes in sesame lines based on multi-trait selection. Journal of Crop Production and Processing, In press (In Persian).

Preliminary Evaluation of Yield, Agronomic Characteristics and Response of Sesame Lines to Wilt Disease in Moghan Region

Hossein Zeinalzadeh-Tabrizi¹ and Sadollah Mansouri²

1- Assistant Professor, Ardabil Agricultural and Natural Resources Research and Education Center, Agricultural Research, Education and Extension Organization (AREEO), Ardabil (Moghan), Iran, (Corresponding author: email: h.zeinalzadeh@areeo.ac.ir)

2- Assistant Professor, Department of Oilseed Crops, Seed and Plant Improvement Institute (SPII), Agricultural Research, Education and Extension Organization (AREEO), Karaj, Iran

Received: September 6, 2020

Accepted: November 7, 2020

Abstract

In order to evaluate the yield, agronomic characteristics and response of sesame promising lines to wilting disease using multivariate methods, an experiment was conducted in a randomized complete block design with three replications, in 2019. The genetic plant materials evaluated in this study included the superior 20 selected lines along with Oltan as the control cultivar. During the growing season, different traits such as germination percentage, days to flowering, days to maturity, plant height, branching height, first capsule height, number of capsules per plant, capsule length, stem diameter, number of seeds per capsule, number of branches, leaf chlorophyll content, 1000-seed weight and seed yield per hectare were measured. The response of genotypes to fusarium wilt disease was also scored. The results showed that line 20 with 1604 kg/ha had the highest seed yield among the compared genotypes. Evaluation of lines showed that lines 1, 4, 19 and 20 were the most tolerant genotypes to fusarium wilt disease. The most positive and significant correlation was observed between seed yield and number of capsules per plant, leaf chlorophyll content, number of seeds per capsule, plant height, 1000-seed weight, capsule length and germination percentage, but with the number of days to flowering, days to maturity and first capsule height, it was negatively significant. The results of stepwise regression and path analysis of seed yield as a dependent variable and other agronomic traits as independent variables showed that the three traits including number of capsules per plant, number of seed per capsule and stem diameter had the most positive and significant direct effect on yield, respectively. The most indirect effect on seed yield was by the number of seeds per capsule through the number of capsules per plant. Cluster analysis grouped the genotypes into three distinct groups. The first group, including lines 1, 4, 13 and 20, were among the desirable genotypes in most agronomic traits and were well-distinguished from other genotypes by cluster analysis. In general, the results of this study showed that lines 20, 4 and 1 with the highest seed yield per hectare and superior in terms of important agronomic characteristics and tolerant to plant wilting disease, compared to the control cultivar Oltan, were recommended as promising lines in Moghan region.

Keywords: Correlation, Path Analysis, Sesame, Wilting Disease, Yield