



بررسی سازگاری و پایداری عملکرد لاین‌های امیدبخش کلزا در مناطق مختلف مازندران

آمنه سادات هاشمی^۱، قربانعلی نعمت‌زاده^۲، مرتضی اولادی^۳، عمار افخمی قادری^۴ و عمار قلی‌زاده قرا^۵

۱- عضو هیات علمی، دانشگاه جامع علمی کاربردی، مازندران، (نویسنده مسؤول)، a_hashemi2004@yahoo.co

۲- استاد، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری، پژوهشکده ژنتیک و زیست‌فناوری کشاورزی طبرستان

۳- دانشجوی دکتری اصلاح بیانات، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری و کارشناس ارشد پژوهشکده ژنتیک و زیست‌فناوری کشاورزی طبرستان

۴- دانشجوی دکتری اصلاح بیانات، دانشگاه آمام حسینی^(۶) قزوین و کارشناس ارشد پژوهشکده ژنتیک و زیست‌فناوری کشاورزی طبرستان

تاریخ پذیرش: ۹۵/۱۲/۲۴

تاریخ دریافت: ۹۵/۸/۱۷

چکیده

ارزیابی ژنتیکی امیدبخش کلزا در مناطق و سال‌های مختلف به تشخیص ژنتیکی‌های پایدار و سازگار در هر منطقه و با پتانسیل عملکرد بالا کمک خواهد کرد. به این منظور در ۳ سال زراعی (۱۳۹۱-۹۴) سه لاین نسل‌های F₆ و بالاتر حاصل از تلاقی سه رقم Option 500 Goliath به همراه شاهد منطقه به نام هایلوا ۴۰۱۴ در سه منطقه ساری، بهشهر و قراخیل قائم‌شهر در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی در سه تکرار کشت شدند. میانگین عملکرد ژنتیکی‌های مورد مطالعه به همراه شاهد منطقه در سه منطقه آزمایشی نشان می‌دهد که در منطقه ساری لاین ۴۳ با عملکرد ۶۱۶، در منطقه بهشهر لاین ۴۳ با عملکرد ۳۸۷۱ و در منطقه قراخیل قائم‌شهر لاین ۲۹ با عملکرد ۳۵۰ کیلوگرم در هکتار دارای بیشترین عملکرد در بین لاین‌های امیدبخش بوده و بجز لاین ۲۹ در قراخیل قائم‌شهر، نسبت به شاهد منطقه برتر یا برابر بودند. با توجه به نتایج عملکرد در هر سه منطقه در سه سال و نیز با توجه به تعزیزی پایداری می‌توان پیشنهاد کرد که لاین ۴۳ به دلیل پایین بودن پایداری نسبت به دیگر ژنتیکی‌ها و بالا بودن عملکرد بخصوص در منطقه ساری و سپس بهشهر، بتواند بهترین کارایی را در این مناطق به دست دهد در حالیکه با استفاده از همین نتایج، لاین ۲۹ با سازگاری عمومی خوب و در اولویت بعدی لاین ۲۸ با سازگاری عمومی متوسط در هر سه منطقه مناسب است.

واژه‌های کلیدی: پایداری، سازگاری، عملکرد، کلزا و لاین‌های امیدبخش

آزمایش‌های سازگاری عملکرد ژنتیکی‌ها باید در طی چندین سال و در مکان‌های مختلف انجام شود^(۸). امیری اوغان و همکاران^(۳) به منظور دستیابی به ژنتیکی‌های پرمحصول و سازگار با شرایط متفاوت اقلیمی، تعداد ۲۲ ژنتیکی بهاره کلزا به همراه ژنتیکی شاهد (ساری گل) را در چهار منطقه مورد ارزیابی قرار دادند. تجزیه واریانس ساده عملکرد دانه حاکی از تفاوت‌های ژنتیکی بین ژنتیکی‌ها از لحاظ توان تولید محصول بود. نورابنچار و همکاران^(۱۱) به منظور بررسی سازگاری و مقایسه عملکرد و اجزای عملکرد هیبریدهای امید بخش کلزای بهاره در شرایط آب و هوای شهرستان ایران شهر دوازده هیبرید کلزا بهاره را مورد بررسی قرار دادند. نتایج بررسی نشان داد که هیبریدهای از پیوند ژنتیکی بین ژنتیکی‌ها در نظر صفات ارتفاع بوته، عملکرد دانه، عملکرد روغن، درصد روغن، وزن هزار دانه، تعداد دانه در غلاف، تعداد غلاف در بوته، طول دوره رویشی، طول دوره گل‌دهی، طول دروه پس از گل‌دهی تا رسیدگی فیزیولوژیک دارای اختلاف معنی‌داری بودند. اوغان و همکاران^(۱۲) با بررسی ۳۶ ژنتیکی کلزا در چهار منطقه، ژنتیکی‌های پایدار را براساس واریانس محیطی، ضریب تغییرات، واریانس پایداری و مدل‌های رگرسیون خطی شناسایی کردند. زانگ و همکاران^(۱۷) با آنالیز پایداری بیست ژنتیکی کلزا در سه منطقه و سه سال، غیریکنواختی قبل توجه واریانس ژنتیکی را در عملکرد و اثر متقابل ژنتیک در محیط نشان داد. بنابراین بهترادی و انتخاب برای سازگاری در محیط‌هایی با بارندگی کم و زیاد می‌تواند روش مناسبی باشد. رامه و همکاران^(۱۳) رقم جدید کلزای ظفر حاصل از تلاقی

کلزا (*Brassica napus*) به علت دارا بودن عملکرد بالای روغن در واحد سطح جزء دانه‌های روغنی برتر در کشور می‌باشد. از طرفی به علت افزایش روز افزون جمیعت و بالا رفتن سطح زندگی و در نتیجه کمبود مواد غذایی اهمیت بهترادی بیش از پیش احساس می‌شود. با توجه به محدودیت زمین‌های قابل کشت در کشور، بهترادی در عملکرد و اجزای آن می‌تواند مسیر مناسبی را برای افزایش محصول در واحد سطح فراهم کند. بنابراین ایجاد تنوع و سپس ارزیابی و مقایسه این تنوع اولین قدم در این مسیر می‌باشد^(۳). شناخت ساختار ژنتیکی صفات مرتبط با عملکرد کلزا و قابلیت ترکیب پذیری مربوط به آن‌ها و همچنین شناسایی و تولید لاین‌هایی که عملکرد دانه و روغن آن در این محصول افزایش می‌یابد، در موقوفیت تحقیقاتی بهترادی موثر است. از طرف دیگر به دلیل این که این محصول مقداری دگرگشتنی دارد، لذا بعد از چند نسل کشت، اگر تولید بذر به صورت ایزوله صورت نگیرد، خلوص و یکنواختی ژنتیکی و در نتیجه کمیت و کیفیت محصول کاهش می‌یابد. بنابراین بهترادی و تولید ارقام جدید ضرورت می‌یابد. بعلاوه در بخشی از برنامه‌های بهترادی معرفی رقم، ارزیابی لاین‌های پیشرفته (نسل‌های F₆ و یا F₇)، از طریق آزمایش‌های مقدماتی عملکرد ضرورت دارد. چون ارقام زراعی عکس العمل‌های متفاوتی را در شرایط محیطی مختلف از خود نشان می‌دهند و بنابراین چنین استنباط می‌شود که عموماً اثرهای متقابلی بین ژنتیک و محیط وجود دارد. به همین دلیل برای کنترل این اثرهای محیطی،

سانتی متر و فاصله بونتهای در ردیف ۷ سانتی متر در نظر گرفته شد. کلیه عملیات زراعی به صورت یکسان برای هر منطقه طبق اصول زراعت انجام شد. در فصل برداشت عملکرد دانه (کیلوگرم در هکتار) محاسبه شد و پس از برداشت بذرهای F₇ برای کشت در سال آینده ذخیره گردید. در سال دوم (سال زراعی ۱۳۹۲-۹۳) سه لاین نسل F₇ به همراه شاهد در دو منطقه بهشهر و ساری (دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی) (طول و عرض جغرافیایی: ۳۶°۰۶' و ۵۳°۰۶' مانند سال گذشته کشت و برداشت شد. در سال سوم (سال زراعی ۱۳۹۳-۹۴) بذرهای F₈ سه لاین انتخاب شده نسل F₇ به همراه یک شاهد منطقه به نام هایولا ۴۰۱ به دو منطقه بهشهر و ساری (دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی) مانند سال گذشته کشت و برداشت شد. در این دو سال نیز عملکرد (کیلوگرم در هکتار) ثبت گردید. ویژگی‌های اقلیمی مناطق کشت شده در جدول ۲ آمده است. تجزیه واریانس مرکب پس از تجزیه واریانس ساده برای هر محیط و آزمون بازترلت برای یکنواختی واریانس‌های خط، صورت گرفت. برای تجزیه پایداری نیز از مدل رگرسیون ابرهارت و راسل (۴) با ارزیابی رابطه خطی عملکرد دانه با فرمول $m_i = m_{ij} + S_{ij}$ انجام شد که در این فرمول، $i, j = ۱, ۲, ۳, ۴$ میانگین ژنتیکی در محیط j ، $m =$ میانگین ژنتیکی در همه محیط‌ها، $S_{ij} =$ ضریب رگرسیون ژنتیکی i بر روی شاخص محیطی که عکس العمل ژنتیکی i در محیط‌های مختلف اندازه می‌گیرد، $I_j =$ شاخص محیطی یا میانگین تمام ژنتیک‌ها در محیط j به صورت انحراف از میانگین کل و $S_i =$ ضریب رگرسیون ژنتیکی i در محیط j می‌باشد. ضریب رگرسیون مطابق این مدل، از فرمول $\sum_{j=1}^4 \frac{S_{ij}}{I_j} = ۰$ و تفاوت معنی‌داری آن با آزمون t محاسبه شد. همچنین پایداری ژنتیک‌ها از نظر عملکرد دانه با روش‌های ضریب تنوع ژنتیکی (CV)، واریانس محیطی (S_i^2)، اکووالانس ریک (W_i²)، واریانس پایداری شوکلا (I_j^2) (۱۵) و ضریب تبیین رگرسیون خطی (R_i^2) محاسبه و بررسی شد.

محاسبات آماری صفات شامل تجزیه واریانس ساده، تجزیه واریانس مرکب، مقایسه میانگین ارقام و تجزیه پایداری ارقام، با استفاده از نرم‌افزارهای آماری SPSS، EXCEL و MSTATC ANOVA گرفت.

ساری ۱۹H × ۱۹H را از طریق انتخاب در نسل‌های در حال تفرق و سپس دو سال ارزیابی منطقه‌ای با میانگین عملکرد بالاتر از شاهد منطقه معرفی کردند که مناسب مناطق میانبد و کوهستانی بوده و متوسط‌پرس هستند. احمدی و همکاران (۱) بهمنظور مطالعه سازگاری و پایداری عملکرد دانه ژنتیک‌های کلزا در شرایط دیم و نیمه گرسیمیر کشور، تعداد ۱۹ لاین و رقم کلزا در سه سال زراعی ۱۳۸۳-۸۵ از نظر پایداری عملکرد دانه و ارزیابی کارایی روش‌های مختلف گزینش مورد بررسی و مطالعه قرار دادند. پس از آنالیز پایداری، پنج رقم و لاین به عنوان ارقام پرمحصلو پایدار معرفی شدند. شاه و همکاران (۱۴) عملکرد لاین‌های اولیه و پیشرفت کلزا را به همراه آزمایشات سازگاری و پایداری، مورد بررسی قرار دادند و در میان آن‌ها یک لاین با برتری بیشتر با DURR-E-NIFA شاهد شیرالی پیدا کردند و آن را با نام F₄ معرفی نمودند. محمود و همکاران (۱۰) در پاکستان یک رقم جدید کلزا حاصل از تلاقی KS-75×Rainbow را با روش انتخاب شجره‌ای معرفی کردند. عملکرد این رقم در سه ایستگاه مورد ارزیابی قرار گرفت و نشان داد که از همه ارقام موجود در منطقه از لحاظ عملکرد برتر است.

با بهترزی کلزا از لحاظ صفات مهم زراعی نظیر افزایش عملکرد، کاهش رشد رویشی، افزایش شاخص برداشت و ایجاد مقاومت به تنش‌های محیطی، این محصول تمام عوامل و شرایط لازم جهت تداوم توسعه سطح زیر کشت و عملکرد در سیاری از مناطق ایران را خواهد داشت. در این تحقیق به منظور بررسی و تعیین دامنه گسترش و سازگاری سه لاین امیدبخش کلزا، آزمایشات عملکردی ناجهای و سازگاری مناطق این سه لاین به همراه شاهد منطقه انجام شد.

مواد و روش‌ها

در این تحقیق، سه ژنتیک امیدبخش نسل F₆ کلزا (جدول ۱) حاصل از تلاقی سه رقم فوستو، آپشن ۵۰۰ و گولیا ۳ به همراه شاهد منطقه به نام هایولا ۴۰۱ از مورد آزمایش قرار گرفتند. مواد آزمایشی در سال اول (سال زراعی ۱۳۹۱-۹۲) در دو منطقه بهشهر (طول و عرض جغرافیایی: ۳۶°۰۶' و ۵۳°۰۶') و قراچیل قائم‌شهر (طول و عرض جغرافیایی: ۳۶°۴۷' و ۵۲°۷۷') در قالب طرح بلوك‌های کامل تصادفی در سه تکرار کشت شدند. فاصله بین ردیف‌ها ۴۰

جدول ۱- شجره ژنتیک‌های امیدبخش مورد مطالعه

Table 1. Pedigree of evaluated promising genotypes

شجره	شماره ژنتیک
فوستو × آپشن ۵۰۰	۲۸
فوستو × گولیا	۲۹
فوستو × آپشن ۵۰۰	۴۳

جدول ۲- اطلاعات مربوط به پارامترهای هواشناسی فصل کشت در ایستگاه‌های محل اجرای آزمایش در سال‌های زراعی ۹۴-۹۳

پارامترهای هواشناسی	منطقه یک*									
	منطقه سه***	منطقه دو**	منطقه یک*	منطقه سه***	منطقه دو**	منطقه یک*	منطقه سه***	منطقه دو**	منطقه یک*	منطقه سه***
میزان بارندگی (میلی‌متر)	۶۸۰/۳	۶۲۰/۴	۴۵۶/۱	۶۴۱/۷	۶۸۷/۴	۴۱۸/۱	۵۹۰/۹	۶۴۰/۵	۶۴۰/۵	۶۸۳/۵
حداکثر دمای مطلق (درجه سانتی گراد)	۲۹/۱	۲۹/۳	۲۹/۱	۲۸/۵	۲۹/۸	۲۷/۶	۲۸/۱	۲۸/۴	۲۸/۴	۲۸/۴
حداقل دمای مطلق (درجه سانتی گراد)	۴/۵	۴/۳	۳/۲	۳/۵	۴/۳	۳/۸	۴/۱	۶/۰	۶/۰	۳/۸
بیانگن دما (درجه سانتی گراد)	۱۴/۶	۱۵/۳	۱۴/۲	۱۴/۷	۱۵/۱	۱۳/۲	۱۴/۸	۱۵/۷	۱۵/۷	۱۳/۹

* قراخلی قائم شهر؛ ** بهشهر؛ *** ساری

همچنین اثر ژنتیک در سال و ژنتیک در منطقه نیز تفاوت معنی دار ندارند. این نشان می‌دهد که روند پاسخ ژنتیک‌ها از سالی به سال دیگر و از مکانی به مکان دیگر تغییر نمی‌کند که حاکی از پایداری و سازگاری عمومی ژنتیک‌هاست. معنی دار نبودن اثر متقابل ژنتیک در منطقه در سال نیز این ترتیج را تأیید می‌کند. نتایج مشابهی نیز توسط محققان دیگر در بررسی پایداری عملکرد کلزا با معنی دار نبودن منطقه و سال (۶) و همچنین منطقه در سال، ژنتیک در سال و ژنتیک در منطقه (۷) بدست آمده است. معنی دار شدن اثر متقابل منطقه در سال بیانگر تغییرات اثر منطقه از سالی به سال دیگر است.

نتایج و بحث

تجزیه واریانس مرکب

نتایج کای اسکووار برای آزمون بارتلت جهت کنترل یکنواختی خطاهای آزمایش بین آزمایشات ساده سه محیط معنی دار نشد که نشان دهنده یکنواختی واریانس خطاهای آزمایشات مختلف بود. درنتیجه امکان انجام تجزیه واریانس مرکب وجود داشت. تجزیه واریانس مرکب در سه منطقه و سه سال برای چهار ژنتیک هایولا ۴۰۱، ۴۰۲، ۲۹ و ۲۸ انجام شد. تجزیه واریانس مرکب (جدول ۳) با فرض ثابت بودن ژنتیک‌ها و تصادفی بودن سال و منطقه، نشان داد که اثر ژنتیک، سال و منطقه از نظر آماری تفاوت معنی داری ندارند.

جدول ۳- تجزیه واریانس مرکب ژنتیک‌های امیدبخش کلزا در ۳ منطقه و ۳ سال

Table 3. Combined analysis of yield of rapeseed promising genotypes in 3 location and 3 cropping seasons

اشتباه آزمایش	ژنتیک در منطقه در سال	ژنتیک در منطقه در سال	ژنتیک در منطقه در سال	منطقه سال	منطقه	ژنتیک
۱۹۰۶۴۹۷/۶ ^{ns}	۳					
۵۸۱۲۰۶۲۶/ ^{ns}	۲					
۲۹۳۰۲۸۲۱/ ^{ns}	۲					
۹۹۹۵۳۹/۶ ^{ns}	۶					
۲۰۰۵۷۸۷/۵ ^{ns}	۶					
۴۱۲۲۸۶۶/۰ ^{**}	۱					
۸۴۰۳۳۰۴۹ ^{ns}	۳					
۶۶۴۶۵۰/۳	۴۸					

*: تفاوت معنی دار در سطح احتمال ۱ درصد، ^{ns}: تفاوت غیر معنی دار

هایولا ۴۰۱ از نظر آماری وجود نداشت. در منطقه بهشهر بیشترین عملکرد متعلق به ژنتیک‌های ۲۹ با ۲۳۶۹ کیلوگرم در هکتار می‌باشد که نسبت به عملکرد شاهد هایولا ۴۰۱ برابر ۲۲۲۲ کیلوگرم در هکتار، برتری داشتند. در سال زراعی ۱۳۹۳-۹۴ مقدار عملکرد ژنتیک‌های هایولا ۴۰۱ و ۴۳ با ۵۲۲۶ و ۴۹۳۱ کیلو گرم در هکتار بیشترین مقدار را در منطقه ساری بخود اختصاص دادند و نسبت به هم نیز تفاوت معنی دار نداشتند. در منطقه بهشهر بیشترین عملکرد متعلق به ژنتیک‌های ۴۳ و هایولا ۴۰۱ و ۴۰۶۹ و ۳۵۵۹ کیلوگرم در هکتار می‌باشد که باز هم تفاوت معنی داری ندارند. جدول ۵ میانگین عملکرد ژنتیک‌های مورد مطالعه به همراه شاهد ۴۰۱ کیلوگرم در هکتار بود. در سال زراعی ۱۳۹۲-۹۳ و ۱۳۹۳-۹۴، ۱۳۹۲-۹۳، ۱۳۹۱-۹۲ و ۱۳۹۳-۹۴ نشان داده شده است. مطابق با این جدول در سال زراعی ۱۳۹۱-۹۲ مقدار عملکرد ژنتیک‌های هایولا ۴۰۱ و ۲۹ بهترین با ۴۴۵۰ کیلو گرم در هکتار بدون تفاوت معنی دار از نظر آماری، بیشترین مقدار را در منطقه قراخلی قائم شهر به خود اختصاص دادند. اما در منطقه بهشهر بیشترین عملکرد متعلق به ژنتیک ۲۸ با ۵۸۷۸ کیلوگرم در هکتار بود. در سال زراعی ۱۳۹۲-۹۳ در میان ژنتیک‌های مورد بررسی میزان عملکرد ژنتیک‌های ۲۸ و ۲۹ به ترتیب با ۷۲۶۶ و ۶۵۶۶ کیلوگرم در هکتار بیشترین مقدار را در منطقه ساری به خود اختصاص دادند در حالی که مقدار عملکرد در شاهد منطقه، هایولا ۴۰۱ با ۶۶۰۰ کیلوگرم در هکتار بود که تفاوت معنی داری بین این ژنتیک‌ها با

مقایسه میانگین عملکرد

میانگین عملکرد ژنتیک‌های مورد مطالعه به همراه شاهد منطقه در سه سال زراعی ۱۳۹۱-۹۲، ۱۳۹۲-۹۳ و ۱۳۹۳-۹۴ مقدار ۱۳۹۲-۹۳، ۱۳۹۱-۹۲ و ۱۳۹۳-۹۴ نشان داده شده است. مطابق با این جدول در سال زراعی ۱۳۹۱-۹۲ مقدار عملکرد ژنتیک‌های هایولا ۴۰۱ و ۲۹ بهترین با ۴۴۵۰ کیلو گرم در هکتار بدون تفاوت معنی دار از نظر آماری، بیشترین مقدار را در منطقه قراخلی قائم شهر به خود اختصاص دادند. اما در منطقه بهشهر بیشترین عملکرد متعلق به ژنتیک ۲۸ با ۵۸۷۸ کیلوگرم در هکتار بود. در سال زراعی ۱۳۹۲-۹۳ در میان ژنتیک‌های مورد بررسی میزان عملکرد ژنتیک‌های ۲۸ و ۲۹ به ترتیب با ۷۲۶۶ و ۶۵۶۶ کیلوگرم در هکتار بیشترین مقدار را در منطقه ساری به خود اختصاص دادند در حالی که مقدار عملکرد در شاهد منطقه، هایولا ۴۰۱ با ۶۶۰۰ کیلوگرم در هکتار بود که تفاوت معنی داری بین این ژنتیک‌ها با

جدول ۴- مقایسه میانگین صفت عملکرد (کیلوگرم در هکتار) ژنوتیپ‌های امیدبخش کلزا در سه منطقه و سه سال زراعی
Table 4. Mean comparison of yield of rapeseed promising genotypes in 3 location and 3 cropping seasons

رُتبة	سال زراعي ١٣٩١-٩٢	سال زراعي ١٣٩٢-٩٣	سال زراعي ١٣٩٣-٩٤
منطقة يك*	منطقة دود**	منطقة سه***	منطقة سه***
٤٠١٧٤	٤٤٥٠ ^a	٤٩٥٠ ^b	٥٦٢٦ ^{ab}
٢٨	٢٨٥٧ ^a	٥٨٧٨ ^{ad}	١٥٣٣ ^{ad}
٢٩	٣٥٥ ^a	٥٠٠٠ ^d	٣٣٦٩ ^a
٤٣	٣٩٠ ^{ad}	٥٥٥٠ ^{ad}	٤٢٢٦ ^{ab}
٤٥١٧٤	٤٤٥٠ ^a	٤٩٥٠ ^b	٥٦٢٦ ^{ab}

*** استنگاه فراخیل گامشده؛ *** ساری؛ میانگین‌های هر سنتون که دارای حروف متفاوت هستند براساس آزمون دانکن تفاوت معنی‌داری در سطح اختلال ۵ درصد مقابله شدند.

عمومی و پایداری متوسط هستند که ژنوتیپ‌های هایو ۱۴۰۱۴۳ و ۴۳ به ترتیب با داشتن عملکرد بالا در گروه سازگاری عمومی خوب و ژنوتیپ ۲۹ و ۲۸ با داشتن عملکرد متوسط در گروه سازگاری عمومی متوسط قرار می‌گیرند. ذکر این نکته حائز اهمیت است که مطابق با جدول تجزیه مرک (جدول ۳) بین ژنوتیپ‌ها تفاوت معنی‌داری از نظر آماری وجود ندارد. با توجه به نتایج ضربی تبیین (جدول ۶)، بیشترین ضربیت تبیین مربوط به ژنوتیپ ۲۸ ($0/98$) و کمترین آن متعلق به ژنوتیپ ۴۳ ($0/68$) بود. بنابراین ژنوتیپ ۲۸ نسبت به ژنوتیپ‌های دیگر از بیشترین پایداری برخوردار و دارای پایداری عمومی مطلوب است.

آنالیزهای پاپداری

برای آنالیز پایداری از روش ابرهارت و راسل (۴) استفاده شد. در این روش ارقامی پایدار هستند که ضریب رگرسیون بدست آمده از آنها برابر با یک یا نزدیک به آن باشد. همچنین انحراف از رگرسیون آن، تفاوت معنی داری با یک داشته باشد. مطابق با جدول ۶، هر ۴ ژنوتیپ مورد مطالعه ضریب رگرسیون نزدیک به یک داشتند که تفاوت معنی داری با فرض ضریب رگرسیون برابر با یک، نشان ندادند. همچنین انحراف از رگرسیون نزدیک به صفر بود که با فرض انحراف از رگرسیون برابر با یک، تفاوت معنی دار داشتند این نشان می دهد که همه ژنوتیپ ها جزو ژنوتیپ های با سازگاری

جدول ۵- مقایسه میانگین عملکرد ژنوتیپ‌های مورد مطالعه در سه سال آزمایشی
Table 5. Mean comparison of yield of rapeseed studied genotypes in 3 cropping seasons

سال	١٣٩٢-٩٣	١٣٩١-٩٢	زوتیپ
١٣٩٣-٩٤	٤٤١	٤٧٠	٤٠١٧٤
٤٤٩٣	٤٤١	٤٧٠	٥٦٢٨
٢٨٢٨	٤٤٠	٤٣٦٤	٢٨
٣٣١٢	٤٤٨١	٤٣٧٥	٣٩
٤٥٠٠	٤١٧	٤٢٠	٤٣

جدول ۶- پارامترهای پایداری بر اساس روش رگرسیونی ابرهارت و راسل
Table 6. Yield stability parameters based on Eberhart and Russell model

نوتیپ	میانگین عملکرد (کلوگرم در هکتار)	ضریب رگرسیونی ^۱ (b) _۱	میջور انحراف از خط رگرسیونی ^۱ (S _{dif} ²)	ضریب تبیین خطي (R ^۲)
هایولا	۴۶۴۸/	-.۹۳ ^{NS}	.۱۸/	-.۰۷
۲۸	۳۷۸۵/۱	۱/۰۵ ^{NS}	.۰۲**	.۹۸
۲۹	۴۴۱۱/	۰/۸۴ ^{NS}	.۱۰**	.۷۴
۴۳	۴۱۲۹/۰	۱/۱۴ ^{NS}	.۱۴**	.۶۸

۱- نتیجه آزمون t برای فرض $H_0: b_1 = 1$ در سطح احتمال ۵ درصد

برخوردار می باشد. با توجه به این که این روش ها دارای پایداری بیولوژیک می باشند، یا به مفهوم دیگر بین عملکرد و پایداری همبستگی وجود دارد و ژنوتیپ های پایدار بر اساس ضریب تغییرات معمولاً عملکرد کمتری دارند (۶)، بنابراین برای نتایج قطعی تر نیاز به بررسی دیگر پارامترهای پایداری نیز می باشد. بر اساس نتایج پایداری اکووالانس ریک و واریانس پایداری شوکلا (جدول ۷) و با توجه به این که برآورد منفی از واریانس پایداری را می توان برابر با صفر در نظر گرفت، ژنوتیپ های ۲۸ و ۲۹ به ترتیب کمترین مقدار برآورد و بیشترین پایداری را نشان می دهند. از آنجایی که این پارامترها سهم هر ژنوتیپ را در اثر متقابل ژنوتیپ در منطقه نشان می دهد، انتخاب بر اساس آن ها می تواند منجر به ارقام پرمحلول و پایدار گردد. محققان دیگری نیز با استفاده از این پارامترها ارقام و ژنوتیپ های پایدار را در کلزا معرفی کردند (۹،۷۶،۱۱).

از آنجایی که در این آزمایش درصد مجموع مربuat اثر مقابل ژنوتیپ در منطقه کمتر از ۵۰ درصد مجموع مربuat کل می‌باشد، استفاده از تجزیه رگرسیون به تهایی برای تجزیه پایداری کافی نیست^(۵). علاوه براین به دلیل معنی دار نبودن فرض صفر $H_0: b_1 = 0$ برای ژنوتیپ‌های مورد مطالعه، لازم است پارامترهای دیگر پایداری نیز محاسبه شده و مورد تجزیه و تحلیل قرار گیرد. سایر پارامترهای ارزیابی پایداری ژنوتیپ‌ها شامل ضریب تغییرات ژنوتیپی، واریانس محیطی، اکووالانس ریک و واریانس پایداری شوکلان نیز در جدول ۷ نشان داده شده است. نتایج ضریب تغییرات ژنوتیپی که به عبارتی انحراف یک ژنوتیپ را از میانگین آن ژنوتیپ در همه مکان‌ها اندازه می‌گیرد، نشان داد که ژنوتیپ‌های ۲۹ و ۴۰ یا ۱۰۱ با کمترین مقدار ضریب تغییرات و میزان عملکرد بالا، پایداری بیشتری نسبت به دو ژنوتیپ دیگر دارد. واریانس محض ژنوتیپ ۲۹ با کمترین مقدار از پایداری، بیشتری،

جدول ۷- پارامترهای ضریب تغییرات ژنتیکی، واریانس محیطی، اکووالنس ریک و واریانس پایداری شوکلا در ۳ موضعه و سه سال

Table 7. Parameters of genotypic variation, environmental variance, Wricke's ecovalence and Shukla's stability variance parameters of rapeseed promising genotypes in 3 location and 3 cropping seasons

ژنوتیپ	ضریب تغییرات ژنتیکی (CV)	واریانس محیطی (S_e^2)	اکووالنس ریک (W _e ²)	واریانس پایداری شوکلا (۱)
۴۰۱۷/۶۰	۲۵/۴۰	۱۳۹۳۱۲۷/۱۴	۴۸۵۸۶/۲۰	۳۹۷۰۱۵/۵۰
۲۸	۳۲/۵۷	۱۵۱۹۹۸/۹۱	۷۵۹۴۸/۹۷	-۱۲۸۹۵/۷۰
۲۹	۲۲/۰۰	۹۴۴۹/۱۶۶	۸۹۵۴۴/۶۴	۶۹۹/۹۶
۴۳	۳۳/۳۲	۱۸۹۳۳۲۹/۵۷	۴۱۴۷۸۲/۱۰	۳۲۵۹۷/۴۰

پایداری نسبت به دیگر ژنوتیپ‌ها و بالا بودن عملکرد بخصوص در منطقه ساری و سپس بهشهر، بتواند بهترین کارایی را در این مناطق به دست دهد در حالیکه با استفاده از همین نتایج، لاین ۲۹ با سازگاری عمومی خوب و در اولویت بعدی لاین ۲۸ با سازگاری عمومی متوسط در هر سه منطقه مناسب هستند.

تشکر و قدردانی
از مدبریت و کلیه همکارانی که در پژوهشکده ژنتیک و زیست فناوری طبرستان و همچنین دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری در این تحقیق همکاری نموده‌اند، تشکر و قدردانی می‌گردد.

با توجه به نتایج حاصله در سه منطقه و سه سال و مقایسه آن با شاهد منطقه، به نظر می‌رسد ژنوتیپ‌های ۲۸، ۲۹ و ۴۳ می‌توانند از لحاظ عملکرد با رقم هایولا ۴۰/۱۷، برابری کنند، بخصوص که با توجه به هیرید بودن رقم هایولا ۴۰/۱۷ و تهیه گران و زمان برآن، وجود ارقام و ژنوتیپ‌های خالص که به همان اندازه عملکرد دارند، می‌تواند در برنامه‌های ترویجی منطقه جایگاه خوبی داشته باشد. اما به نظر می‌رسد با اختصاص این لاین‌های امیدبخش به مناطقی که عملکردهای بهتری نشان دادند، می‌توان حداکثر بهره روی را حاصل کرد. به این ترتیب با توجه به نتایج عملکرد در هر سه منطقه در سه سال و نیز با توجه به تجزیه پایداری می‌توان پیشنهاد کرد که لاین ۴۳ به دلیل پایین بودن

منابع

- Ahmadi, J., B. Vaezi and H. Naraki. 2013. Analysis of canola stability in rain-fed conditions and comparison of stable genotypes selection methods using stability indices. *The Plant Production*, 36: 13-22 (In Persian).
- Aliari, H., F. Shekari and F. Shekari. 2000. Oil Seeds: Agronomy and Phisiology. Amidi Publication, 182 pp (In Persian).
- Amiri Oghan, H., M.H. Alam Khomram and F. Javidfar. 2004. Stability of seed yield in spring rapeseed (*Brassica napus*) genotypes. *Iranian Journal of Crop Sciences*, 6: 203-213 (In Persian).
- Eberhart, S.A. and W.A. Russell. 1966. Stability parameters for comparing varieties. *Crop Science*, 6: 36-40.
- Hayward, M.D., N.O. Bensemard and T. Romagosa. 1993. Plant breeding principles and prospects. Chapman and Hall. London, 550 pp.
- Javidfar, F., M.H. Alam Khomram, H. Amiri Oghan and S. Azizinia. 2004. Yield stability analysis of winter canola (*Brassica napus* L.) genotypes. *Seed and Plant Improvement Journal*, 20: 315-328 (In Persian).
- Javidfar, F., B. Alizadeh, H. Amiri Oghan and N. Sabaghnia. 2010. A Study of Genotype by Environment Interaction in Oilseed Rape Genotypes, Using GGE Biplot Method. *Iranian Journal of Field Crop Science*, 41: 771-779 (In Persian).
- Ketata, H. 1988. Genotype and environment interaction. *Proceedings of the Biometrical Techniques for Cereal Breeders*. ICARDA, Aleppo, Syria, 16-32 pp.
- Khoshnazar-porshokohi, R., M.R. Ahmadi and M.R. Ghanadha. 2000. A study of adaptation and yield capacity of rapeseed (*Brassica napus*) cultivars and lines. *Iranian Journal of Agricultural Sciences*, 31: 341-352 (In Persian).
- Mahmood, T., E. Hasan, M. Ali and M. Hussain. 2012. Faisal canola: a new high yielding canola variety for general cultivation in Punjab. *Journal of Agricultural Research*, 50: 321-328 (In Persian).
- Nourabonjar, M. 2009. Evaluation of yield and yield components of hopeful hybrids of spring canola (*Brassica napus*) in Iranshahr climatic condition. *Journal of New Agricultural Science*, 14: 47-55.
- Oghan, H.A., N. Sabaghnia, V. Rameeh, H.R. Fanaee and E. Hezarjeribi. 2016. Univariate Stability Analysis of Genotype \times Environment Interaction of Oilseed Rape Seed Yield. *Acta Universitatis Agriculturae et Silviculturae Mendelianae Brunensis*, 64: 1625-1634.
- Rameeh, V., S.A. Dalili, S.V. Alavi, H. Amiri Oghan, F. Shariati and E. Hezarjeribi. 2013. Zafar as New Cultivar of Spring Type of Rapeseed for Cultivation in Mid-land of Mazandaran Province and Similar Regions. *Research Achievements for Field and Horticulture Crops*, 3: 13-23 (In Persian).
- Shah, S.A., R. Aamir and S.T. Shah. 2007. Development of a new high yielding canola quality rapeseed variety DURR-E-NIFA for general cultivation in NWFP. *Pakistan Journal of Botany*, 39:2475-2481.
- Shukla, G.K. 1972. Some statistical aspects of partitioning genotype-environmental components of variability. *Heredity*, 29: 237-242.
- Wricke, G. 1962. Über eine methode zur erfassung der geologischen sterubretic in feld versuchen. *Pflanzuecht*, 47: 92-96.
- Zhang, H., J.D. Berger and C. Herrmann. 2017. Yield stability and adaptability of canola (*Brassica napus* L.) in multiple environment trials. *Euphytica*, 213: 155-176.

Study of Rapeseed (*Brassica napus*) Promising Genotypes Adaptation in Different Regions of Mazandaran

Amenehsadat Hashemi¹, Ghorban Ali Nematzadeh², Morteza Oladi³,
Ammar Afkhami Ghadi⁴ and Ammar Gholizadeh Ghara³

1- University of Applied and Science Technology, Mazandaran (Corresponding author: a_hashemi2004@yahoo.com)

2- Professor Sari University of Agricultural Sciences and Natural Resources, Genetic and Agricultural Biotechnology Institute of Tabarestan

3- PhD. Student Plant breeding-Genetic engineering, Sari University of Agricultural Sciences and Natural Resources and M.Sc. Genetic and Agricultural Biotechnology Institute of Tabarestan

4- PhD. Student Plant breeding, Imam Khomeini International University, Qazvin and M.Sc. Genetic and Agricultural Biotechnology Institute of Tabarestan

Received: March 14, 2017

Accepted: November 8, 2017

Abstract

Evaluating the promising genotypes in different years and locations is performed to identify stable and adaptable genotypes with high yield potential. For this purpose, three genotypes of rapeseed derived from crossing of three varieties named Foseto, Option 500 and Goliath were planted with check variety (Hyola 401) in three locations (Sari, Behshar and qarakheil) using randomized complete block design with 3 replicates from 2012 to 2014 cropping season. Results indicated that the average of grain yield in of: 5616 kg.ha⁻¹ for genotype 43 in Sari, 3871 kg.ha⁻¹ for genotype 43 in Behshahr and 3550 kg.ha⁻¹ for genotype 29 in qarakheil were recorded. The yield of these genotypes was higher or did not have significant difference than check variety (Hyola401). Generally using stability analysis and yield mean, it can be suggested that genotype 43 with the least stable and high yield in Sari and Behshar is a good candidate for these regions. In addition, genotype 29 with good general adaptation and in next priority, 28 with average general adaptation are suitable candidates for all three locations.

Keywords: Adaptation, Promising genotypes, Rapeseed, Stability, Yield