



## ارزیابی چندین صفات مختلف زراعی در ژنوتیپ‌های گندم تحت شرایط تنفس خشکی با استفاده از روش‌های آماری چند متغیره

اعظم رحیمی چگنی<sup>۱</sup>، محمدرضا بی‌همتا<sup>۲</sup> و منوچهر خدارحمی<sup>۳</sup>

(rahimiazam20@yahoo.com: ۱- دانشآموخته کارشناسی ارشد اصلاح بیانات، دانشگاه آزاد اسلامی، واحد کرج، گروه زراعت و اصلاح بیانات، کرج، ایران (نویسنده مسؤول)

۲- استاد، پردیس کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه تهران

۳- استادیار، مؤسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر کرج

تاریخ دریافت: ۹۴/۳/۳ تاریخ پذیرش: ۹۴/۸/۱۰

### چکیده

به منظور ارزیابی و گروه‌بندی ژنوتیپ‌های گندم براساس عملکرد دانه و خصوصیات مهم زراعی در شرایط تنفس خشکی، ۴۳ ژنوتیپ گندم در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با ۳ تکرار در سال زراعی ۹۲-۹۳ در مزرعه دانشگاه آزاد اسلامی خرم‌آباد کشت شدند. صفات اندازه‌گیری شده شامل رسیدگی فیزیولوژیک، روز تا گرده افزایشی، سرعت پر شدن دانه، طول دوره پر شدن دانه، ارتفاع بوقته، طول دومین میانگرۀ طول پدانکل، طول بیرون آمدگی پدانکل، طول سنبله، طول برگ پرچم، وزن سنبله، وزن دانه در سنبله، تعداد دانه در سنبله، شاخص برداشت، وزن هزار دانه، تعداد سنبله در متر مربع، عملکرد بیولوژیک، عملکرد دانه بود. تجزیه واریانس در شرایط تنفس خشکی نشان داد در بین اکثر صفات در سطح احتمال یک درصد تفاوت معنی‌داری وجود دارد. تجزیه به عامل‌ها براساس روش تجزیه به مؤلفه‌های اصلی و چرخش وریماکس نشان داد که ۵ عامل با نام عملکرد، خصوصیات رشدی گیاه، شاخص سنبله و عامل مؤثر بر خصوصیات دانه روی‌هم رفته ۷۵/۰۲ درصد از کل تنوع داده‌ها را در آزمایش تنفس خشکی توجیه می‌کند. همچنین تجزیه کلاستر براساس روش UPGMA جهت گروه‌بندی ژنوتیپ‌ها استفاده گردید و ژنوتیپ‌ها در محیط تنفس به ۳ گروه تقسیم شدند. گروه اول از نظر عملکرد دانه در رتبه سوم قرار داشت. گروه دوم شامل ۸ ژنوتیپ بود و از نظر عملکرد دانه دارای حداقل مقدار متفاوت بسیار گروه‌ها بود. ژنوتیپ‌های ۳۵، ۱۸، ۱۹، ۲۴ بالاترین عملکرد را دارا بودند. گروه سوم در تمامی صفات وابسته به ارتفاع در حداقل مقدار خود بود.

**واژه‌های کلیدی:** تجزیه به عامل‌ها، تجزیه کلاستر، تنفس خشکی، گندم

### مقدمه

پروتئین‌های شوک حرارتی و تبعیض ایزوتوپ کربن انجام شده است (۴). بهزادگران گندم علاقه‌مند به دستیابی ژنوتیپ‌هایی هستند که از لحاظ صفت عملکرد دانه و سایر صفات زراعی مطلوب باشند، برای رسیدن به این هدف بهزادگر می‌تواند در نسل‌های اولیه اقدام به انتخاب نماید و یا انتخاب را تا رسیدن به نسل‌های پیشرفته به تأخیر اندازد (۱۷). صفات زراعی مثل عملکرد و اجزاء آن نیز به عنوان یک شاخص گزینش مناسب تحت تنفس خشکی در طی سالیان متمادی به طور متناقضی مورد شک و تردید بوده است. به هر حال، توافق کلی بر این وجود دارد که گزینش برای لاین‌های مقاوم به خشکی تحت شرایط بدون تنفس کارایی بهتری نسبت به شرایط تنفس خشکی دارد. چون اجزاء معرفی لاین‌هایی با پتانسیل عملکردی بالا را ممکن می‌سازد (۱۶). عملکرد دانه گندم برآیندی از چند متغیر است که رشد گیاه را در سر تا سر طول دوره نمو تحت تأثیر قرار می‌دهند. تلاش‌هایی گسترده‌ای برای توسعه مدل‌های مناسب‌تر انجام شده که به تواند عملکرد دانه گندم را پیش‌بینی کرده و گیاه زراعی ایده‌آل را مشخص کند. اطلاعات ژنتیکی مرتبط با عملکرد دانه و اجزاء آن تحت تنفس رطوبتی، کارایی برنامه‌های اصلاحی را با معرفی شاخص‌های مناسب برای گزینش واریته‌های گندم بهبود می‌بخشد (۶). مدل کردن عملکرد گندم تحت کمبود رطوبتی خاک، مشکلات ویژه‌ای برای مدل سازان به وجود می‌آورد چون تنوع گسترده‌ای در

گندم یکی از مهمترین محصولات زراعی از لحاظ سطح زیرکشت و میزان تولید در جهان بوده و نقش مهمی را در تأمین نیاز غذایی جوامع بشری دارد. تنش‌های محیطی از جمله تنفس خشکی یکی از عوامل مهم محدود کننده رشد و نمو گندم در اغلب نقاط دنیا بوده و از موانع اصلی رسیدن به توان بالقوه عملکرد این گیاه می‌باشد. لذا شناسایی ارقام مقاوم و نیز مطالعه مکانیزم‌های افزایش دهنده مقاومت به تنفس خشکی مهم خواهد بود. ارقام پیشرفته گندم با عملکرد بالا عمدتاً دارای مکانیسم‌های مقاومت به خشکی بالا بوده لذا استفاده از آنها در مناطق خشک اهمیت زیادی دارد (۱۶، ۷). گزینش برای عملکرد دانه تحت تنفس خشکی به علت وراثت پذیری کم آن که از تغییرات در شدت تنفس در سر تا سر مزرعه ناشی می‌شود، کاری بسیار مشکل است (۱۱، ۳). با این وجود، احتمال افزایش عملکرد در جایی که تنفس معنی‌دار و برهmekش ژنوتیپ در محیط بالاست، وجود دارد. مطالعات نشان می‌دهد که تلاش‌های گسترده‌ای در خصوص صفات و خصوصیات مورفولوژیکی و فیزیولوژیکی مؤثر در مقاومت به خشکی از جمله روزنه‌ها (اندازه، تعداد و باز و بسته شدن آن)، برگ (سطح، شکل، توسعه)، جهت‌گیری، پیری و موی بودن آن، ریشه (طول، تراکم و وزن خشک آن)، راندمان مصرف آب، محتوی نسبی آب، راندمان تبخر و تعرق، سطوح اسید آبسیزیک و پایداری غشای سلول و

دانه در سنبله، وزن هزار دانه، تعداد سنبله در متر مربع، طول پدانکل، طول بیرون آمدگی پدانکل، روز تا گرده افشاری، رسیدگی فیزیولوژیک، عملکرد بیولوژیک، شاخص برداشت، عملکرد دانه، طول دوره پر شدن دانه، سرعت پر شدن دانه می‌باشد. در پایان فصل رشد، ارتفاع ۱۰ بوته، از روی زمین تا نوک سنبله بدون احتساب ریشک، طول سنبله از یقه تا نوک سنبله انتهایی بدون احتساب ریشک، اندازه‌گیری و سپس میانگین گرفته شد. از میانگین وزن بذور ده سنبله، وزن دانه در سنبله، از میانگین تعداد دانه‌های شمارش شده از ده سنبله، تعداد دانه در سنبله حاصل شد. برای وزن هزار دانه ابتدا هزار دانه از هر لاین شمارش و سپس برحسب گرم توزیں گردید.

برای طول پدانکل، فاصله آخرین گره تا یقه سنبله، برای صفت طول بیرون آمدگی پدانکل، فاصله بین برگ پرچم تا یقه سنبله و با اندازه‌گیری فاصله بین آخرین گره و ما قبل آخر، طول دومین میانگره (میانگره مقابل آخر) به دست آمد. در مرحله گلدنه، برای صفت طول برگ پرچم حد فاصل نوک تیغه برگ پرچم تا محل اتصال آن به غلاف برگ اندازه‌گیری شد. با وزن کردن ۱۰ سنبله وزن تک سنبله برحسب گرم و با شمارش تعداد روز از کاشت تا زرد شدن ۵۰٪ پدانکل بوتهای هر پلات رسیدگی فیزیولوژیک به دست آمد. پس از رسیدگی کامل، کل پلات کفیر شد و وزن آنها برحسب تن در هکتار گرفته شد و عملکرد بیولوژیک اندازه‌گیری شد. از نسبت عملکرد دانه به بیوماس کل، ضرب ۱۰۰ شاخص برداشت محاسبه شد. پس از برداشت کل بوتهای هر پلات با استفاده از خermen کوب، بذور از کاه و کلاش جدا و وزن آنها بر حسب تن در هکتار گرفته شد. با شمارش تعداد روز از کاشت تا ۵۰٪ ظهر پرچم‌ها روز تا گرده‌افشاری محاسبه شد. از اختلاف روز تا رسیدن فیزیولوژیک با روز تا گرده‌افشاری، طول دوره پر شدن دانه به دست آمد و سرعت پرشدن دانه از تقسیم وزن تک دانه بر طول دوره پرشدن دانه برحسب میلی‌گرم بر روز محاسبه شد. تجزیه واریانس با نرم‌افزار SAS انجام گرفت. همچنین تجزیه به عامل‌ها براساس روش تجزیه به مؤلفه‌های اصلی و چرخش وریماکس با استفاده از نرم‌افزار SPSS انجام گرفت. با استفاده از روش تجزیه خوش‌های به روش UPGMA و براساس ضریب تشابه فاصله اقلیدسی و با استفاده از نرم‌افزار SPSS ژنوتیپ‌ها در گروه‌های مجزا دسته‌بندی شدند.

عملکرد دانه تحت شرایط تنش و عدم تنش وجود دارد (۹). تنش خشکی در هر مرحله از رشد گیاه گندم می‌تواند رشد و عملکرد آن را به طرق مختلف تحت تأثیر قرار دهد. میزان این تأثیر بسته به مدت و شدت اعمال تنش می‌باشد (۸). به عنوان مثال، تنش خشکی از گرده‌افشاری تا رسیدگی، عملکرد دانه را از طریق کاهش در سرعت و طول دوره پر شدن دانه کاهش می‌دهد (۱۸). محققان نشان دادند که عملکرد، تعداد دانه در سنبله، بیوماس و ارتفاع گیاه در مقایسه با تعداد سنبله و وزن هزار دانه بیشتر حساس به خشکی است. همچنین گزارش کردند که تعداد و وزن دانه در سنبله ارتباط نزدیکی با عملکرد دارد و اغلب برای گریش نژادهای گندم با عملکرد بالا مورد استفاده قرار می‌گیرد (۲۱). همچنین مشخص شده که همبستگی منفی بین ارتفاع گیاه و عملکرد دانه به علت تعداد کمتر دانه در سنبله است. مطالعات نشان می‌دهد که تحلیل عاملی که توسط والت (۱۲) پیشنهاد شده به طور گستردگی جهت معرفی رشد و خصوصیات گندم مورد استفاده قرار می‌گیرد. برخی محققین برای اجرای برنامه اصلاحی گندم تحت تنش خشکی، ارزیابی ژرم پلاسم تحت شرایط تنش و بدون تنش را جهت به کار بردن و راثت پذیری بالا و معرفی ژنوتیپ‌هایی با پتانسیل عملکردی بالا (برای حفظ الی‌های مقاوم به خشکی) پیشنهاد کردند (۱۶). هدف از این تحقیق بررسی روابط بین صفات و شناسایی صفات مؤثر بر عملکرد دانه با استفاده از روش‌های آماری چند متغیره است.

## مواد و روش‌ها

در این بررسی ۴۳ ژنوتیپ گندم دریافتی از موسسه تحقیقات اصلاح نهال و بذر کرج و توده‌های بومی لرستان در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با سه تکرار در مزرعه دانشگاه آزاد خرم‌آباد در سال زراعی ۱۳۹۱-۹۲ مورد ارزیابی قرار گرفتند (جدول ۱). بذور تمامی ارقام مورد بررسی روی زدیفهای کشت به صورت دستی در اوایل آبان کاشته شدند. هر کرت شامل ۳ خط به طول ۲ متر با فواصل ۵۰ سانتی بود. اولین آبیاری با توجه به میزان بارندگی و شرایط جوی و نیاز گیاه بعد از کاشت انجام شد. در آزمایش تنش خشکی، آبیاری تا پایان فصل زراعی صورت نگرفته و منبع تأمین رطوبت مزرعه براساس نزوالت آسمانی بود. در طول دوره ریش و پس از برداشت صفات مهم زراعی اندازه‌گیری شدند. صفات مورد ارزیابی شامل ارتفاع بوته، طول برگ پرچم، طول دومین میانگره، طول سنبله، وزن سنبله، تعداد

جدول ۱- اسامی ژنوتیپ‌های مورد استفاده در آزمایش

Table 1. Name wheat genotypes used in trial

شماره	شماره	ژنوتیپ	تیپ رشد	شماره	شماره	ژنوتیپ	تیپ رشد	شماره	شماره	ژنوتیپ	تیپ رشد
۱	سینوند	بهاره	۱۶	پیشتر	بهاره	۳۱	NESTOR	بهاره	بهاره	BEHKARAWA	بهاره
۲	سیستان	بهاره	۱۷	پارسی	بهاره	۳۲	FLORKAWA	بهاره	بهاره	IRENA	بهاره
۳	سیروان	بهاره	۱۸	بهار	بهاره	۳۳	CHEN/AGILOPS	بهاره	بهاره	SERI/PAYON	بهاره
۴	شبوودی	بهاره	۱۹	ب	بهاره	۳۴	SITA/CHIL	بهاره	بهاره	ZEMAMRA-8	بهاره
۵	شیراز	بهاره	۲۰	افلاک	بهاره	۳۵	BERKUT	بهاره	بهاره	CROC	بهاره
۶	مردوشت	بهاره	۲۱	ارگ	بهاره	۳۶	PIGO	بهاره	بهاره	BAVICOVA	بهاره
۷	مروارید	بهاره	۲۲	آرتا	بهاره	۳۷	SERI-82	بهاره	بهاره	SERI-82	بهاره
۸	فلات	بهاره	۲۳	۲-آذ-	زمستانه	۳۸	BAVICOVA	بهاره	بهاره	BAVICOVA	بهاره
۹	پیشاور	بهاره	۲۴	سداری	زمستانه	۳۹	PIGO	بهاره	بهاره	PIGO	بهاره
۱۰	مهدوی	بهاره	۲۵	سیمره	بهاره	۴۰	SERI	بهاره	بهاره	SERI	بهاره
۱۱	سپاهان	بهاره	۲۶	شاهینوندی	بهاره	۴۱	CROC	بهاره	بهاره	CROC	بهاره
۱۲	در	بهاره	۲۷	زکرس	بهاره	۴۲	BAVICOVA	بهاره	بهاره	BAVICOVA	بهاره
۱۳	دریا	بهاره	۲۸	گهر	بهاره	۴۳	SERI-82	بهاره	بهاره	SERI-82	بهاره
۱۴	داراب ۲-	بهاره	۲۹	مارون	بهاره						
۱۵	چمن	بهاره	۳۰	پاستور	بهاره						

۱ دارای بیشترین میانگین در میان سایر ژنوتیپ‌ها بود. مهم‌ترین صفت در بین صفات مورد بررسی در گندم قطعاً عملکرد دانه می‌باشد زیرا هدف اصلی از کشت گندم به منظور برداشت دانه بوده و سایر قسمت‌های گیاه از جمله ساقه و برگ از اهمیت کمتری برخوردار بوده و در مرتبه بعدی قرار دارند. نتیجه بررسی عملکرد ژنوتیپ‌ها نشان داد که تنفس خشکی عملکرد را تحت تأثیر قرار داد اما در بین ژنوتیپ‌ها، ژنوتیپ ارگ از عملکرد دانه بیشتری برخوردار بود. افزایش عملکرد دانه مهم‌ترین هدف بهتردادگران در برنامه‌های اصلاحی می‌باشد، اما از آنجا که عملکرد صفت پیچیده‌ای است که اجزای کمی بسیاری را در بر می‌گیرد و دارای وراثت پذیری پائینی می‌باشد، عموماً به طور مستقیم مورد مطالعه قرار نگرفته و در عوض صفات مرتبط با آن از نظر ژنتیکی دارای پیچیدگی بسیار کمتری هستند مورد استفاده قرار ژنوتیپ شماره ۵ در مورد صفات طول سنبله و طول دوره پرشدن دانه دارای بیشترین مقادیر بودند. از نظر صفات طول برگ پرچم ژنوتیپ شماره ۷، طول دومین میانگره ژنوتیپ شماره ۹، روز تا گرده افزانی ژنوتیپ شماره ۳۱، تعداد سنبله در متر مربع ژنوتیپ شماره ۳۵ و شاخص برداشت ژنوتیپ شماره ۱۸ بیشترین میانگین را دارا بودند. نتایج این پارامترها نشان دهنده وجود ت نوع میان صفات بوده و در نتیجه بهتردادگران می‌توانند از آنان برای بهبود خصوصیات کیفی و کمی گندم در کارهای خود استفاده کنند.

## نتایج و بحث

تجزیه واریانس صفات مربوط به آزمایش تحت تنش خشکی نشان داد که ژنوتیپ‌ها از نظر تمامی صفات به جزء صفت تعداد سنبله در متربعد تفاوت معنی داری داشتند (جدول ۳). این نتیجه نشان دهنده تنوع بالای ژنوتیپ‌های مورد ارزیابی بوده، بنابراین امکان انجام تجزیه‌های بدی را میسر می‌سازد. در بین صفات مورد بررسی تعداد روز تا رسیدگی فیزیولوژیک با  $1/45$  درصد و روز تا گرده افزانی  $1/64$  درصد کم ترین ضریب تغییرات و عملکرد دانه با  $23/35$  درصد و شاخص برداشت با  $22/15$  درصد بیشترین ضریب تغییرات را دارا بودند (جدول ۳). بنابراین با توجه به این نتایج می‌توان اظهار داشت که محیط تأثیر بیشتری بر شاخص برداشت ژنوتیپ‌ها داشت. بررسی وضعیت صفات اندازه‌گیری شده نشان داد که ژنوتیپ شاهینوندی از میانگین ارتفاع بیشتری نسبت به سایر تیمارها برخوردار بود. در بررسی وضعیت تعداد سنبله در متربعد نیز مشخص گردید ژنوتیپ SERI/PAYON ژنوتیپ برتر بود. در بررسی ژنوتیپ‌های دارای بالاترین میانگین برای صفات مورد بررسی ارتفاع بوته، طول پدانکل و بیرون آمدگی پدانکل، وزن هزار دانه و سرعت پرشدن دانه ژنوتیپ شماره ۲۶ و برای وزن سنبله، وزن دانه در سنبله و عملکرد دانه ژنوتیپ شماره ۲۱ بیشترین میانگین را در میان سایر ژنوتیپ‌ها دارا بودند. برای صفات تعداد دانه در سنبله و عملکرد بیولوژیک ژنوتیپ شماره

جدول ۲- حداقل و حداکثر صفات

Table 2. The Max and Min of traits

صفات	حداکثر	شماره	حداقل	شماره	صفات	حداکثر	شماره	حداقل	شماره	صفات	حداکثر
ارتفاع بوته (سانتی‌متر)	۳/۷۸	۲۱	۱/۷۲	۲۴	وزن سنبله (گرم)	۴۶	۲۶	۱۱/۹۱	۵	تعداد دانه در سنبله	۷/۱۷
طول سنبله (سانتی‌متر)	۶۹	۱	۲۴/۵۶	۲۴	وزن دانه در سنبله (گرم)	۴	۱/۷۲	۲۶	۳۹/۸۷	۱۵/۹۱	طول پدانکل (سانتی‌متر)
طول پدانکل (سانتی‌متر)	۲/۷۹	۲۱	۱/۷۲	۴	وزن دانه (گرم)	۷	۳۴/۵۰	۲۶	۲۲/۵۷	۵/۵۸	طول بیرون آمدگی پدانکل (سانتی‌متر)
طول بیرون آمدگی پدانکل (سانتی‌متر)	۶۴	۵	۵۱	۲۷	طول دوره پرشدن دانه	۹	۱۸/۲۲	۵	۱۱/۹۱	۷/۱۷	طول میانگره دوم (سانتی‌متر)
تعداد روز تا گرده افزانی	۱/۰۱	۲۶	۰/۵۳	۷	سرعت پرشدن دانه	۱۲۶	۱۲۶	۳۱	۱۱۹/۳۳	۱۲/۶۰	تعداد روز تا گرده افزانی
تعداد روز تا گرده افزانی	۳/۶۷	۲۱	۱/۱۴	۱۳	عملکرد دانه (تن)	۱۳	۱۸۵/۳۳	۵	۱۷۶	۱۷۶	عملکرد بیولوژیک (تن)
تعداد سنبله در متر مربع	۱۲/۴۵	۱	۵/۱۰	۱۳	عملکرد بیولوژیک (تن)	۱۳	۱۸۷/۴۲	۲۶	۶۶/۱۴	۲۶	طول بگ پرچم (سانتی‌متر)
طول بگ پرچم (سانتی‌متر)	۳۶/۲۹	۱۸	۱۹/۱۶	۱	شاخص برداشت	۱۴/۵۱	۷	۷/۷۳	۷	۷/۷۳	۷/۷۳

مثبت این صفات با هم می‌باشد. همچنین می‌توان اظهار داشت برای داشتن عملکرد بالا به یک عملکرد بیولوژیک بالا (رشد سبزینه‌ای مناسب) و سرعت رویشی خوب نیاز است و عملکرد به این عامل‌ها وابسته است. عامل دوم ۱۶/۸۵ درصد از واریانس کل را توجیه نمود و تحت عنوان شاخص سنبله نام‌گذاری شد. عامل سوم تا پنجم به ترتیب ۱۵/۵۱، ۱۱/۰۷، ۱۱/۲۹ درصد از تغییرات داده‌ها را توجیه کردند و عامل چهارم به عنوان عامل مؤثر بر عملکرد نام‌گذاری شد. این عامل با توجه به اینکه در گیرنده عملکرد می‌باشد می‌توان به عنوان مهم‌ترین و با ارزش ترین عامل محسوب گردد. عوامل سوم و پنجم به ترتیب عوامل مؤثر بر خصوصیات رشدی گیاه و عامل مؤثر بر خصوصیات دانه معرفی شدند. ظهور زودتر ساقه و سنبله فرست زیادی را برای پرشدن دانه در اختیار قرار می‌دهد تا از رطوبت موجود قبل از وقوع تنش شدید خشکی و افزایش دما برای پرکردن دانه بهره برداری کند. اساساً باید همبستگی بالایی بین روز تا رسیدگی فیزیولوژیک و طول دوره پرشدن دانه وجود داشته باشد که این در عامل سوم دیده می‌شود. عامل سوم می‌تواند به عنوان یک معیار مهم گرینش ژنوتیپ‌ها برای شرایط خشکی مؤثر باشد. در توافق با نتایج این آزمایش در مطالعه‌ای روی صفات مرتبط با عملکرد دانه گندم مشخص شد که پنج مؤلفه اول ۸۰/۴ درصد از تغییرات کل را توجیه می‌کنند (۱۰). بابایی و همکاران (۴) در ارزیابی تنش ژنتیکی گندم ۵ عامل مستقیم از هم را که مجموعاً ۷۴/۹۹ درصد از تغییرات را توجیه نمودند.

زکی‌زاده و همکاران (۲۰) در مطالعه خود روی ۷۰ لاین گندم پس از تجزیه به عامل‌ها مشاهده نمود که ۳ عامل اول ۶ درصد از تغییرات داده‌ها را توجیه می‌کنند. اسماعیل طوسی مجرد و همکاران (۱۹) با انجام تجزیه به عامل‌ها ۵ عامل را شناسایی کردند که در مجموع ۶۷/۷۰ درصد از تغییرات داده‌ها را توجیه نمودند. نتایج حاصل از بررسی ضرایب عاملی نشانگر اهمیت صفات طول پدانکل، طول بیرون آمدگی پدانکل، ارتفاع بوته و صفات مربوط به زودرسی در گرینش ژنوتیپ‌های مطلوب برای شرایط خشکی می‌باشد.

از تجزیه به عامل‌ها در تعیین ارتباط اجزای عملکرد، تبیین ترتیب اهمیت صفات مورد بررسی در ارتباط با عملکرد و انتخاب عواملی که تفاوت میان نمونه‌ها را نمایان می‌سازد، استفاده می‌گردد. در مطالعه همبستگی صفات، ارتباط یک متغیر با متغیر دیگر بدون در نظر گرفتن نقش دیگر متغیرها بررسی می‌شود. ولی با کمک روش‌هایی چون تجزیه به عامل‌ها، می‌توان به طور موقفيتی آمیزی تعداد زیادی متغیر هم‌بسته اولیه را به تعداد کمتری عامل اصلی کاهش داد و ضمن گروه‌بندی صفات، رابطه بین صفات هم‌بسته را نیز به خوبی توجیه کرد. علاوه بر این، ترتیب و اهمیت صفات و مقدار تنوعی که هر یک از صفات از تنوع کل توجیه می‌کنند، مشخص خواهد شد. از آن جا که به منظور بهمنزادی، در ابتدا باید میزان تنوع ژنتیکی برای صفت یا صفات مورد اصلاح و میزان تأثیرشان بر عملکرد مورد بررسی قرار گیرد از تجزیه به عامل‌ها استفاده شد. نتایج حاصل از تجزیه به عامل‌ها در ژنوتیپ‌های گندم در آزمایش تنش خشکی در (جدول ۴) ارائه شده است. یکی از اهداف این تجزیه این بود که ۱۸ صفت زراعی مورد بررسی را در قالب چند مؤلفه اصلی خلاصه نموده و نقش این صفات را در تبیین تنوع کل بیان نماید. در تجزیه به عامل‌ها براساس روش مؤلفه‌های اصلی و بر مبنای مقادیر ویژه بزرگتر از یک، حدود ۵ عامل مشخص شدند که در مجموع ۷۵/۰ درصد از کل تنوع داده‌ها را توجیه کردند. عامل اول که بیشترین سهم (۲۰/۲۷) درصد از تغییرات داده‌ها را نشان داد، دارای ضریب بزرگ و مثبت برای صفات ارتفاع بوته، طول پدانکل، طول بیرون آمدگی پدانکل، طول دومین میانگرده و همچنین صفات عملکرد دانه و عملکرد بیولوژیک می‌باشد، می‌توان این عوامل را به نام عوامل اصلی عملکرد نامید. ارزیابی ژنوتیپ‌های پیشرفت‌هه گندم نشان داده است که ارقامی با ارتفاع بیشتر از زودرسی و عملکرد بالاتری برخوردارند (۱۵). این ژنوتیپ‌ها مواد فتوستنتزی بیشتری را می‌توانند در ساقه ذخیره نمایند، لذا برداشت مکانیزه آن‌ها به ویژه در شرایط تنش خشکی که باعث پاکوتاهی شدید می‌شود به راحتی امکان پذیر است. وجود ضرایب عاملی مثبت و معنی‌دار برای عملکرد در عامل اول نشان‌دهنده همبستگی

جدول ۳- تجزیه واریانس برای خصوصیات زراعی

Table 3. Variance analysis of wheat of agronomic traits

ضریب تغییرات (%)	میانگین مربوط			صفات درجه آزادی	میانگین مربوط			صفات درجه آزادی
	خطا	تیمار	تکرار		خطا	تیمار	تکرار	
%۱۴/۳۵	.۰/۱۵	.۰/۷۸**	.۰/۰۵ns	وزن سنبله (گرم)	%۷/۷۰	۲۵/۹۵	۱۱۶/۴۸**	۲۵**
%۱۲/۲۷	۳۲/۹۴	۳۲۱/۱۷**	۷۸/۲۵ns	تعداد دانه در سنبله	%۱۰/۱۶	۱/۱۷	۳/۹۴**	۰/۹۷ns
%۱۵/۶۵	.۰/۰۹	.۰/۸۵**	.۰/۰۵ns	وزن دانه در سنبله (گرم)	%۱۱/۱۲	۱/۱۵	۲/۲۲**	.۰/۰۴ns
%۸/۰۱	۱۱/۶۹	۶۶/۱۹**	۲۰/۷۸ns	وزن هزار دانه (گرم)	%۱۰/۵۰	۶/۰۷	۵۲/۶۱**	۲۳/۴۹**
%۶/۵۸	۱۴/۳۱	۳۷/۵۹**	۱۵/۲۷ns	طول دوره پر شدن دانه	%۱۸/۱۴	۴/۰۲	۲۱/۴۲**	۲۰/۹۶**
%۱۰/۲۷	.۰/۰۰۵	.۰/۰۲**	.۰/۰۱ns	سرعت پر شدن دانه	%۹/۸۴	۲/۲۱	۷/۹۵**	۲/۲۳ns
%۲۳/۳۵	.۰/۲۹	۱/۲۰**	.۱/۳۶*	عملکرد دانه (تن)	%۱۶/۶۴	۴/۰۵	۸/۶۹**	۴۱/۰۹**
%۱۶/۹۷	۲/۱۶	۹/۹۴**	۳/۹۳ns	عملکرد بیولوژیک (تن)	%۱۰/۴۵	۶/۸۲	۱۷/۲۷**	۰/۱۹ns
%۲۲/۱۵	۳۵/۲۵	۵۷/۰۵**	۵۶/۵۲ns	شاخص برداشت	%۲۱/۸۴	۱۴۸۹/۲۰	۲۰۰۹/۱۳ns	۱۰۲۸/۴۷ns

\*، \*\* و ns به ترتیب معنی دار در سطح احتمال پنج درصد و یک درصد و غیرمعنی دار

جدول ۴- نتایج مربوط به تجزیه عاملها

Table 4. Results of factor analysis

صفت	۵	۴	۳	۲	۱
ارتفاع(سانتی‌متر)	-۰/۰۴	-۰/۱۲	-۰/۲۱	-۰/۶	-۰/۸۵
طول برگ برجم (سانتی‌متر)	-۰/۱۸	-۰/۱۸	-۰/۵۲	-۰/۱۵	-۰/۷۷
طول سنبله (سانتی‌متر)	-۰/۱۶	-۰/۱۶	-۰/۰۱	-۰/۷۴	-۰/۱۰
طول پدانکل (سانتی‌متر)	-۰/۰۹	-۰/۰۹	-۰/۲۴	-۰/۲۶	-۰/۸۰
طول بیرون آمدگی پدانکل (سانتی‌متر)	-۰/۳۱	-۰/۱۱	-۰/۱۲	-۰/۷۲	-۰/۷۸
طول دومن میانگره (سانتی‌متر)	-۰/۰۲	-۰/۱۳	-۰/۰۱	-۰/۷۰	-۰/۷۵
روز تا گرددافشانی	-۰/۰۷	-۰/۱۵	-۰/۱۹	-۰/۱۸	-۰/۰۸
روز تا رسیدگی فیزیولوژیک	-۰/۱۳	-۰/۱۲	-۰/۱۷	-۰/۱۷	-۰/۰۵
تعداد سنبله در متر مربع	-۰/۰۳۴	-۰/۰۴۰	-۰/۰۲۱	-۰/۰۳۷	-۰/۱۰
وزن سنبله (گرم)	-۰/۰۶	-۰/۰۱	-۰/۰۵	-۰/۰۵	-۰/۱۴
تعداد آنده در سنبله	-۰/۰۳۶	-۰/۰۱	-۰/۰۱	-۰/۰۱	-۰/۰۲
وزن آنده در سنبله (گرم)	-۰/۰۳	-۰/۰۱۳	-۰/۰۱۲	-۰/۰۱۷	-۰/۱۵
وزن هزار آنده (گرم)	-۰/۰۶	-۰/۰۲	-۰/۰۷	-۰/۰۲	-۰/۲۸
طول دوره پر شدن آنده	-۰/۰۶	-۰/۰۲	-۰/۰۶	-۰/۰۱۳	-۰/۰۵
ساعت پر شدن آنده	-۰/۰۳	-۰/۰۱	-۰/۰۵	-۰/۰۱۹	-۰/۰۲
عملکرد آنده (آن)	-۰/۰۵	-۰/۰۲۳	-۰/۰۱۳	-۰/۰۱۲	-۰/۰۴
عملکرد بیولوژیکی (آن)	-۰/۰۱	-۰/۰۱۹	-۰/۰۱۲	-۰/۰۱۲	-۰/۱۴
شاخص برداشت	-۰/۰۶۸	-۰/۰۱۴	-۰/۰۹	-۰/۰۴	-۰/۰۲
مقدار وزنه	۱/۹۹	۲/۰۳	۲/۷۹	۲/۰۳	۳/۶۵
درصد واریانس	۱۱/۷	۱۱/۹۳	۱۵/۵۱	۱۶/۸۵	۲۰/۲۷
درصد تجمعی واریانس	۷۵/۰۲	۶۳/۹۵	۵۲/۶۲	۳۷/۱۳	۲۰/۲۷

طول دوره پر شدن آنده، عملکرد آنده و شاخص برداشت دارای حداقل مقدار بوده و نسبت به سایر گروه‌ها در رتبه اول قرار می‌گیرد. به دلیل زیاد بودن تعداد سنبله در متر مربع، عملکرد آنده در این گروه به حداقل مقدار خود رسیده است. اما برای صفات طول برگ پرچم، وزن سنبله، وزن آنده در سنبله دارای حداقل مقدار بوده و در رتبه سوم قرار می‌گیرد. گروه سوم شامل ژنوتیپ شماره ۲۶ بوده و از نظر صفات ارتفاع بوته، طول برگ پرچم، طول پدانکل، طول بیرون آمدگی پدانکل، طول دومین میانگره، وزن سنبله، وزن هزار آنده، سرعت پر شدن آنده و عملکرد بیولوژیک بیشتر از سایر گروه‌ها می‌باشد و در رتبه اول قرار دارد. به دلیل اینکه در تمام صفات وابسته به ارتفاع در حداقل مقدار خود قرار دارد پس ژنوتیپ موجود در این گروه به عنوان ژنوتیپی با ارتفاع نسبتاً بالا نسبت به سایر گروه‌ها شناخته می‌شود. بنابراین ژنوتیپ‌های این گروه دارای ارتفاع بیشتری نسبت به دو گروه دیگر بوده که بیانگر اهمیت این گروه در جهت استفاده برای مناطق خشک می‌باشد زیرا بواسطه ارتفاع بلندشان و ذخیره سازی بیشتر مواد غذایی در پدانکل تحمل به شرایط خشکی در آنان افزایش می‌یابد. احمدی و همکاران (۱) ارقام گندم بهاره را با روش کلاستریندی UPGMA در ۳ گروه مجزا طبقه‌بندی کردند. عظیمی و همکاران (۲) نیز در تجزیه کلاستر در آزمایش تحت تنش خشکی ۵۰ ژنوتیپ را در ۵ گروه تقسیم کرد گروه اول ۱۷ ژنوتیپ، گروه دوم ۱ گروه سوم ۱۷، گروه چهارم ۲ و گروه پنجم ۱۳ ژنوتیپ را در خود داد. در این تحقیق گروه سوم بالاترین عملکرد آنده را به خود اختصاص داده است، از میان صفات مربوط به عملکرد نیز صفت عملکرد بیولوژیک و تعداد سنبله در مترمربع بیشتر از سایر گروه‌ها بود به دلیل زیاد بودن تعداد سنبله در مترمربع افزایش عملکرد آنده به حداقل مقدار خود در این گروه رسیده است. پیردشتی و همکاران (۱۴) در بررسی صفات مؤثر بر عملکرد آنده ۶۰ ژنوتیپ گندم نان با استفاده از روش‌های

ژنوتیپ‌های موجود در هر گونه گیاهی دارای تنوع زیادی از نظر صفات مختلف کمی و کیفی می‌باشند. محققین جهت انتخاب بهترین ارقام و ژنوتیپ‌ها از روش‌های مختلف آماری بهره می‌گیرند که یکی از روش‌ها برای این مهم استفاده از روش تجزیه کلاستر به روش UPGMA می‌باشد. با گروه‌بندی ژنوتیپ‌ها تحت شرایط تنش رطوبتی شناسایی ژنوتیپ‌های دارای عکس العمل مشابه بهتر انجام می‌گیرد به طوری که ژنوتیپ‌هایی که در یک گروه قرار می‌گیرند شباخت ژنتیکی بیشتری به یکدیگر دارند (۱۳). تجزیه کلاستر در آزمایش تنش خشکی ژنوتیپ‌ها را به ۳ گروه تقسیم کرد (شکل ۱). گروه اول دارای ۳۴ ژنوتیپ، گروه دوم ۸ ژنوتیپ، گروه سوم ۱ ژنوتیپ را در خود جای دادند. گروه اول در رابطه با صفات طول سنبله، طول برگ پرچم، روز تا رسیدگی فیزیولوژیک، وزن سنبله، تعداد آنده در سنبله، وزن آنده در سنبله و طول دوره پر شدن آنده از میانگین جامعه بالاتر بوده و در سایر موارد مقدار پایین‌تری از میانگین جامعه را دارد بودند (جدول ۵). در این بررسی، عملکرد آنده این گروه در جایگاه سوم قرار گرفت. در رابطه با صفت تعداد سنبله در متر مربع به عنوان صفت تاثیرگذار در عملکرد در قرار دارد. اما علت کم بودن عملکرد آنده در این گروه می‌توان به کم بودن وزن هزار آنده نسبت داد که این امر را می‌توان به دلیل زیاد بودن تعداد آنده در سنبله که در این گروه در حداقل مقدار خود می‌باشد دانست. صفات طول سنبله، روز تا رسیدگی فیزیولوژیک، تعداد آنده در سنبله در این گروه در حداقل مقدار خود بوده و نسبت به سایر گروه‌ها در رتبه اول قرار می‌گیرند. اما برای صفات ارتفاع بوته، طول پدانکل، طول بیرون آمدگی پدانکل، طول دومین میانگره، وزن هزار آنده، سرعت پر شدن آنده، عملکرد آنده و عملکرد بیولوژیک حداقل مقدار بوده و در رتبه آخر قرار می‌گیرد. این گروه را می‌توان گروهی نسبتاً دیررس با ارتفاع پایین دانست. گروه دوم شامل ۸ ژنوتیپ بوده که از نظر صفات روز تا گرددافشانی، تعداد سنبله در متر مربع،

دارای قطر ساقه، تعداد دانه پر شده و وزن هزار دانه بالا میسر است.

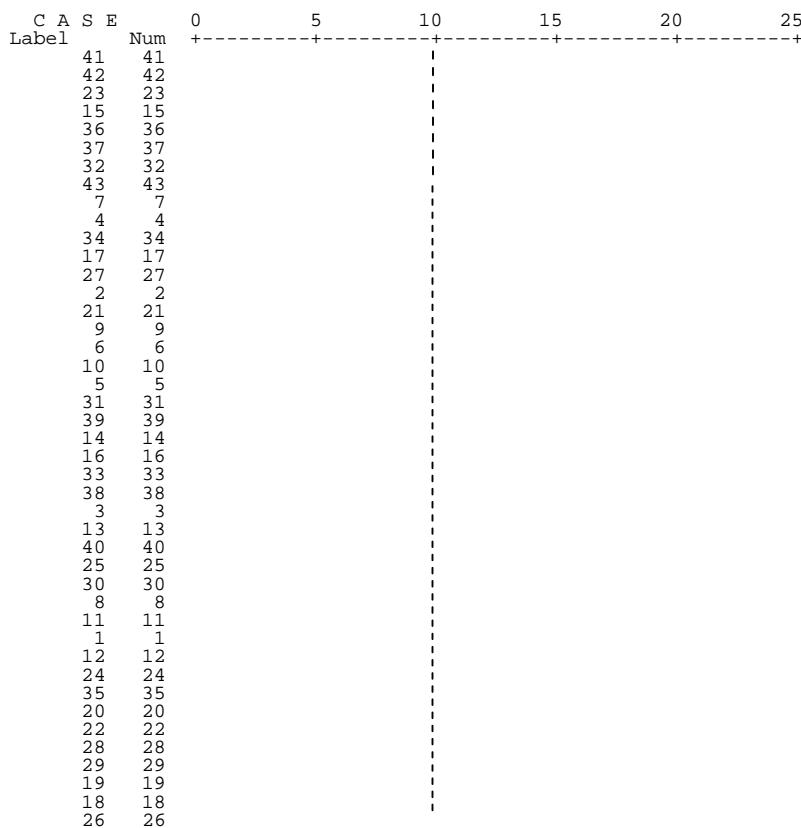
**تشکر و قدردانی**  
از بذل توجه و همکاری های ارزشمند دکتر رضا دریکووند در مراحل اجرای پایان نامه صمیمانه سپاسگزاری می نمایم.

آماری مختلف گزارش نمودند در تجزیه کلاستر، صفات در ۳ کلاستر گروه‌بندی شدند. این محققین گزارش کردند که صفات تعداد دانه در سنبله، وزن هزار دانه، شاخص برداشت و عملکرد دانه در یک گروه قرار گرفتند و دستیابی به ژنتیک‌های گندم دارای عملکرد بالا با انتخاب مواد اصلاحی

جدول ۵- مقایسه گروه‌های حاصل از تجزیه کلاستر

Table 5. Compare groups of cluster analysis

میانگین جامعه	۳	۲	۱	صفات
۵۶/۱۴	۸۷/۴۲	۶۶/۹۰	۶۶/۳۳	ارتفاع بوته (سانتی‌متر)
۱۰/۶۷	۱۳/۳۶	۹/۹۵	۱۰/۷۷	طول برگ پرچم (سانتی‌متر)
۹/۳۹	۷/۱۷	۹/۲۳	۹/۴۷	طول سنبله (سانتی‌متر)
۲۳/۴۴	۳۹/۸۷	۲۳/۱۳	۲۳/۰۳	طول پدانکل (سانتی‌متر)
۱۰/۹۳	۲۲/۵۷	۱۱/۰۳	۱۰/۵۷	طول بیرون آمدگی پدانکل (سانتی‌متر)
۱۵/۱۲	۱۷/۱۰	۱۵/۷۸	۱۴/۹۱	طول دومین میانگره (سانتی‌متر)
۱۲۲/۵۵	۱۲۱	۱۲۲/۷۴	۱۲۲/۵۵	روز تا گردیده‌افشانی
۱۱۹/۸۴	۱۱۶/۱۳	۱۱۹/۷۵	۱۱۹/۹۷	روز تا رسیدگی فیلولوژیک
۱۷۶/۶۳	۱۱۲/۶۷	۲۱۶/۱۲	۱۶۹/۲۲	تعداد سنبله در مترا مریع
۲/۷۱	۲/۱۹	۲/۴۷	۲/۷۵	وزن سنبله (گرم)
۴۶/۷۸	۴۰/۶۶	۴۲/۱۲	۴۸/۰۵	تعداد دانه در سنبله
۱/۶۶	۲/۲۸	۱/۸۰	۱/۹۹	وزن دانه در سنبله (گرم)
۴۲/۶۹	۵۷/۷۵	۴۳/۷۱	۴۲/۰۱	وزن هزار دانه (گرم)
۵۷/۴۸	۵۶	۵۷/۵۴	۵۷/۵۱	طول دوره پر شدن دانه
۰/۷۳	۱/۰۱	۰/۷۵	۰/۷۲	سرعت پر شدن دانه
۲/۲۲	۲/۷۸	۲/۷۹	۲/۲۰	عملکرد دانه (تن)
۸/۶۶	۱۱/۱۶	۹/۵۲	۸/۹۹	عملکرد بیولوژیک (تن)
۲۶/۸۰	۲۴/۷۹	۲۹/۲۷	۲۶/۲۷	شاخص برداشت



شکل ۱- گروه‌بندی ژنتیک‌های گندم براساس کلیه صفات حاصل از تجزیه کلاستر  
Figure 1. Grouping of genotypes wheat based on studied traits of cluster analysis

### منابع

1. Ahmadi, J., M. Khatibi, H. Amirshekari and M. Amini Dehag .2012. Evaluation of the effective morpho-physiological indices on the yield of spring wheat (*Triticum aestivum* L.) using multivariate statistical methods. Journal of Agronomy Science, 4: 55-66 (In Persian).
2. Azimi, M. Study of plant traits related to terminal drought tolerance and dry matter remobilization in bread wheat lines. 2011. M.Sc. Thesis. Islamic Azad University Karaj Branch. 268 pp.
3. Blum, A. 1988. Plant Breeding for Stress Environments CRC Press, Inc. Boca Raton, Florida, USA, pp: 38-78.
4. Babaei Zarch, M.J., M.H. Fotokian and S. Mahmoudi. 2014. Evaluation of Genetic Diversity of Wheat (*Triticum Aestivum* L.) Genotypes for Morphological Traits using Multivarite Analysis Methods, Journal of Crop Breeding, 6: 1-14.
5. Chaves, M.M. and M.M. Olivera. 2004. Mechanisms underlying plant resilience to water deficits: prospects for water-saving agriculture. Journal of Experimental Botany, 55: 2365-2384.
6. Evans, L.T. and R.A. Fischer. 1999. Yield potential. Crop Science, 39: 1544-1551.
7. Fischer, R.A. and R. Maurer. 1978. Drought resistance in spring wheat cultivars. I. Grain yield responses. Australian Journal of Agricultural Research, 29: 897-912.
8. Guttieri, M.J., J.C. Stark, K. O'Brien and E. Souza. 2001. Relative sensitivity of spring wheat grain yield and quality parameters to moisture deficit. Crop Science, 41: 327-335.
9. Gupta, N.K., S. Gupta and A. Kumar. 2001. Effect of water stress on physiological attributes and their relationship with growth and yield of wheat cultivars at different stages. Journal of Agronomy and Crop Science, 186: 55-62.
10. Heidari, B., G. Saeidi and B. Sayed-Tabatabaei. 2008. Factor analysis for quantitative traits and path analysis for grain yield in wheat. Water and Soil Science Journal, 11: 135-143.
11. Ludlow, M.M. and R.C. Muchow. 1990. A critical evaluation of improving crop yield in water-limited environments. Advances in Agronomy, 43: 107-153.
12. Moghaddam, M., B. Ehdaie and J.G. Waines. 1997. Genetic variartion and interrelationships of agronomic characters in landraces of bread wheat from southeastern Iran. Euphytica, 95: 361-369.
13. Maleki Nejad, R. and M.M. Majidi. 2015. Evaluation of Iranian and Foreign Safflower Germplasms under Normal and Drought Stress Conditions. Journal of Crop Breeding, 7: 1-15.
14. Pirdashti, H., A. Ahmadpour, F. Shafaati, S. Hosseini, A. Shahsavari and A. Arab. 2012. Evaluation of most effective variables based on statistically analysis on different wheat genotypes. International Journal of Agriculture: Research and Review, 2: 381-388.
15. Rostae, M., D. Sadeghzadeh and U. Arshad. 2003. Study of relationship among grain yield agronomic traits using factor analysis in rainfed conditions. Journal of Agriculture Science, 13: 1-10(In Persian ).
16. Rajaram, S., H.J. Braun and M. Ginkel. 1996. CIMMYT 's approach to bread for drought tolerance. Euphytica, 92: 147-153.
17. Rosielle, A.T. and J. Hamblin. 1981. Theoretical aspects of selection for yield in stress and non-stress enviroments. Crop Science, 21:943-945
18. Stone, P. J. and M.E. Nicolas. 1995. A survey of the effects of high temperature wheat cultivars. Australian Journal of Agricultural Research, 46: 475-492.
19. Tousi Mojarrad, M., M.R. Ghanadha and M. Khodarahmi. 2005. Factor analysis for grain yield and other attributes in bread wheat. Pajouh and Sazandegi, 67: 9-16 (In Persian).
20. Zakizadeh, M., M. Esmaeilzadeh and D. Kahrizi. 2010. Study on genetic variation and relationship between plant characteristics and grain yield in long spike bread wheat (*Triticum aestivum* L.) genotypes-using multivariate analysis. Iranian Journal of Crop Sciences, 12: 18-30 (In Persian).
21. Zhong-hu, H. and S. Rajaram. 1993. Differential responses of bread wheat characters to high temperature. Euphytica, 72: 197-303.

## Evaluation of Different Characteristics of wheat Genotypes under Drought Stress using Multivariate Statistical

**Azam Rahimi Chegeni<sup>1</sup>, Mohammad Reza Bihamta<sup>2</sup> and Manoocher Khodarahmi<sup>3</sup>**

1- Graduated M.Sc., Plant Breeding, Department of Plant Breeding, Karaj Branch, Islamic Azad University, Karaj, Iran (Corresponding Author: rahimiazam20@yahoo.com)

2- Professor, Department of Agronomy and Plant Breeding, College of Agriculture and Natural Resources, Tehran University, Karaj, Iran

3- Assistant Professor, Seed and Plant Improvement Institute, Karaj, Iran  
Received: May 24, 2015 Accepted: November 1, 2015

### Abstract

In order to evaluate and grouping wheat genotypes based on grain yield and important agronomic traits under drought stress, a field experiment was conducted with 43 wheat genotypes using a Randomized Complete Block design in three replication at Azad University, Khorramabad, Iran in 2012-2013 cropping season. Evaluated traits were: day to maturity, day to pollination, grain filling rate, grain filling period, plant height, second internode length, peduncle length, peduncle extrusion, spike length, flag leaf length, spike weight, grain per spike, harvest index, thousand weight kernel, grain weight per spike, spike per square meter, biological yield, grain yield. Analysis of variance showed that there were significant difference among genotypes for most traits under drought stress. Factor analysis based on principle components and varimax rotation showed that 5 factors, yield, growth characteristics, spike index and factor affecting of grain characteristics explained 75.02% of data total variance under drought stress. Lastly cluster analysis based on UPGMA method was used for grouping genotypes and genotypes were divided into 3 groups. The first group was the third place for grain yield. The second group was consist of 8 genotype and the maximum grain yield was compared to the other groups. 35, 18, 19, 24 genotypes showed the highest yield. The third group was in all related traits height the maximum amount.

**Keywords:** Cluster analysis, Drought Stress, Factors analysis, Wheat