



جداسازی و کلونینگ ژن ایزووفلاون سنتتاز از گیاه سویا رقم ویلیامز III

امیر آراسته فر^۱, علی ریاحی مدور^۲ و مسعود توحیدفر^۳

۱- دانش آموخته کارشناسی ارشد، دانشگاه تحصیلات تکمیلی صنعتی و فناوری پیشرفت، کرمان

۲- استادیار، دانشگاه تحصیلات تکمیلی صنعتی و فناوری پیشرفت، کرمان، (تویسندۀ مسؤول: riahi.ali@gmail.com)

۳- دانشیار، دانشگاه شهید بهشتی

تاریخ دریافت: ۹۲/۴/۱۷

تاریخ پذیرش: ۹۳/۵/۴

چکیده

ایزووفلاونوپیدها، دسته‌ای از ترکیبات فلاونوپیدی هستند که با استفاده از آنزیم ایزووفلاون سنتتاز از پیش‌ماده فلاوانونی در گیاهان لگوم تولید می‌شوند. مهم‌ترین ایزووفلاون‌های موجود در گیاه سویا شامل: جنیستین و دیدزین می‌باشند که خواص دارویی زیادی دارند. تحقیقات نشان می‌دهد که مصرف مرتب این ترکیبات خطر ابتلاء به سرطان‌های وابسته به هورمون‌های جنسی را کاهش داده و کاهش علایم یائسگی، پوکی استخوان، تعدیل کلسترول خون، بهبود بیماری‌های کرونری قلبی و غیره همگی از مزایای استفاده از این ترکیبات می‌باشد. در این پژوهش به منظور جداسازی ژن ۲-هیدروکسی ایزووفلاون‌ون سنتتاز (IFS) ابتدا RNA کل از سویا جداسازی شده و کتاب خانه cDNA با پرایم‌های اختصاصی با مکان‌های برشی (IFS) از طریق PCR تکثیر گردید و سپس ژن تکثیر شده با اندازه ۱۵۶۶ جفت بازی پس از خالص‌سازی از روی ژل در مکان XbaI/HindIII در ناقل بیانی pET28a+ کلون شد. سپس پلاسمید نوترکیب به استرین E. coli باکتری XL1-Blue منتقل گردید. وجود ژن IFS در پلاسمید‌های نوترکیب با دو روش PCR و هضم آنزیمی مورد تأیید قرار گرفت. در نهایت، حامل مذکور را می‌توان برای بیان در داخل پروکاریوت یا با ساپلکلون کردن مجدد برای انتقال ژن به گیاهان مختلف با روش آگروباکتریوم و تفنج ژنی مورد استفاده قرار داد.

واژه‌های کلیدی: ترکیبات ایزووفلاونوپیدی، جنیستین، کلونینگ، اثرات دارویی، ژن IFS، سویا

(۱۰). با این حال، مکانیسمی که این تأثیرات مهارکننده‌ی را نشان می‌دهد، تا حدود زیادی ناشناخته باقی مانده است.

ترکیبات ایزووفلاونی به صورت انحصاری در گیاهان خانواده لگوم یافت می‌شوند (البته در گیاهان دیگری از قبیل چندر قند نیز گزارش شده‌اند). علاوه بر فواید این متabolیتها بر سلامت انسان‌ها، برای گیاهان لگوم نیز دارای تأثیرات مفیدی هستند، برای مثال در خانواده لگومیان ترکیبات ضدمیکروبی یا ضد حشرات به شمار می‌روند، القاکننده بیان ژن‌های گرهک‌زایی هستند و در هم‌زیستی با باکتری ریزوبیوم یا عوامل آلولپاتیک نقش دارند (۱۵).

ایزووفلاونوپیدها از یک ترکیب حد واسط فلاوانونی حاصل می‌شوند که در همه گیاهان وجود دارند. به منظور وارد شدن این ترکیب به مسیر ایزووفلاونوپیدها، فلاوانون تحت مهاجرت حلقة B به موقعیت ۳ قرار گرفته و به دنبال آن هیدروکسیلیسیون در موقعیت ۲ صورت گرفته که این فرآیند از طریق آنزیم سیتوکروم CYP93C1 (P450)، که ۲-هیدروکسی ایزووفلاونون سنتتاز و به صورت معمول تر IFS نامیده می‌شود) انجام می‌پذیرد. ترکیب ۲-هیدروکسی ایزووفلاونون ایجاد شده ناپایدار بوده و طی فرآیند دهیدراسیون به ایزووفلاون‌های معادل خود تبدیل می‌شود. cDNA مربوط به سویا و

مقدمه

ایزووفلاونوپیدها یکی از مهم‌ترین ترکیبات ضدسرطان در نظر گرفته شده‌اند که در گیاه سویا به میزان زیادی از آن‌ها یافت می‌شود. مطالعه‌های اپیدمیولوژیکی نشان می‌دهد که مصرف بالای سویا در جمعیت‌های آسیایی ارتباط مستقیمی با کاهش سرطان سینه و پروسات در آن‌ها دارد. جنیستین^۱ و دیدزین^۲ دو ایزووفلاون اصلی در گیاه سویا محسوب می‌شوند و به نظر می‌رسد که نقش مهمی را در جلوگیری از ایجاد سرطان بازی می‌کنند (۲،۱). مطالعه‌های اخیر نشان می‌دهد که جنیستین و دیدزین اثرات مهارکننده‌ی قوی روی رشد سرطان‌های لوکمیا، سینه و پروسات دارند (۷،۶،۵،۴،۳). مطالعه‌های اولیه همچنین نشان می‌دهد که جنیستین یا دیدزین می‌توانند رشد سلولی تومور روده انسانی (HCT)^۳ را مهار کنند (۸). در عین حال، بررسی‌ها نشان می‌دهند با وجود تفاوت ساختاری کم بین جنیستین و دیدزین، تأثیرات این دو ترکیب روی رفتار سلول‌های بدخیم بسیار متفاوت می‌باشد (۹،۸). در حقیقت، ویژگی‌های بیوشیمیایی جنیستین باعث می‌شود تا این ترکیب بتواند با پذیرنده استروژن برهمنکنش نماید و خاصیت آنتی‌اکسیدانتی، مهار DNA توپوایزومراز و همچنین فعالیت‌های مهارکننده‌ی روی پروتئین تیروزین کیناز را نشان دهد

۸۰ دقیقه در دمای ۴۲ درجه سانتی گراد انجام شد. در انتهای واکنش به منظور حذف اثر RT، تیوبها به مدت ۵ دقیقه در دمای ۷۰ درجه سانتی گراد قرار گرفتند.

واکنش PCR با استفاده از آنزیم *Pfu* به صورت زیر انجام شد. رشتہ الگو (cDNA) ۲/۵ میکرولیتر، هر یک از پرایمرها ۵ پیکومول و با استفاده از آب دیونیزه استریل حجم نهایی واکنش به ۲۵ میکرولیتر رسانیده شد.

به این منظور دو پرایمر، پیشو *TCT AGA ATG* ۵'-*G-۳' TTA CTG GAA CTT GCA CTT* و معکوس *5'-AAG CTT TTA AGA AAG GAG TTT AGA Glycin AAC-3'* با استفاده از توالی ژنی گیاه *max* با شماره دسترسی NM 001249093 (ثبت شده در Gene Bank) طراحی شدند. نوکلوتیدهای تیره مربوط به جایگاههای برشی *HindIII* و *XbaI* میباشند که به ترتیب در انتهای ۵' پرایمرهای پیشو و معکوس قرار داده شدند. طراحی این آغازگرها با برنامه Oligi Vector NT صحت گرفت و با استفاده از برنامه MWG آلمان ساخته آن تأیید گردید و توسط شرکت MWG آلمان ساخته شدند. برای تکثیر از برنامه زیر استفاده شد.

واسرشت‌سازی اولیه: ۹۴ درجه سانتی گراد، ۵ دقیقه.

واسرشت‌سازی اصلی: ۹۴ درجه سانتی گراد، ۳۰ ثانیه. اتصال پرایمرها: ۵۵ درجه سانتی گراد، ۳۰ ثانیه.

بسط: ۷۲ درجه سانتی گراد، ۱/۵ دقیقه.
بسط نهایی: ۷۲ درجه سانتی گراد، ۸ دقیقه.

واکنش فوق به مدت ۳۰ سیکل انجام شد و در نهایت ژل گذاری محصول PCR با استفاده از آگارز ۱٪ انجام و پس از رنگ آمیزی با اتیدیوم بروماید با استفاده از ژل داک تصویر مشاهده شد. تخلیص محصول با استفاده از کیت High Pure PCR Product Purification Kit انجام شد. به منظور کلون کردن ژن IFS، از پلasmid pET28a+ استفاده گردید. این پلasmid دارای ژن مقاومت به آنتی بیوتیک کانامایسین میباشد، به همین دلیل استوک ۵۰ میکروگرم بر میلی لیتر از این آنتی بیوتیک تهیه و تا زمان استفاده در یخچال (دمای ۴ درجه سانتی گراد) نگهداری شد. باکتری حامل پلasmid pET28a+ (به منظور استخراج پلasmید) و همچنین باکتری DH5 در محیط کشت LB کشت داده شد و در دمای ۳۷ درجه سانتی گراد به مدت ۱۶ ساعت با دور ۲۳۰ rpm شیک شدند. استخراج پلasmید از باکتری های رشد کرده با استفاده از کیت Miniprep شرکت بایونیر و طبق دستو العمل شرکت انجام شد. پلasmیدهای به دست آمده از این روش دارای کیفیت بالایی بوده و مستقیماً از آن ها برای فرآیند هضم و کلونینگ استفاده گردید. تهیه سلول های شایسته از باکتری DH5، با استفاده از کلرید کلسیم انجام گرفت (۲۰).

دیگر گونه ها ایزوله و کلون شده (۱۸، ۱۷، ۱۶) به منظور تولید ترکیبات ایزوفلامونی به گیاهان رابیدوپسیس، ذرت و تنباقو انتقال داده شده اند (۱۹، ۱۷). هدف از این تحقیق، همسانه سازی ژن IFS از گیاه سویا در یک وکتور بیانی است.

مواد و روش ها

تهیه، کشت بذرها، القای گیاهان سویا و استخراج RNA بذرهای گیاه سویا رقم ویلیامز III از جهاد کشاورزی استان کرمان، تهیه شد. به منظور ضد عفونی کردن، ابتدا بذرها را با استفاده از آب مقطر استریل به مدت ۵ دقیقه شست و شو، سپس با استفاده از اتانول ۷۰٪ به مدت ۲ دقیقه و هیپوکلرید سدیم ۲/۵٪ به مدت ۵ دقیقه ضد عفونی سطحی نموده و در نهایت، به مدت ۵ دقیقه مجدداً در آب مقطر استریل شست و شو داده شدند. بذرهای استریل شده داخل پیت ماس اتوکلاو شده کشت و به مدت ۹ روز در شرایط اتیوله (تاریکی کامل)، داخل انکوباتور با دمای ۲۸°C قرار گرفتند.

گیاهچه های ۹ روزه به مدت ۱۶ ساعت با محلول ۰/۲ درصد عصاره مخمر تیمار شدند. پس از گذشت ۱۶ ساعت، گیاهچه ها جمع آوری و به منظور حذف الیسیتور از سطح آنها آبکشی شدند. گیاهچه های ذکر شده در زیر هود روی دستمال کاغذی های استریل قرار گرفتند تا آب اضافی آنها حذف شود و در ادامه گیاهچه ها به مدت ۱۰ دقیقه در نیتروژن مایع قرار گرفته و سپس تا مرحله استخراج RNA به فریزر ۸۰°C منتقل شدند.

استخراج RNA با استفاده از کیت RNX-Plus (شرکت سینا ژن، شماره کاتالوگ: (RN7713C) انجام شد. مراحل استخراج مطابق دستورالعمل پیشنهادی شرکت سازنده انجام شد. ۰/۵ گرم از گیاهچه برای هر بار استخراج مورد استفاده قرار گرفت و به منظور حذف آلودگی های DNA، از آنزیم DNase1 استفاده شد.

ساخت cDNA، تکثیر ژن و کلون سازی ژن به منظور ساخت cDNA، ابتدا ۲۰۰۰ نانوگرم از RNA کل به تیوب های ۰/۲ اضافه شد (کلیه مراحل ساخت cDNA روی یخ انجام گرفت). سپس ۲ میکرولیتر پرایمر الیگو dT به RNA کل اضافه و تیوب های مذکور به مدت ۵ دقیقه در دمای ۶۵ درجه سانتی گراد قرار گرفتند. پس از گذشت ۵ دقیقه بلا فاصله تیوب ها به روی یخ منتقل شدند. سپس ۲/۵ میکرولیتر بافر X ۱۰ RT، ۰/۲ میلی مولار از هر کدام از NTPها، ۰/۷۵ میکرولیتر RNase inhibitor (RT) یک میکرولیتر آنزیم رونوشت بردار معکوس (MMuLV) از شرکت فرمتاژ و در نهایت آب دیونیزه استریل RNase free تا حجم نهایی ۲۵ میکرولیتر به تیوب ها اضافه گردید. واکنش ساخت cDNA به مدت

فرآیند هضم پلاسمید و محصولات تخلیص شده PCR با استفاده از آنزیم‌های برشی *XbaI* و *HindIII* به مدت یک ساعت در دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد طبق جدول ۱ انجام شد.

جدول ۱- شرایط واکنش برای هضم دو گانه

ماده	مقدار
<i>HindIII</i> و <i>XbaI</i>	هر یک، ۱ میکرولیتر
۱۰x M بافر	۵ میکرولیتر
پلاسمید/محصول PCR	۱ میکروگرم
آب دیونیزه استریل	۴۳ میکرولیتر

شده انجام گرفت. علاوه بر این، عمل هضم آنزیمی روی پلاسمیدهای تخلیص شده در حضور آنزیم‌های *HindIII* / *XbaI* انجام گرفت.

نتایج و بحث

cDNA ژن IFS به روش RT-PCR از گیاه سویا تهیه شد و با استفاده از پرایمرهای اختصاصی که در دو انتهای آن‌ها جایگاه‌های برشی *HindIII/XbaI* قرار داشتند تکثیر گردید. در شکل ۱، محصول PCR ژن IFS با طول ۱۵۶۶ bp روی ژل آگارز نشان داده شده است. عدم وجود باند در آب نشان‌دهنده عدم وجود آلوودگی در نمونه‌ها است. بهمنظور کلونسازی، ابتدا پلاسمید بیانی pET28a+، با آنزیم‌های برشی *HindIII/XbaI* هضم شدند (شکل ۲).

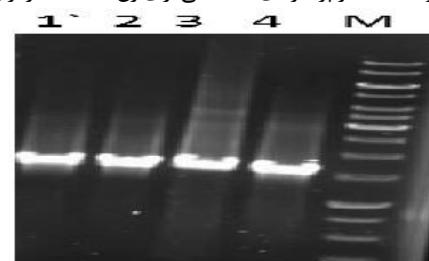
همسانه‌سازی PCR به همراه پلاسمید هضم شده پس از ریکاوری از روی ژل با استفاده از آنزیم لیگاز انجام شد (۲۰). پلاسمیدهای نوترکیب که دارای نشانگر مقاومت به کانامایسینس بودند به روش شوک حرارتی به باکتری *E. coli* منتقل شدند (۲۰).

جدازی و تخلیص قطعه مربوط به ژن IFS و Agarose Gel DNA Extraction Kit انجام شد. برای کلونسازی قطعه ژن در پلاسمید pET28a+ از آنزیم pET28a+ (از شرکت سیگما) استفاده شد. پلاسمیدهای نوترکیب به روش شوک حرارتی به باکتری‌های مستعد منتقل شدند. سلول‌های حاوی پلاسمید با کشت روی محیط LB جامد (حاوی ۱٪ اگار) حاوی آنتی‌بیوتیک کانامایسین شناسایی شدند. پس از استخراج پلاسمید، وجود ژن IFS با استفاده از روش PCR و هضم آنزیمی به بررسی نوترکیب‌ها از لحاظ وجود یا عدم وجود قطعه الحاقی پرداخته شد.

تایید کلونینگ با استفاده از تکثیر ژن IFS با پرایمرهای اختصاصی و هضم با آنزیم‌های برشی به منظور تائید حضور ژن IFS در باکتری‌های رشد یافته روی محیط انتخابی، یک تک کلون از باکتری حاصل از رشد سلول‌های تواریزش شده، در محیط مایع که حاوی آنتی‌بیوتیک مناسب بود کشت داده شدند و سپس پلاسمید آنها استخراج گردید. تکثیر ژن IFS در حضور پرایمرهای اختصاصی و با شرایط ذکر



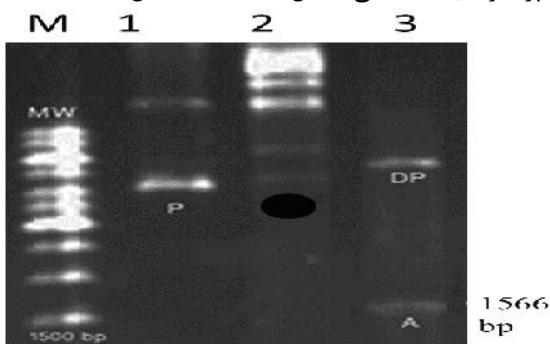
شکل ۱- انجام واکنش زنجیره‌ای پلیمراز با استفاده از پرایمرهای اختصاصی برای ژن IFS: M: مارکر وزن مولکولی، A: ژن IFS، W: نمونه بدون الگو.



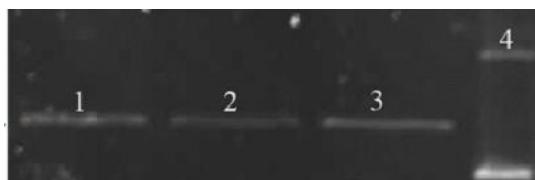
شکل ۲- هضم وکتور pET28a+ با آنزیم‌های برشی *XbaI/HindIII* (چاهک ۱ الی ۳ برش با آنزیم *XbaI/HindIII*، چاهک ۴ پلاسمید برش نخورد).
.....

(۳) و روش هضم آنزیمی (شکل ۴) به بررسی حضور قطعه الحقی روی پلاسمیدهای نوترکیب پرداخته شد. همان طورکه در شکل ۳ مشاهده می‌شود حضور یک تک باند در محدوده ۱۵۶۶ bp IFS در پلاسمید استخراج شده می‌باشد (۱۷). از طرف دیگر، حضور دو باند حاصل از هضم آنزیمی پلاسمید که یک تک باند در محدوده ۱۵۶۶ bp و تک باند دیگری که معرف پلاسمید خطی شده است، تأیید دیگری بر الحقیقی هدف در وکتور است (شکل ۴).

ارزیابی تاریخیت سلول‌های *E. coli* به وسیله‌ی پلاسمیدهای کدکننده مقاومت به آنتی‌بیوتیک، بر مبنای ظهور کلونی‌های مقاوم روی محیط کشت LB حاوی کانامایسین (۵۰ mg/L) صورت گرفت. به عبارت دیگر، پس از تاریخیت باکتری با پلاسمیدهای ژن مقاوم به آنتی‌بیوتیک، سلول‌ها روی محیط جامد که حاوی همان آنتی‌بیوتیک بود کشت شدند. در این محیط، سلول‌هایی که پلاسمید دریافت نکرده بودند از بین رفتہ و تنها سلول‌های واجد پلاسمید نوترکیب رشد کردند. با به کارگیری روش تکثیر با پرایمرهای اختصاصی (شکل ۴).



شکل ۳- محصول PCR کلونی‌های نوترکیب با استفاده از پرایمرهای اختصاصی ژن IFS (۱ الی ۴ پلاسمید نوترکیب، M مارکر وزن مولکولی).



شکل ۴- هضم پلاسمیدهای نوترکیب با استفاده از آنزیم‌های برشی XbaI و HindIII. ۱- پلاسمید غیرنوترکیب، ۲- پلاسمید نوترکیب هضم نشده و ۳- پلاسمید نوترکیب هضم شده (A- ژن IFS DP- پلاسمید هضم شده و M- مارکر وزن مولکولی).

یک وکتور مناسب (pBI121) تحت پرومودر (CaMV35S) هم‌سانه‌سازی نمود. در این تحقیق علاوه بر این که ژن هدف از ارقام ایرانی جداسازی شده، نگرانی‌های مربوط به اینمنی زیستی بخاطر گیاهی بودن منشاء ژن کاهش می‌یابد و همچنین می‌توان از طریق مهندسی کلروپلاست میزان بیان آن را در گیاه افزایش داد. پیشرفت‌های اخیر انتقال ژن به پلاستید، فن‌آوری مهندسی پلاستید را گزینه‌ای جایگزین برای تراریزش هسته‌ای مطرح می‌کند، که از آن می‌توان به عنوان زمینه‌ای کارا و سازگار با مسایل زیست‌محیطی، برای ایجاد صفات با ارزش زراعی و نیز استفاده از گیاهان بیورآکتورهایی ایده‌آل محسوب می‌شوند. برای تولید پروتئین‌های درمانی، واکسن‌ها و مواد زیستی استفاده نمود.

نتایج و بحث

تاریخچه طولانی کاربری این ماده ایزووفلاون که داروی ضد سلطان محسوب می‌شود، از مزایای بارز انتقال ژن مربوط به این آنزیم به گیاهان می‌باشد. انتظار می‌رود ادغام موفقیت‌آمیز ژن IFS در ژنوم گیاهی، باعث افزایش بیان آن شود و با توجه به حضور پیش ماده سنتز ترکیبات ایزووفلاونی (نارینجنین^۱ و لیکوپریتیجنین^۲) در گیاهان مختلف، تولید این ترکیبات دارویی مهم در طیف وسیعی از گیاهان خوارکی میسر شود.

در این تحقیق ابتدا RNA بافت جدا و سپس از روی آن کتابخانه cDNA ساخته شد و با عمل RT-PCR ژن هدف، تکثیر و سپس در وکتور بیانی پروکاریوتی (pET28a+) هم‌سانه‌سازی شد. برای انتقال این ژن به گیاه می‌توان با انجام سایپکلونینگ مجدد در

1- Naringenin

2- Liquiritigenin

منابع

1. Messina, M.J., V. Persky, K.D.R. Kenneth, D.R. Setchell and S. Barnes. 1994. Soy intake and cancer risk: a review of the in vitro and in vivo data. *Nutrition and Cancer*, 21: 113-131.
2. Chiechi, L.M. 1999. Dietary phytoestrogens in the prevention of long-term postmenopausal diseases. *International Journal of Gynecology and Obstetrics*, 67: 39-40.
3. Li, W. and G. Weber. 1999. Synergistic action of tiazofurin and genistein on growth inhibition and differentiation of K562 human leukemic cells. *Life Science*, 22: 1975-1981.
4. Shao, Z.M., J. Wu, Z.Z. Shen and S.H. Barsky. 1998. Genistein exerts multiple suppressive effects on human breast carcinoma cells. *Cancer Research*, 58: 4851-4857.
5. Balabhadrapatrungi, S., T.J. Thomas, E.J. Yurkow, P.S. Amenta and T. Thomas. 2000. Effects of genistein and structurally related phytoestrogens on cell cycle kinetics and apoptosis in MDAMB-468 human breast cancer cells. *Oncology Reports*, 1: 3-12.
6. Zhou, J.R., E.T. Gugger, T. Tanaka, Y. Guo, G.L. Blackbamp and S.K. Clinton. 1999. Soybean phytochemicals inhibit the growth of transplantable human prostate carcinoma and tumor angiogenesis in mice. *Journal of Nutrition*, 129: 1628-1635.
7. Choi, Y.H., W.H. Lee, K.Y. Park and L. Zhang. 2000. P53-independent induction of p21 (WAF1/CIP1), reduction of cyclin B1 and G2/M arrest by the isoflavone genistein in human prostate carcinoma cells. *Japanese Journal of Cancer Research*, 91: 164-173.
8. Yu, J.T., Y. Cheng, L.P. Xie and R.Q. Zhang. 1999. Effect of genistein and daidzein on membrane characteristics of HCT cells. *Nutrition Cancer*, 33: 100-104.
9. Wang, W.Q., C.M. Higuchi and R.Q. Zhang. 1997. Individual and combinatory effects of soy isoflavones on the in vitro potentiation of lymphocyte activation. *Nutrition Cancer*, 29: 29-34.
10. Akiyama, T., J. Ishida, S. Nakagawa, H. Ogawara, S. Watanabe, N. Itoh, M. Shibuya and Y. Fukami. 1987. Genistein, a specific inhibitor of tyrosine protein kinases. *The Journal of Biological Chemistry*, 262: 5592-5595.
11. Miksicek, R.J. 1993. Commonly occurring plant flavonoids have estrogenic activity. *Molecular Pharmacology*, 44: 37-43.
12. Wei, H., L. Wei, K. Frenkel, R. Boven and S. Barnes. 1993. Inhibition of tumor promoter-induced hydrogen peroxide formation in vitro and in vivo by genistein. *Nutrition Cancer*, 20: 1-12.
13. Markovits, J., C. Linassier and P. Fosse. 1989. Inhibitory effects of the tyrosine kinase inhibitor genistein on mammalian DNA topoisomerase II. *Cancer Research*, 49: 5111-5117.
14. Clark, J.W., A. Santos-Moore, L.E. Stevenson and A.R. Frackelton. 1996. Effects of tyrosine kinase inhibitors on the proliferation of human breast cancer cell lines and proteins important in the rat signaling pathway. *International Journal of Cancer*, 65: 186-191.
15. Dixon, R.A. 1999. In *Comprehensive Natural Products Chemistry*, edition. Sankawa, U. Elsevier, New York, 1: 773-823.
16. Steele, C.L., M. Gijzen, D. Qutob and R.A. Dixon. 1999. Molecular characterization of the enzyme catalyzing the aryl migration reaction of isoflavanoid biosynthesis in soybean. *Archives of Biochemistry and Biophysics*, 367: 147-150.
17. Jung, W., O. Yu, S.M.C. Lau, D.P. O'Keefe, J. Odell, G. Fader and B. McGonigle. 2000. Identification and expression of isoflavone synthase, the key enzyme for biosynthesis of isoflavones in legumes. *Nature Biotechnology*, 18: 208-212.
18. Akashi, T., T. Aoki and S. Ayabe. 1999. Cloning and functional expression of a cytochrome P450 cDNA encoding 2-hydroxyisoflavanone synthase involved in biosynthesis of the isoflavanoid skeleton in licorice. *Plant Physiology*, 121: 821-828.
19. Yu, O., W. Jung, J. Shi, R.A. Croes, G.M. Fader, B. McGonigle and J.T. Odell. 2000. Production of the isoflavones genistein and daidzein in non-legume dicot and monocot tissues. *Plant Physiology*, 124: 781-794.
20. Sambrook, J., E.F. Fritsch and T. Maniatis. 1989. *Molecular Cloning: A Laboratory Manual*, volume I. Second edition. Cold Spring Harbor Laboratory Press, ISBN 0-87969-309-6.

Isolation and Cloning of Isoflavone Synthase Gene from Soybean (*Glycin max*) Williams III Cultivar

Amir Arastefar¹, Ali Riahi-Madvar² and Masoud Tohidfar³

1- Graduated M.Sc., University of Advanced Technology, Kerman

2- Assistant Professor, University of Advanced Technology, Kerman

(Corresponding authors: riahi.ali@gmail.com)

3- Associate Professor, Shahid Beheshti University

Received: July 8, 2013

Accepted: July 26, 2014

Abstract

Isoflavonoids are a group of flavonoid compound which produced from flavanon precursors in legums, by isoflavone synthase (IFS) enzyme. The most important isoflavonoids finding in soybean are genistein and daidzein that have many medicinal impacts. Investigations have revealed that regularly using these compounds lowered the risk to come down with hormone-related cancers, besides menopausal symptoms and reduction in osteoporosis, balance in cholesterol bloods level, improving in heart-coronary diseases are benefits that are related to using these compounds. In this investigation in order to isolate isoflavone synthase, at first total RNA was extracted and cDNA was synthesized, subsequently. IFS gene was isolated and subjected to PCR by specific primers which have the *HindIII* and *XbaI* at their 5' ends. Subsequently, amplified gene after extracting on agarose gel was cloned in restriction site of *XbaI/HnidIII* of pET28a⁺. At the last step, recombinant plasmids were approved by PCR and enzymatic digestion. Finally, the mentioned vector can be used either as an expression vector in prokaryotic hosts or introduced into plants by agrobacterium or gene gun-mediated transformations.

Keywords: Cloning, Genistein, IFS Gene, Isoflavonoid Compounds, Medicinal Impacts, Soybean