



بررسی اثر متقابل ژنوتیپ × محیط و پایداری عملکرد ژنوتیپ‌های امیدبخش پنبه (*Gossypium hirsutum* L.)

عمران عالیشاه^۱، حجت اله محمودجانلو^۲، محمد حسن حکمت^۳، علی نادری عارفی^۴، سید یعقوب سید معصومی^۵ و فرشید طلعت^۶

۱- دانشیار مؤسسه تحقیقات پنبه کشور، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، گرگان، ایران (نویسنده مسوول: Omeran_alishah@yahoo.com)

۲- مربی تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی گرگان خ شهید بهشتی، مؤسسه تحقیقات پنبه کشور

۳- کارشناس ارشد تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی داراب، ایستگاه تحقیقات کشاورزی حسن آباد

۴- استادیار تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی ورامین، مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی تهران

۵- مربی تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی مغان، مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی

۶- استادیار تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی ارومیه، مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی

تاریخ دریافت: ۹۸/۱/۲۴ تاریخ پذیرش: ۹۸/۴/۱۹

صفحه: ۲۲۶ تا ۲۳۶

چکیده

به منظور مطالعه اثر متقابل ژنوتیپ × محیط و پایداری عملکرد ژنوتیپ‌های امیدبخش پنبه (*Gossypium hirsutum* L.)، ده ژنوتیپ جدید پنبه در ۱۲ محیط آزمایشی و در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با چهار تکرار مورد بررسی قرار گرفتند. آزمایش در مدت دو سال (۱۳۹۳ و ۱۳۹۴) و در شش منطقه (هاشم‌آباد و کارکنده، داراب، مغان، ارومیه و گرمسار) به مورد اجرا در آمد. بر اساس نتایج تجزیه واریانس مرکب اثر مستقل سال، مکان و ژنوتیپ و همچنین اثرات متقابل دوگانه و سه گانه (سال × مکان × ژنوتیپ) بر عملکرد، تعداد غوزه، وزن غوزه، زودرسی و تعداد شاخه رویا در سطح احتمال یک درصد معنی‌دار بودند. با توجه به نتایج مقایسه میانگین مرکب داده‌ها در سطح سال و مکان‌های آزمایشی، ژنوتیپ K8802 با عملکرد ۳۶۹۱ کیلوگرم در هکتار در رتبه نخست قرار داشت. ژنوتیپ‌های پایدار شناسایی شده بر اساس پارامترهای ضریب تغییرات، واریانس محیطی و روش ابرهاریت و راسل کاملاً مشابه بود، اما تعداد ژنوتیپ‌های پایدار شناسایی شده بر اساس روش‌های مذکور کمتر از روش فینلی و ویلکینسون بود. دامنه تشابه نتایج گزینش ژنوتیپ‌های پایدار بر اساس شاخص‌های مختلف پایداری از ۶۷ تا ۱۰۰ درصد متغیر و ضرایب همبستگی عملکرد با شاخص‌های پایداری (بجز ضریب رگرسیون) از لحاظ آماری معنی‌دار بود. بر اساس نتایج این تحقیق، ژنوتیپ NSK847 در مرحله نخست و ژنوتیپ‌های GKTB113 و SKSH-249 بعنوان ژنوتیپ‌های پایدار با سازگاری و عملکرد مناسب جهت آزدسازی و استفاده در برنامه‌های به‌نژادی کشور شناسایی شدند.

واژه‌های کلیدی: وش، عملکرد، همبستگی، سازگاری، روش‌های پارامتری

مقدمه

بسیاری از صفات کمی و کیفی پنبه از جمله عملکرد وش، عملکرد الیاف و درصد الیاف (کیل) تحت تاثیر ژنتیک (G)، محیط (E) و اثر متقابل ژنوتیپ در محیط (GE) قرار می‌گیرند (۸، ۳۴، ۳۸، ۴۷). وجود اثر متقابل ژنوتیپ × محیط بیانگر رفتار و واکنش متفاوت ژنوتیپ‌ها نسبت به تغییرات محیطی است که این موضوع معمولاً انتخاب ژنوتیپ‌های برتر را در فرآیند به‌نژادی پیچیده می‌سازد و باعث می‌شود که انتخاب ارقام صرفاً بر اساس عملکرد و بدون در نظر گرفتن پایداری عملکرد، معیار مناسب و دقیقی نباشد (۲۲، ۲۳، ۲۹). از این‌رو، ارزیابی سازگاری و پایداری عملکرد ارقام در برنامه‌های به‌نژادی مهم و ضروری بوده و با وجود پرهزینه بودن مطالعات مذکور، نتایج حاصله اطلاعات ارزشمندی در خصوص اثرات محیط روی عملکرد و خصوصیات زراعی ارقام، آگاهی از سهم فاکتورهای ژنتیکی و محیطی در فنوتیپ صفت، انتخاب والدین مناسب جهت شرکت در دورگ‌گیری‌ها و از همه مهم‌تر انتخاب و معرفی ارقام زراعی پرمحصول و سازگار به محیط‌های کشت فراهم می‌سازد (۸، ۲۶، ۲۳).

سازگاری یک وارپته عبارت از ظرفیت ژنتیکی آن وارپته برای ظهور عملکرد بالا و پایدار در محیط‌های متفاوت می‌باشد. سازگاری ارقام به دو فرم عمومی و خصوصی تقسیم‌بندی می‌شود. وارپته‌هایی با سازگاری عمومی دارای

پنبه (*Gossypium hirsutum* L.) یکی از گیاهان مهم زراعی و صنعتی است که در درجه اول بعنوان گیاه لیفی (برای تولید الیاف) و در درجه دوم بعنوان گیاه روغنی و مصارف تبدیه‌ای در بیش از هشتاد کشور جهان و در سطحی معادل ۳۲ تا ۳۴ میلیون هکتار کشت می‌گردد (۱۹). میانگین عملکرد جهانی پنبه در سال ۱۸-۲۰۱۷ معادل ۷۷۸ کیلوگرم در هکتار (الیاف) (۲۰) و میانگین عملکرد ایران در سال زراعی ۱۳۹۶ حدود ۸۰۴ کیلوگرم در هکتار (الیاف) برآورد و گزارش گردید (۴). در ده ساله اخیر بیش از ۱۲ رقم جدید با ویژگی‌های زراعی متفاوت معرفی شدند که همراه با برخی ارقام قدیمی (مانند ورامین و بختگان) در سطح کشور در حال کشت هستند (۳).

عملکرد وش پنبه (الیاف + دانه)^۱ در برگیرنده مقادیر الیاف و دانه است. بطور متوسط ۳۲ تا ۳۸ درصد محصول وش را الیاف^۲ و ۵۵ تا ۶۰ درصد آن را دانه تشکیل می‌دهد (۵). از دیدگاه آگرواکولوژیکی پنبه یک گیاه گرمسیری و نیمه گرمسیری با الگوی رشد نامحدود^۳ است و اصلاح ارقام پرمحصول و سازگار یکی از اهداف مهم اصلاح پنبه به‌شمار می‌رود. ولی دستیابی به این هدف در مواقعی که اثرات متقابل ژنوتیپ × محیط وجود داشته باشد، بسیار پیچیده می‌شود (۱۳).

سطح ۱۶ مترمربع و پس از حذف حاشیه از چهار طرف انجام و بصورت گرم در پلات ثبت گردید. علاوه بر عملکرد، برخی صفات مهم گیاهی از قبیل تعداد غوزه، وزن غوزه، تعداد شاخه رویا (در سطح ۵ بوته تصادفی از هر کرت) و شاخص زودرسی (نسبت عملکرد چین اول به عملکرد کل) در سطح ژنوتیپها اندازه‌گیری و ثبت شدند. برای هر مکان آزمایشی، تجزیه واریانس سالانه و مرکب به‌طور جداگانه انجام شد. پس از اطمینان از یکنواختی واریانس‌ها (آزمون بارتلت)، تجزیه واریانس مرکب بر روی داده‌های آزمایشی با فرض تصادفی بودن سال و مکان و ثابت بودن ژنوتیپها و بر اساس امیدریاضی میانگین مربعات صورت گرفت و مقایسه میانگین عملکرد به روش آزمون چند دامنه‌ای دانکن انجام شد. در مرحله بعد جهت بررسی پایداری عملکرد و سازگاری ژنوتیپها از پارامترهای واریانس محیطی رومر (۱۹۱۷)، ضریب تغییرات فرانسویس و کانبرگ (۱۹۷۸)، اکووالانس ریک (۱۹۶۲)، واریانس پایداری شوکلا (۱۹۷۲)، ضریب رگرسیون خطی فینلی و ویلکینسون (۱۹۶۳)، میانگین مربعات انحراف از خط رگرسیون ابرهات و راسل (۱۹۶۶) و شیب خط رگرسیون پرکینز و جینکز (۱۹۸۸) استفاده شدند. داده‌های حاصل از این آزمایش با استفاده از نرم‌افزارهای SAS و SPSS، Excel مورد تجزیه و تحلیل قرار گرفتند.

نتایج و بحث

نتایج تجزیه واریانس مرکب عملکرد در مناطق شش گانه آزمایشی (جدول ۲) نشان داد که بین ژنوتیپ‌های مورد مطالعه از نظر محصول‌دهی در همه مکان‌های آزمایشی اختلاف معنی‌دار در سطح احتمال یک درصد وجود دارد که این امر دلالت بر وجود تنوع بین ژنوتیپ‌های مورد بررسی از نظر عملکرد محصول داشت. اثر سال در مناطق هاشم‌آباد، گرمسار و ارومیه در سطح احتمال یک درصد و در ایستگاه داراب در سطح احتمال ۵ درصد معنی‌دار بود، ولی این اثر در ایستگاه‌های کارکنده و پارس‌آباد معنی‌دار نبود. اثر متقابل سال \times ژنوتیپ در مناطق هاشم‌آباد، کارکنده و مغان در سطح آماری معنی‌دار نبود، ولی در مناطق داراب، گرمسار و ارومیه در سطوح ۵ و یک درصد معنی‌دار بود. بر اساس نتایج مقایسه میانگین مرکب عملکرد ژنوتیپ‌های آزمایشی در سطح مناطق، ژنوتیپ‌های K8802 برای مناطق داراب، مغان، گرمسار و ارومیه؛ ژنوتیپ NSK847 و GKTB113 برای مناطق هاشم‌آباد، کارکنده، مغان، ارومیه و گرمسار برتری نشان دادند (جدول ۳).

عملکرد پایدار در محیط‌های متفاوت هستند. ارقامی با سازگاری خصوصی معمولاً بهترین ظرفیت ژنتیکی خود از نظر عملکرد را در محیط‌های مساعد نشان می‌دهند و در محیط‌های نامساعد عملکرد ضعیفی دارند (۳۹).

روش‌ها و مدل‌های آماری متعددی برای تجزیه و تحلیل پایداری صفات در محیط‌های مختلف معرفی شدند که در دو گروه پارامتری (تک متغیره و چند متغیره) و ناپارامتری گروه‌بندی می‌شوند. از روش‌های پارامتری و تک متغیره می‌توان به تجزیه رگرسیون و تجزیه واریانس پایداری و از روش‌های چند متغیره نیز می‌توان به تجزیه مؤلفه‌های اصلی، تجزیه فاکتور، تجزیه اجزای کانونیک، تجزیه کلاستر و تجزیه بای پلات اشاره کرد (۱، ۵، ۹، ۱۶، ۱۷، ۲۹، ۳۲، ۴۱، ۴۶).

گزارشات متعددی در زمینه استفاده از روش‌های مختلف پارامتریک (W_i, S^2d_i, R^2 و غیره) برای گزینش همزمان عملکرد و پایداری در ارقام مختلف گیاهی از جمله پنبه (۷، ۱۵، ۲۱، ۲۶، ۳۵، ۴۴)؛ جو (۲۸)، گندم (۱۴، ۲۲)، ذرت (۹)، کلزا (۳۶)، برنج (۳۲)، خردل (۱۲، ۳۸)، باقلا (۴۰)، عدس (۳۷)، یونجه (۲۷) و چغندرقد (۳۳) بدست آمده است که اغلب آنها بر اهمیت مطالعه اثرات متقابل ژنوتیپ \times محیط و پایداری عملکرد ارقام قبل از معرفی و تجاری سازی آنها تاکید شده است. هدف از انجام این تحقیق، بررسی پایداری و اثر متقابل ژنوتیپ \times محیط برای تعدادی از ژنوتیپ‌های امیدبخش پنبه در مناطق مختلف کشور و انتخاب ژنوتیپ‌های برتر با عملکرد پایدار جهت معرفی در سال‌های آتی می‌باشد.

مواد و روش‌ها

در این تحقیق هشت ژنوتیپ جدید و امیدبخش پنبه (جدول ۱) همراه با دو رقم تجاری شاهد (مجموعاً ۱۰ تیمار) در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با چهار تکرار، به مدت دو سال (۱۳۹۳ و ۱۳۹۴) در شش منطقه مورد ارزیابی قرار گرفتند. مناطق اجرا شامل ایستگاه‌های تحقیقاتی هاشم‌آباد و کارکنده (استان گلستان)، داراب (فارس)، پارس‌آباد مغان (اردبیل)، ارومیه (آذربایجان غربی) و گرمسار (سمنان) بودند. رقم ورامین به‌عنوان رقم شاهد ثابت در کلیه مناطق، رقم بختگان به‌عنوان شاهد دوم در استان فارس و رقم گلستان به‌عنوان شاهد استان گلستان و رقم ساحل به‌عنوان شاهد متحمل به بیماری پژمردگی ورتیسلیومی در نظر گرفته شدند. هر تیمار آزمایشی (ژنوتیپ) در شش خط ۶ متری با فواصل 20×80 در پلات‌ها کشت شدند. کلیه عملیات داشت از قبیل آبیاری، تنک، وجین و مبارزه با آفات بر حسب نیاز و مطابق عرف هر ایستگاه صورت گرفت. برداشت محصول از

جدول ۱- مشخصات ژنوتیپ‌ها و ارقام تجاری (شاهد) مورد بررسی

Table 1. Genotypes and cultivars (controls) specifications in experiment

ژنوتیپ	K8802	K8801	GKTB-113	SKT133	SKSH249	BC244	SKN2739	NSK847
منشاء	تلاقی لاین خارجی با رقم ورامین	تلاقی لاین خارجی با رقم ساحل	تلاقی لاین‌های خارجی	تلاقی لاین‌های خارجی	تلاقی لاین‌های خارجی	بک کراس	تلاقی لاین‌های خارجی	تلاقی لاین‌های خارجی
مناطق	ورامین	ساحل	بختگان	گلستان				
شرح	رقم تجاری مناطق مرکزی کشور، متحمل به بیماری پژمردگی فوزاریومی	رقم تجاری استان گلستان و متحمل به بیماری پژمردگی ورتیسیلیومی	رقم تجاری استان فارس و متحمل به بیماری پژمردگی ورتیسیلیومی	رقم تجاری استان گلستان و متحمل به بیماری پژمردگی ورتیسیلیومی				

جدول ۲- نتایج تجزیه واریانس مرکب (دو ساله) عملکرد ژنوتیپ‌های پنبه در مناطق آزمایشی

Table 2. Combined analysis of variance for seed cotton yield in different regions

منابع تغییرات	درجه آزادی	هاشم آباد	کارکنده	داراب	مغان	گرمسار	ارومیه
سال	۱	۶۱۲۱۶۲۱۴/۶**	۹۳۴۲۷۶۲/۸ ^{ns}	۱۶۳۳۳۵۷/۳*	۴۸۵۱۱/۳ ^{ns}	۵۴۲۰۴۶۰۶/۱**	۲۰۵۸۹۱۲۴۳/۵**
تکرار/سال	۹	۲۶۱۲۲۴۰/۵**	۲۳۸۱۸۰۹/۹**	۳۰۵۲۵۸/۳ ^{ns}	۱۴۵۷۲۱/۱ ^{ns}	۲۲۸۲۳۳۴/۳ ^{ns}	۹۶۸۶۸۱۱/۱
ژنوتیپ	۹	۱۲۵۲۳۰۹/۹**	۲۲۹۴۶۶۵/۷**	۵۴۲۶۳۴/۴**	۶۴۱۲۵۲/۲**	۶۷۱۱۰۷۹/۳**	۹۸۵۴۰۹۷۰۹/۱**
سال × ژنوتیپ	۱۸	۲۴۴۱۵۷/۳ ^{ns}	۸۳۰۰۴۵/۹ ^{ns}	۲۵۵۹۰۲/۵*	۴۹۱۰/۳ ^{ns}	۸۳۹۰۷۶/۵**	۶۵۵۵۵۷۸/۲**
خطا	۸۱	۱۸۶۷۶۹/۳	۵۱۹۲۴۲/۵	۷۱۳۰۴۲/۳	۱۲۲۵۴۶/۳	۲۴۸۶۸۹/۷	۳۹۰۴۴۰۲/۸
ضرب تغییرات		۱۳/۷	۱۵/۵	۱۷/۴	۸/۵	۱۲/۴	۱۹/۰

ns: عدم اختلاف معنی‌دار در سطح آماری ۵ درصد * : اختلاف معنی‌دار در سطح آماری ۵٪ ** : اختلاف معنی‌دار در سطح آماری ۱٪

جدول ۳- مقایسه میانگین مرکب (دو ساله) عملکرد و ش ژنوتیپ‌های امیدبخش پنبه در سطح مناطق آزمایشی

Table 3. Combined yield mean comparison of hopeful genotypes at six locations and two years

ژنوتیپ/مکان	هاشم آباد	کارکنده	داراب	مغان	گرمسار	ارومیه								
Varamin	۲۸۶۳	d	۲۵۸۳	bc	۲۸۳۳	b	۴۰۰۴	b	۲۸۳۳	bc	۲۵۸۳	d	۲۸۶۳	de
SKT133	۲۳۴۵	bc	۲۸۴۳	bcd	۲۵۷۰	e	۲۸۴۳	bcd	۲۳۴۵	bc	۲۳۴۵	bc	۲۳۴۵	bc
SKSH249	۳۳۷۸	cd	۵۲۴۵	ab	۳۶۹۰	bcd	۵۲۴۵	ab	۳۳۷۸	cd	۳۳۷۸	cd	۳۳۷۸	cd
SKN2-739	۳۳۷۵	abc	۲۷۶۹	cd	۳۰۶۸	cde	۲۷۶۹	cd	۳۳۷۵	abc	۳۳۷۵	abc	۳۳۷۵	abc
Sahel/Bakhtegan (control)	۳۱۴۳	bcd	۲۶۷۰	d	۴۳۶۴	ab	۲۶۷۰	d	۳۱۴۳	bcd	۳۱۴۳	bcd	۳۱۴۳	bcd
NSK847	۲۶۳۶	a	۳۳۱۷	ab	۳۵۹۸	cd	۳۳۱۷	ab	۲۶۳۶	a	۲۶۳۶	a	۲۶۳۶	a
K8802	۲۸۵۳	de	۲۶۰۷	d	۴۹۲۰	a	۲۶۰۷	d	۲۸۵۳	de	۲۸۵۳	de	۲۸۵۳	de
K8801	۲۵۹۶	e	۲۵۲۰	d	۳۵۲۷	cd	۲۵۲۰	d	۲۵۹۶	e	۲۵۹۶	e	۲۵۹۶	e
GKTB113	۳۴۴۶	ab	۳۳۴۵	a	۳۰۳۱	de	۳۳۴۵	a	۳۴۴۶	ab	۳۴۴۶	ab	۳۴۴۶	ab
BC244	۳۴۶۶	ab	۳۲۰۲	abc	۳۵۱۳	cd	۳۲۰۲	abc	۳۴۶۶	ab	۳۴۶۶	ab	۳۴۶۶	ab

حروف مشابه در هر ستون نشان‌دهنده عدم وجود تفاوت معنی‌دار در سطح ۵٪ می‌باشد.

تعداد غوزه و تعداد شاخه رویا اثرات دوگانه سال × ژنوتیپ در سطح آماری معنی‌دار نبود، ولی سایر اثرات ساده، دوگانه و همچنین اثرات متقابل سه گانه سال × مکان × ژنوتیپ روی صفات مذکور در سطح آماری معنی‌دار بودند. معنی‌دار شدن اثر مکان بر صفات مورد مطالعه دلالت بر اختلاف بین مناطق از نظر پتانسیل تولید و شرایط آگروکلیمایی بویژه میزان رطوبت (آبیاری)، حاصلخیزی خاک (مواد مغذی) و جمعیت آفات داشته و معنی‌دار شدن اثر سه گانه سال × مکان × ژنوتیپ نیز نشان‌دهنده واکنش متفاوت ژنوتیپ‌ها نسبت به شرایط متفاوت سال‌ها و مکان‌ها می‌باشد. که این امر ضرورت توجه به سازگاری ژنوتیپی در هنگام معرفی ارقام زراعی جدید را تاکید دارد. با توجه به نتایج مقایسه میانگین مرکب داده‌ها در سطح سال و مکان‌های آزمایشی (جدول ۵)، ژنوتیپ K8802 با عملکرد ۳۶۹۱ کیلوگرم در هکتار در رتبه نخست

نتایج آزمون بارتلت برای بررسی همگنی واریانس خطاهای آزمایشی در محیط‌های مختلف حاکی از عدم وجود اختلاف معنی‌دار بین واریانس خطاها در آزمایش‌های جداگانه بود ($X^2 = ۳/۲۶$). با توجه به یکنواختی واریانس‌های خطاهای آزمایشی، تجزیه واریانس مرکب عملکرد در سطح سال و مناطق آزمایشی انجام گرفت که نتایج حاکی از وجود اختلاف معنی‌دار بین ژنوتیپ‌های مورد مطالعه بود. از لحاظ وزن غوزه، تعداد شاخه رویا و زودرسی بین ژنوتیپ‌های آزمایشی اختلاف معنی‌دار در سطح آماری یک درصد ($p \leq 0.01$) مشاهده شد. اما از لحاظ تعداد غوزه اختلاف بین ژنوتیپ‌ها در سطح آماری معنی‌دار نبود (جدول ۴). اثرات سال، مکان و اثر متقابل سال × مکان، مکان × ژنوتیپ، سال × ژنوتیپ و همچنین اثرات متقابل سه گانه سال × مکان × ژنوتیپ بر عملکرد و زودرسی در سطح آماری یک درصد معنی‌دار بودند. برای وزن غوزه،

نزدیکی محور اصلی ساقه بود. در بین ژنوتیپ‌های مورد مطالعه، کمترین شاخص رسیدگی مربوط به ژنوتیپ SKSH-249 بود (۶۵ درصد). دامنه تغییرات تعداد غوزه در ژنوتیپ‌ها از ۱۳/۲ تا ۱۵/۷ عدد متغیر بود به طوری که بیشترین عدد به رقم K8802 و کمترین آن به رقم ساحل تعلق داشت. از لحاظ وزن غوزه ژنوتیپ‌های NSK847 و GKTB113 هم‌گروه با رقم تجاری ساحل از غوزه‌های درشت‌تری برخوردار بودند (جدول ۵).

قرار گرفت. پس از آن ژنوتیپ‌های SKSH-249، NSK-847، GKTB-113 و BC-244 به ترتیب با عملکرد ۳۵۹۱، ۳۴۸۰، ۳۴۷۵ و ۳۴۲۸ کیلوگرم در هکتار در رتبه‌های بعدی قرار داشتند. ژنوتیپ‌های K8801 و K8802 بیشترین زودرسی را داشتند (به ترتیب ۸۴ و ۸۱ درصد) و همچنین در مقایسه با سایرین از تعداد شاخه رویا (به ترتیب ۱/۷ و ۱/۵) و طول شاخه‌های رویا و زایا کمتری (داده‌ها ارائه نشدند) برخوردار بودند و تشکیل غوزه در آنها عمدتاً بصورت مجتمع و در

جدول ۴- تجزیه واریانس مرکب عملکرد و برخی صفات مهم زراعی ژنوتیپ‌های امیدبخش پنبه در دو سال و شش منطقه کشور
Table 4. Combined analysis of variance for seed cotton yield and some agronomic traits of hopeful genotypes at six locations and two years

میانگین مربعات (MS)					درجه آزادی	منابع تغییرات
تعداد شاخه رویا	زودرسی	وزن غوزه	تعداد غوزه	عملکرد		
۱/۷۳*	۲۰۰۶/۲۹**	۱/۰۳**	۲۰۸/۸۸**	۳۱۹۷۸۴۵۲/۶**	۱	سال
۱۱۰/۷۸**	۱۱۷۶۹/۴۰**	۱۷/۶۲**	۱۰۴۰/۸۱**	۳۵۰۳۰۷۹۴/۰**	۵	مکان
۹/۴۱**	۲۰۳۳/۱۲**	۰/۴۸*	۳۲۷/۴۵**	۱۸۵۸۴۷۱۲/۷**	۵	سال × مکان
۱/۷۰	۱۲۹/۱۵	۰/۳۲	۳۸/۷۱	۳۱۶۷۹۱۹/۴	۳۶	تکرار / (سال × مکان)
۴/۸۳**	۱۴۰۹/۶۲**	۲/۵۶**	۲۸/۳۱ ^{ns}	۳۹۴۳۳۴۹/۶**	۱۰	تیمار (ژنوتیپ)
۱/۵۸**	۶۵۶/۴۹**	۱/۰۲**	۶۰/۲۸**	۲۸۶۹۸۱۹/۷**	۴۴	مکان × ژنوتیپ
۰/۵۳ ^{ns}	۱۹۸/۵۵**	۰/۳۴ ^{ns}	۳۹/۵۳ ^{ns}	۱۱۵۴۸۰۶/۰**	۱۰	سال × ژنوتیپ
۱/۰۳**	۱۸۷/۰۲**	۰/۵۰**	۴۵/۴۴**	۸۸۶۸۸۸/۴**	۴۴	سال × مکان × ژنوتیپ
۰/۳۱	۳۶/۷۹	۰/۱۸	۲۶/۱۹	۴۲۵۸۲۰/۵	۳۲۲	خطا
۲/۲	۷۲/۹	۴/۹	۱۴/۵	۳۳۳۲/۸		میانگین

ns: عدم اختلاف معنی‌دار در سطح آماری ۵ درصد * : اختلاف معنی‌دار در سطح آماری ۵٪ ** : اختلاف معنی‌دار در سطح آماری ۱٪

جدول ۵- مقایسه میانگین مرکب عملکرد و اجزای عملکرد ارقام امیدبخش پنبه
Table 5. Combined means comparison of yield and yield components of hopeful genotypes

ژنوتیپ / صفت	تعداد شاخه رویا	تعداد غوزه	وزن غوزه (gr)	عملکرد (kg/ha)	زودرسی (%)
K8802	e	a	d-e	a	a
NSK847	d	b	a	ab	d
BC244	b	b	ab	ab	c
K8801	f	b	g-e	c	ab
GKTB113	ab	b	a	b	cd
Varamin	ab	b	bc	cd	c
SKN2-739	bc	ab	ab	bc	cd
SKT133	cd	b	f	cd	cd
SKSH249	de	b	f	ab	e
Sahe/Bakhtegan(control)	bc	b	a	d	cd

حروف مشابه در هر ستون نشان‌دهنده عدم وجود تفاوت معنی‌دار در سطح ۵٪ می‌باشد.

مورد بررسی با توجه به آماره‌های ضریب تغییرات (CV) و واریانس محیطی (δ^2_E) در جایگاه مشابهی از لحاظ پایداری عملکرد قرار گرفتند. اغلب ژنوتیپ‌های پایدار شناسایی شده از عملکرد بیشتر از میانگین جامعه برخوردار بودند، این در حالی است که ژنوتیپ پرمحصول K-8802 در هر دو روش بعنوان رقم ناپایدار شناسایی گردید. بیکر و لئون (۶) پارامترهای پایداری تیپ اول را در گروه پایداری بیولوژیکی (استاتیک) دسته‌بندی نمودند که بر اساس اثرات ژنوتیپی برآورد می‌شوند و قابلیت هموستازی ژنوتیپ را نشان می‌دهند. از طرف دیگر برخی گزارشات نیز عدم امکان گزینش همزمان رقم‌های پایدار و پرمحصول را بعنوان عیب عمده معیارهای پایداری نوع اول برشمردند و اشاره داشتند که از طریق این پارامترها

با عنایت به معنی‌دار شدن اثر متقابل ژنوتیپ × محیط (GE) (جدول ۶) معیارهای پایداری عملکرد با استفاده از پنج روش تعیین گردید (جدول ۷). بر اساس ضریب تغییرات (CV) و واریانس محیطی (δ^2_E) (پارامترهای پایداری نوع اول)، ژنوتیپ‌های NSK847 و GKTB113 و SKN2-739 ضمن برخوردار بودن از عملکرد مناسب و ضریب تغییرات و واریانس محیطی کمتر، جزو ژنوتیپ‌های پایدار و ارقام تجاری ورامین و ساحل (ارقام کم‌محصول در بین ژنوتیپ‌های مورد بررسی) و ژنوتیپ K-8802 (ژنوتیپ پرمحصول) در گروه ژنوتیپ‌های ناپایدار گروه‌بندی شدند. نتایج رتبه‌بندی پایداری ژنوتیپ‌های امیدبخش پنبه بر اساس معیارهای مذکور در بیشتر موارد مشابه بود، به طوری که شش ژنوتیپ از ده ژنوتیپ

مقابل ژنوتیپ و محیط را خنثی کرد. مالیا و همکاران (۲۶) معرفی ارقامی با سازگاری خصوصی را به‌عنوان یک چالش در برنامه‌های به‌نژادی معرفی کردند و این امر را وابسته به شرایط خاک و اقلیم منطقه دانستند.

طبق نظر ابره‌ه‌ارت و راسل (۱۱) برای ارزیابی ژنوتیپ‌ها در آزمایشات ناحیه‌ای عملکرد، علاوه بر ضریب رگرسیون خطی (bi) و میانگین عملکرد، باید به انحراف از رگرسیون (S2di) نیز توجه کرد، در چنین حالتی ژنوتیپ‌هایی پایدار محسوب می‌شوند که ضمن برخورداری از عملکرد بیشتر و $bi=1$ ، دارای حداقل واریانس انحراف از رگرسیون باشند. با توجه به نتایج حاصل، NSK847 و SKN2-739 و GKTB-113 به ترتیب با شیب خط رگرسیون $0/87$ و $1/03$ و $0/82$ (غیرمعنی‌دار با یک) و کمترین واریانس انحراف از رگرسیون (S2di) به‌عنوان ژنوتیپ‌های پایدارتر شناخته شدند. ارقام ورامین و ساحل (شاهد‌های تجاری) و ژنوتیپ جدید K-8802 (ژنوتیپ پرمحصول) به ترتیب با ضریب رگرسیون $0/88$ ، $1/11$ و $0/75$ (غیرمعنی‌دار با یک) و بیشترین مقدار واریانس انحراف از رگرسیون (S2di) به‌عنوان ژنوتیپ‌های ناپایدار شناسایی شدند. در بین ژنوتیپ‌های مورد بررسی SKT-133 و BC-244 به‌عنوان ژنوتیپ‌هایی با پایداری عملکرد متوسط رتبه‌بندی شدند (جدول ۷).

مقایسه نتایج گزینش ژنوتیپی بر اساس معیارهای مختلف حاکی از مطابقت و مشابهت ژنوتیپ‌های گزینش شده در روش‌های ضریب تغییرات (CV) و واریانس محیطی (δE) با روش ابره‌ه‌ارت و راسل بود و بر اساس پارامترهای مذکور، ژنوتیپ‌های NSK847 و GKTB-113 و SKN2-739 به‌عنوان ژنوتیپ‌های پایدار شناسایی شدند. نتایج گزینش ژنوتیپی بر اساس شاخص‌های پایداری شوکلا و اکووالانس ریک نیز در ۶۷ درصد موارد با نتایج روش‌های قبلی مشابه بود، بطوری‌که بر اساس معیارهای مذکور، دو ژنوتیپ NSK847 و GKTB-113 همانند روش‌های قبلی به‌عنوان ژنوتیپ‌های پایدار شناسایی شدند. بنابراین بر اساس نتایج این آزمایش، ترتیب و نوع ژنوتیپ‌های انتخاب شده با استفاده از روش‌ها و شاخص‌های مختلف گزینش در بیشتر موارد مشابه و اختلاف مشاهده شده بصورت جزئی بود که مشابه چنین نتایجی توسط واعظی و همکاران (۴۵)، احمدی و همکاران (۳)، پورداد و همکاران (۳۶)، مختاری‌فر و همکاران (۳۱) و سیناگا و همکاران (۴۳) نیز گزارش شده بود. لین و بینز (۲۵) با استفاده از روش دای آلل نشان دادند که پارامترهای نوع اول و چهارم (S2di) توارث‌پذیرند و انتخاب ژنوتیپ‌های پایدار از طریق معیارهای مذکور قابل اعتمادتر از پارامترهای نوع دوم و سوم هستند.

همواره نمی‌توان به پایدارترین و در عین حال ژنوتیپ‌های پرمحصول دست یافت (۱۲، ۲۷، ۳۲).

با توجه به معیارهای پایداری واریانس شوکلا و اکووالانس ریک (آماره‌های نوع دوم پایداری)، ژنوتیپ‌های SKN2-739 و NSK847 و SKT-133 به ترتیب با داشتن کمترین میزان واریانس شوکلا و اکووالانس ریک به‌عنوان ژنوتیپ‌های پایدار و رقم‌های ساحل، ورامین و ژنوتیپ K-8802 با بیشترین مقدار آماره‌ها، به‌عنوان ژنوتیپ‌های ناپایدار شناسایی شدند.

نتایج ضریب رگرسیون (b_i) خطی فینلی و ویلکینسون (۱۷) برای ژنوتیپ‌های امیدبخش پنبه اختلاف معنی‌داری با یک نشان ندادند. لذا بر اساس این شاخص تمامی ژنوتیپ‌ها دارای پایداری متوسطی بودند. بر اساس توزیع گرافیکی ژنوتیپ‌ها در نمودار دو طرفه ضریب رگرسیون خطی (b_i) و میانگین عملکرد (شکل ۱)، ژنوتیپ SKSH-249 با میانگین عملکرد ۳۴۸۰ کیلوگرم در هکتار بهترین سازگاری را در مجموع محیط‌های آزمایشی داشت (سازگاری عمومی) و به‌عنوان ژنوتیپ برتر و امیدبخش در برنامه‌های آتی معرفی ارقام پنبه شناسایی گردید ($b_i=1, X_i>X$). ژنوتیپ NSK847 با عملکرد ۳۵۹۱ کیلوگرم در هکتار و همچنین ژنوتیپ‌های GKTB-113 و SKN2-739 به‌ترتیب با عملکرد ۳۴۲۸ و ۳۳۹۵ کیلوگرم در هکتار ضمن داشتن سازگاری عمومی نسبت به محیط‌های مختلف، از سازگاری و درجه تحمل بیشتر نسبت به شرایط محیطی ضعیف‌تر برخوردار بودند. ژنوتیپ‌های BC244 با عملکرد ۳۴۷۵ کیلوگرم در هکتار (در گروه پرمحصول) و ژنوتیپ K8801 با عملکرد ۳۳۲۰ کیلوگرم در هکتار (عملکرد متوسط) از واکنش عملکردی مثبت در محیط‌های مساعد برخوردار بودند. ژنوتیپ K8802 با بیشترین عملکرد و شاخه‌های کوتاه و غوزه‌دهی محوری (کلاستر) به‌عنوان ژنوتیپی با سازگاری عمومی ضعیف‌تر و سازگاری خصوصی به محیط‌های نامساعد شناسایی گردید (شکل ۱).

ارقامی با سازگاری عمومی و عملکرد پایدار معمولاً از درجه تحمل بیشتر در مقابل تغییرات محیطی برخوردارند و با این ویژگی در میانگینی از شرایط محیطی، عملکرد قابل قبولی را به نمایش می‌گذارند و برای کشت در شرایط عمومی مناطق پنبه‌کاری کشور مناسبند. تودورو و همکاران (۴۴) سازگاری عمومی همراه با پایداری عملکرد را برای پنبه مهم دانستند، اما با این وجود، بسیاری از محققان (۵، ۲۱) معرفی ارقامی با سازگاری خصوصی را نیز ضروری دانستند. فرشادفر و همکاران (۱۶) ضمن اشاره به اهمیت سازگاری عمومی، ضرورت استفاده از واریته‌هایی با سازگاری عمومی و خصوصی در سیستم‌های زراعی را تأکید کردند تا از این طریق بتوان از شرایط آب و هوایی متفاوت استفاده کرد و اثرات منفی اثرات

عملکرد با شاخص‌های واریانس شوکلا، اکواریانس ریک (معیارهای پایداری نوع دوم)، واریانس انحراف از خط رگرسیون (S2di) و واریانس محیطی در سطح آماری ۵ درصد و با ضریب تغییرات ژنوتیپی (CV) در سطح آماری یک درصد معنی‌دار بود. نتایج دلالت بر آن دارند که عملکرد ارقام انعکاسی از سازگاری ژنوتیپی در شرایط محیطی مختلف است و کمتر بودن مقادیر شاخص‌های پایداری (واریانس، اکووالانس و واریانس انحراف از خط رگرسیون) نشان‌دهنده پایداری بیشتر عملکرد می‌باشد. ضریب همبستگی بین شیب خط رگرسیون (bi) با عملکرد نسبتاً ضعیف و غیرمعنی‌دار بود ($r=0/26$) این امر بیانگر امکان انتخاب ژنوتیپ‌های پرمحصول با ضرایب رگرسیونی (bi) کم، متوسط یا زیاد خواهد بود. دارتی و زیمرمن (۱۰) نتایج تقریباً مشابهی در خصوص همبستگی مثبت و معنی‌دار بین شاخص‌های مختلف پایداری در گیاه باقلا گزارش نمودند. بر اساس نتایج آنها همبستگی عملکرد باقلا با بیشتر شاخص‌های پایداری مثبت و معنی‌دار و با پارامترهای واریانس انحراف از خط رگرسیون (S2di) و اکووالانس ریک منفی و غیرمعنی‌دار بود. مطابق نظر بیکر و لئون (۶) همبستگی جزئی عملکرد با ضریب رگرسیون (bi) ممکن است ناشی از اثرات مقیاس باشد و معمولاً زمانی دیده می‌شود که دامنه میانگین عملکرد در محیط‌های مختلف کوچک باشد. عدم وجود همبستگی بین پارامتر پایداری با عملکرد نشان‌دهنده استقلال آن دو می‌باشد و در چنین وضعیتی از هر دو شاخص می‌توان در گزینش ارقام پرمحصول و پایدار استفاده کرد.

با توجه به نتایج حاصل ژنوتیپ‌های NSK847، SKSH-249 به‌عنوان گزینه‌های جدید اولویت‌دار با سازگاری عمومی و پایداری عملکرد متوسط جهت معرفی و توسعه کشت در مناطق پنبه‌کاری کشور انتخاب و پیشنهاد می‌شود و پس از آن ژنوتیپ‌های GKTb-113 و BC-244 با ویژگی‌های سازگاری مشابه در اولویت و رتبه دوم اهمیت خواهند بود. بدیهی است ارزیابی عملکرد ارقام در قالب پروژه‌های تحقیقی- ترویجی و همچنین ارزیابی عملکرد در قطعات آزمایشی بزرگ‌تر می‌تواند تکمیل‌کننده نتایج فوق باشد.

پایداری عملکرد کمتری برخوردار بود و ژنوتیپ BC-244 نیز بعنوان ژنوتیپ پرمحصول و با واکنش مثبت به محیط‌های مساعد به‌عنوان ژنوتیپی با پایداری عملکرد متوسط مورد گزینش واقع نشدند که این امر اهمیت توجه همزمان به عملکرد و پایداری عملکرد ژنوتیپ‌ها همراه با سایر ویژگی‌های کمی و کیفی الیاف در گزینش و معرفی ارقام جدید پنبه را یادآور می‌شود.

در صورت عدم وجود اثرات متقابل ژنوتیپ و محیط (GE)، انتخاب ژنوتیپ‌ها بر اساس عملکرد محصول شاید بعنوان گام نخست گزینش ژنوتیپی مورد توجه قرار گیرد، ولی اگر چنانچه اثرات متقابل ژنوتیپ × محیط در شرایط آزمایشی معنی‌دار باشد، انتخاب بر اساس عملکرد برای این ژنوتیپ‌ها کافی نیست و برای حصول عملکرد پایدار در سال‌ها و مکان‌های مختلف، نیاز به ژنوتیپ‌هایی با سازگاری و پایداری عملکرد مطلوب می‌باشد (۳). تتودورو و همکاران (۴۴) در نتایج تحقیقات خود اشاره داشتند که توصیه ارقام بر اساس عملکرد، سازگاری و پایداری ژنوتیپی با حالتی که صرفاً یک صفت در نظر گرفته می‌شود، متفاوت است و اشاره داشتند که ارزیابی خصوصیات زراعی ژنوتیپ‌ها در محیط‌های مختلف از جنبه‌های گوناگون بویژه توصیه ژنوتیپ‌های مناسب پنبه برای گروهی از محیط‌های زراعی حائز اهمیت است.

پایداری یک صفت بسته به اینکه صفت کمی یا کیفی است، فرق می‌کند. صفات کیفی کمتر تحت تاثیر عوامل محیطی و اثرات متقابل قرار می‌گیرند و نسبت به صفات کمی پایدارترند. اما اکثر صفات زراعی (از جمله عملکرد) کمی هستند و تحت تاثیر عوامل محیطی قرار می‌گیرند (۳۴، ۴۲، ۴۳). برخی محققان ضمن تایید اثرات عوامل ژنتیکی، محیطی و روش‌های زراعی بر کیفیت الیاف پنبه، میزان تاثیر و اهمیت آن را در مقایسه با عملکرد الیاف کمتر دانستند، با این وجود، بر اهمیت گزینش ژنوتیپ‌های برتر پنبه بر اساس مجموعه‌ای از صفات تاکید داشتند (۷، ۳۴، ۴۷).

ارزیابی و تعیین همبستگی عملکرد با معیارهای پایداری (جدول ۹) دلالت بر وجود همبستگی منفی و معنی‌دار بین کلیه معیارهای پایداری (بجز ضریب رگرسیون) با عملکرد و ژنوتیپ‌های امیدبخش پنبه داشت. ضرایب همبستگی

جدول ۸- میانگین عملکرد ژنوتیپ‌های انتخابی بر اساس شاخص‌های مختلف گزینش

میانگین عملکرد ژنوتیپ‌های انتخابی	ژنوتیپ‌های انتخابی	شاخص گزینش	روش گزینش
۳۵۳۳	BC-244, GKTb-113, NSK-847, K-8802	عملکرد	۱
۳۴۷۱	SKN2-739, GKTb-113, NSK-847	عملکرد، ضریب تغییرات و واریانس محیطی	۲
۳۴۲۵	SKT-133, GKTb-113, NSK-847	عملکرد، واریانس شوکلا و اکووالانس ریک	۳
۳۴۷۱	SKSH-249, GKTb-113, NSK-847	عملکرد، ابره‌ارت و راسل	۴

جدول ۹- ضرایب همبستگی بین پارامترهای پایداری و عملکرد ژنوتیپ‌های امیدبخش پنبه در محیط‌های مختلف
Table 9. Correlation coefficients between stability parameters and yield of hopeful cotton genotypes at different environments

	میانگین عملکرد (Y_i)	اکووالانس ریک (W_i^2)	واریانس شوکلا (δ_i^2)	شیب خطر رگرسیون (b_i)	واریانس انحراف از رگرسیون (S^2d_i)	ضریب تغییرات (CV) ژنوتیپی
میانگین عملکرد (Y_i)	۱/۰۰					
اکووالانس ریک (W_i^2)	-۰/۶۷*	۱/۰۰				
واریانس شوکلا (δ_i^2)	-۰/۶۷*	۰/۹۹**	۱/۰۰			
شیب خطر رگرسیون (b_i)	-۰/۲۶	۰/۲۸	-۰/۲۸	۱/۰۰		
واریانس انحراف از رگرسیون (S^2d_i)	-۰/۶۷*	۰/۹۵**	۰/۹۵**	۰/۴۷	۱/۰۰	
ضریب تغییرات ژنوتیپی (CV)	-۰/۷۷**	۰/۹۵**	۰/۹۵**	۰/۳۴	۰/۹۸**	۱/۰۰
واریانس محیطی (S^2_e)	-۰/۷۰*	۰/۹۶**	۰/۹۶**	۰/۳۷	۰/۹۹**	۰/۹۹**

قبولی برخوردار بود، ولیکن از جنبه پایداری عملکرد در رتبه‌های پایین قرار داشت. این در حالی است که رقم NSK-847 با اختلاف عملکرد جزئی (غیرمعنی‌دار با رقم K8802) در رتبه‌های نخست پایداری عملکرد بود. در بین ژنوتیپ‌های مورد مطالعه، ژنوتیپ‌های K8801 و K8802 به ترتیب با نام‌های خورشید و کاشمر نام‌گذاری و معرفی شدند و با توجه به نتایج این تحقیق، ژنوتیپ‌های NSK-847، SKSH-249، BC-244 و GKTB-113 به ترتیب به عنوان گزینه‌های جدید اولویت‌دار جهت قرارگرفتن در برنامه‌های ترویجی و معرفی ارقام شناسایی شدند.

افزایش عملکرد ارقام پنبه و پایداری آن در شرایط مختلف محیطی یکی از اهداف اصلی برنامه‌های به‌نژادی پنبه به‌شمار می‌رود. با توجه به تغییرات سریع و غیرقابل پیش‌بینی شرایط اقلیمی، توصیه ارقام بر اساس نتایج آزمایشات منفرد در یک منطقه یا یک سال قابل اعتماد نیست و توصیه ارقام زراعی بر مبنای آزمایشات چندگانه از اعتبار و ثبات بیشتری برخوردار است. بر اساس نتایج این تحقیق، ژنوتیپ‌های مورد بررسی از لحاظ دامنه سازگاری در محیط‌های آزمایشی با همدیگر اختلاف داشتند. ژنوتیپ K8802 از لحاظ عملکرد در مناطق داراب، مغان و ارومیه در کلاس A قرار داشت و در سرجمع مناطق و سال‌های آزمایشی نیز از عملکرد و زودرسی قابل

منابع

- Anonymous. 2017. Statistical Data of Agricultural production in I.R.Iran., Ministry of Jihade-e-Agriculture, pp: 24-26.
- Abdellatif, K.F. and Y.A. Soliman. 2013. African Journal of Biotechnology Genetic relationships of cotton (*Gossypium barbadense* L.) genotypes as studied by morphological and molecular markers. African Journal of Biotechnology, 12: 4736-4746.
- Ahmadi, J., B.S. Vaezi and H. Naraki. 2013. Rapeseed stability analysis and comparison of genotype selection methodes by satability statistics at rainfed conditions. Crop production, 36: 13-22.
- Alishah, O. 2018. Two new cotton cultivar registration (LM1321 and LM1676). Final Report, Cotton Research Institute of Iran. 1: 1-47.
- Baloch, M., A.W. Baloch, U.A. Ansari, M. Baloch, S. Abro, N. Gandahi, G. Hussain, A.M. Baloch, M. Ali and I. Ahmed. 2016. Interrelationship analysis of yield and fiber traits in promising genotypes of upland cotton. Pure Applied Biology, 5: 263-269.
- Becker, H.C. and J. Léon. 1988. Stability Analysis in Plant Breeding. Plant Breeding, 101: 1-23.
- Campbell, B.T. and M.A. Jones. 2005. Assessment of genotype \times environment interactions for yield and fiber quality in cotton performance trials. Euphytica, 144: 69-78.
- Carvalho, L.P. de, C.C. Salgado, F.J.C. Farias and V.Q. Carneiro. 2015. Stability and adaptability of cotton genotypes for fiber quality. Ciência Rural, 45: 598-605.
- Choukan, R. 2011. Genotype, environment and genotype \times environment interaction effects on the performance of maize (*Zea mays* L.) inbred lines. Crop Breeding Journal, 1: 97-103.
- Duarte, J.B. and M.J. Zimmermann. 1995. Correlation among yield stability parameters in common bean. Crop Science, 35: 905-912.
- Eberhart, S.A. and W.A. Russell. 1966. Stability Parameters for Comparing Varieties 1. Crop Science, 6: 36.
- El-nasr, T.H.S.A., M.M. Ibrahim and K.A. Aboud. 2006. Stability Parameters in Yield of White Mustard (*Brassica Alba* L.) in Different Environments, 2: 47-55.
- Erdemci, I. 2018. Investigation of genotype \times environment interaction in chickpea genotypes using AMMI and GGE biplot analysis. Turkish Journal of Field Crops, 23: 20-26.
- Esmailzadeh Moghaddam, M., M. Zakizadeh, H. Akbari Moghaddam, M. Abedini Esfahlani, M. Sayahfar, A.R. Nikzad, S.M. Tabib Ghaffari and A.L. Aeineh. 2010. Study of grain yield stability and genotype – environment interaction in 20 bread wheat lines in warm and dry areas of south of Iran. EJCP, 3: 179-200.

15. Farias, F.J.C., L.P. Carvalho, J.L. Silva Filho and P.E. Teodoro. 2016. Biplot analysis of phenotypic stability in upland cotton genotypes in Mato Grosso. *Genetics and Molecular Research*, 15: 1-10.
16. Farshadfar, E. and J. Sutka. 2006. Biplot analysis of genotype-environment interaction in durum wheat using the AMMI model. *Acta Agronomica Hungarica*, 54: 459-467.
17. Finlay, K.W. and Wilkinson, G.N. 1963. The analysis of adaptation in a plant breeding program. *Australian Journal of Agricultural Research*, 14: 742-754.
18. Freeman, G.H. and J.M. Perkins. 1971. Environmental and genotype-environmental components of variability: VIII Relations between genotypes grown in different environments and measures of these environments. *Heredity*, 27: 15-23.
19. ICAC. 2016. ICAC Recorder. International Cotton Advisory Committee, 24: 3-20.
20. ICAC. 2018. ICAC Recorder. International Cotton Advisory Committee, 36: 1-33.
21. Iqbal, M.Z., S. Nazir and M. Younas. 2018. Stability analysis of candidate bollgard bt cotton (*Gossypium hirsutum* L.) genotypes for yield traits. *International Journal of Bioscience*, 13: 55-63.
22. Joshi, A.K., J. Crossa, B. Arun, R. Chand, R. Trethowan, M. Vargas and I. Ortiz-Monasterio. 2010. Genotype × environment interaction for zinc and iron concentration of wheat grain in eastern Gangetic plains of India. *Field Crops Research*, 116: 268-277.
23. Lee, E.A., T.K. Doerksen and L.W. Kannenberg. 2003. Genetic Components of Yield Stability in Maize Breeding Populations. *Crop Science*, 43: 2018-2027.
24. Lin, C.S., M.R. Binns and L.P. Lefkovich. 1986. Stability analysis: where do we stand? *Crop Sci.*, 26: 894-900.
25. LIN, C.S. and M.R. BINNS. 1988. a Superiority Measure of Cultivar Performance for Cultivar × Location Data. *Canadian Journal of Plant Science*, 68: 193-198.
26. Maleia, M.P., A. Raimundo, L.D. Moiana, J.O. Teca, F. Chale, E. Jamal, J.N. Dentor and B.A. Adamagy. 2017. Stability and adaptability of cotton (*Gossypium hirsutum* L.) genotypes based on AMMI analysis. *Australian Journal of Crop Science*, 11: 367-372.
27. Mofidian, M.A., Z. Movahedi and H. Deghani. 2009. Yield stability analysis for superior alfalfa ecotypes from cold regions in Iran- Using univariate methods. *Iranian Agronomy Science*, 11: 162-172.
28. Mohammadi, M. 2014. Grouping barley genotypes by regression-based and clustering methods in. 3: 30-35.
29. Mohammadi, R. and A. Amri. 2012. Analysis of genotype × environment interaction in rain-fed durum wheat of Iran using GGE-biplot and non-parametric methods. *Canadian Journal of Plant Science*, 92: 757-770.
30. Mohammadi, R. and A. Amri. 2013. Genotype × environment interaction and genetic improvement for yield and yield stability of rainfed durum wheat in Iran. *Euphytica*, 192: 227-249.
31. Mokhtarifar, K., R.A. and S.P.S. 2016. Yield Stability Analysis of Eight Bread Wheat (*Triticum aestivum* L.) Cultivars in Kerman Province Condition. *Crop Breeding Journal*, 8: 96-103.
32. Momeni-Zadeh, T., H. Najafi Zarini, M. Norouzi and A.R. Nabipour. 2018. A Consideration on Genotype and Environment Interactions and Stability of Grain Yield in Promising Lines of Rice (*Oryza sativa* L.). *Journal of Crop Breeding*, 10: 135-142.
33. Moradi, F., H. Safari and A. Jalilian. 2011. Study of genotype × environment interaction for sugar beet monogerm cultivars using AMMI method. *Sugerbeet2*, 28: 56-66.
34. Mudada, N., J. Chitamba, T.O. Macheke and P. Manjeru. 2017. Genotype × Environmental Interaction on Seed Cotton Yield and Yield Components. *OALib*, 04: 1-22.
35. Mudada, N., J. Chitamba, T.O. Macheke and P. Manjeru. 2017. Genotype × Environmental Interaction on Seed Cotton Yield and Yield Components. *OALib*, 04: 1-22.
36. Pourdad, S. and M. Jamshid Moghaddam. 2013. Study on Genotype×Environment Interaction Through GGE Biplot for Seed Yield in Spring Rapeseed (*Brassica Napus* L.) in Rain-Fed Condition. *Journal of Crop Breeding*, 25: 1-14.
37. Sabaghnia, N., R. Karimizadeh and M. Mohammadi. 2012. Genotype by environment interaction and stability analysis for grain yield of lentil genotypes. *Zemdirbyste-Agriculture* 99: 305-312.
38. Said, S.R.N. 2016. Stability of Yield and Yield Components For Some Egyptian Cotton Genotypes. *Egypt. Jour. Plant Breed*, 20: 541-552.
39. Sayar, M.S., A.E. Anlarsal and M. Basbag. 2013. Genotype-environment interactions and stability analysis for dry-matter yield and seed yield in hungarian vetch (*Vicia pannonica* CRANTZ.). *Turkish Journal of Field Crops*, 18: 238-246.
40. Sharifi, P., H. Astereki and M.R. Safari Motlagh. 2014. Evaluation of Genotype, Environment and Genotype × Environment Interaction Effects on Some of Important Quantitative Traits of Faba Bean (*Vicia faba* L.). *Journal of Crop Breeding*, 26: 73-88.
41. Shukla, G.K. 1972. Some statistical aspects of partitioning genotype- environmental components of variability. *Heredity*, 29: 237-245.
42. Singh, C., V. Kumar, I. Prasad, V.R. Patil and B.K. Rajkumar. 2016. Response of upland cotton (*G.hirsutum* L.) genotypes to drought stress using drought tolerance indices. *Journal of Crop Science and Biotechnology*, 19: 53-59.

43. Suinaga, F.A., C.S. Bastos and L.E.P. Rangel. 2006. Phenotypic Adaptability and Stability of Cotton Cultivars in Matogrosso State, Brazil. *Pesquisa Agropecuária Tropical*, 36: 145-150.
44. Teodoro, P.E., F.J.C. Farias, L.P. de Carvalho, L.P. Ribeiro, M. Nascimento, C.F. Azevedo, C.D. Cruz and L.L. Bhering. 2019. Adaptability and Stability of Cotton Genotypes Regarding Fiber Yield and Quality Traits. *Crop Science*, 0: 0.
45. Vaezi, S., J.B. Ahmadi and H. Naraki. 2011. Genotype × environment interaction and stability analysis for safflower (*Carthamus tinctorius* L.) genotypes under warm rainfed conditions. *Iranian Agronomy Science*, 13: 395-407.
46. Wricke, G. 1962. Über eine methode zur erfassung der ökologischen streubreite in feldersuchen. *Pflanzen- Zuchtg. Zuchtg*, 47: 92-96.
47. Wu, J., J.N. Jenkins, J.C. McCarty and J. Zhu. 2004. Genetic association of yield with its component traits in a recombinant inbred line population of cotton. *Euphytica*, 140: 171-179.

Investigation of Genotype × Environment Interaction and Yield Stability of Hopeful Cotton (*G.hirsutum* L.) Genotypes

Omran Alishah¹, Hojatollah Mahmood Janloo², Mohammad Hassan Hekmat³, Ali Naderi Arefi⁴, Seyed Yaghoub Sidmasoomi⁵ and Farshid Talat⁶

1- Associate Professor of Cotton Research Institute, Agricultural Research, Education and Promotion Organization, Gorgan, Iran (Corresponding author: Omran_alishah@yahoo.com)

2- Instructor of Agricultural Research, Education and Promotion of Gorgan St. Shahid Beheshti, Institute of Cotton Research

3- M.Sc., ARFEO, Darab, Hasan Abad Agric. Research Station

4- Assistant Professor, ARFEO, Varamin, Agricultural Research and Education Center

5- M.Sc., ARFEO, Ardebil, Moshan, Agricultural Research and Education center

6- Assistant Professor, AREEO, Urmieh, Agricultural Research and Education center

Received: February 8, 2018 Accepted: November 19, 2018

Abstract

The objective of this study was to determine genotype × environment (GE) interaction and yield stability of ten cotton genotypes. The trials were conducted at randomized complete block design (RCBD) with four replications at six locations during 2014-2015 cropping seasons. Combined analysis of variance (ANOVA) revealed significant effect of year, location, genotypes (G), environment (E), genotype × environment interactions (GE), binary and trinary factors (year, location, genotype) yield, boll weight, boll number, earliness index and monopod branches number. By comparing the combined means of data at year and location level, it was revealed that the K8802 performed high yielding genotype (3691 kg h^{-1}) followed by NSK847, SKSH-249, BC-244 and GKTB-113. According to yield, stability parameters and adaptability analysis, the NSK847, SKSH-249 and GKTB-113 were ideal genotypes with broad adaptability. Specific adaptation genotypes (e.g. K8802) are ideal for maximizing yield and yield stability in stress conditions. Stability parameters similarity for genotype selection ranged from 67 to 100 percent. Significant relationships were found between yield and stability parameters (except for regression coefficient, b_i). Finally, based on the results of this study it can be concluded that the NSK-847 at first place, followed by genotypes GKTB-113 and SKSH-249 as stable genotypes with high yields for release have been identified for cotton breeding program in Iran.

Keywords: Seed Cotton, Yield, Correlation, Adaptability, Parametric Methods