



شناسایی ژنوتیپ‌های کلزا متحمل به خشکی با استفاده از شاخص انتخاب ژنوتیپ ایده‌آل

حسن زالی^۱, طاهره حسنلو^۲, امید سفالیان^۳, علی اصغری^۴ و مهران عنایتی شریعت‌پناهی^۴

۱- استادیار، بخش تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر، مرکز تحقیقات و آموزش کشاورزی و منابع طبیعی فارس، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، داراب، ایران
(نویسنده مسؤول: hzali90@yahoo.com)

۲- استادیار، بخش فیزیولوژی مولکولی، پژوهشگاه بیوتکنولوژی کشاورزی ایران، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، کرج، ایران

۳- دانشیار، گروه زراعت و اصلاح نباتات، داشگاه محقق اردبیل، اردبیل، ایران

۴- دانشیار، بخش کشت بافت و انتقال ژن، پژوهشگاه بیوتکنولوژی کشاورزی ایران، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، کرج، ایران

تاریخ دریافت: ۹۶/۲/۱۴ تاریخ پذیرش: ۹۶/۵/۲۲

صفحه: ۱۲۶ تا ۱۱۷

چکیده

تنش خشکی یکی از مهم‌ترین تنش‌های غیرزنده می‌باشد که رشد، متابولیسم و عملکرد گیاهان زراعی را در سراسر دنیا تحت تاثیر قرار می‌دهد. این تحقیق به منظور شناسایی ژنوتیپ‌های کلزا متحمل به خشکی با استفاده از شاخص‌های مختلف تحمل به خشکی در مزرعه مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی یزد انجام شد. دو سطح آبیاری شامل آبیاری براساس ۸۰ میلی‌متر تبخیر از سطح تشتک تبخیر کلاس A (به عنوان تیمار شاهد)، قطع آبیاری از ابتدای مرحله گل‌دهی که در کرت اصلی قرار گرفت و ۲۱ ژنوتیپ و لاین دبل هاپلوباید کلزا در کرت فرعی، به صورت طرح کرت‌های خردشده در قالب طرح بلوك‌های کامل تصادفی با سه تکرار مورد بررسی قرار گرفتند. تنش شاخص تحمل به خشکی شامل شاخص حساسیت به خشکی، شاخص تحمل تنش، شاخص تحمل، میانگین هارمونیک، میانگین تولید، میانگین هندسی عملکرد بررسی شد و همچنین شاخص انتخاب ژنوتیپ ایده‌آل بر مبنای شاخص‌های مختلف تحمل به خشکی (STI, MP, SSI, GMP, TOL و HM) و صفات فیزیولوژی محاسبه شد. نتایج نشان داد تنش آبی تاثیر منفی بر عملکرد دانه، اجزای عملکرد، ارتفاع بوته و تعداد شاخه‌های ثانویه کلزا داشته است. بر مبنای شاخص SIIG، ژنوتیپ‌های Adriana و SLM046 به ترتیب با بیشترین مقدار SIIG (به ترتیب ۱۱۷/۰ و ۷۵/۰) به عنوان ژنوتیپ‌های امیدبخش در شرایط تنش خشکی معرفی شدند و می‌توانند ژنوتیپ‌هایی مناسب برای مناطق خشک باشند. این نتایج را نمودار سه بعدی نیز تایید نمود. در مجموع شاخص SIIG یک روش مناسب برای شناسایی ژنوتیپ‌های متحمل به تنش با استفاده از سایر شاخص‌های مختلف تحمل به خشکی و صفات مرغولوژیک می‌باشد.

واژه‌های کلیدی: خشکی، شاخص SIIG، صفات مرغولوژیک، کلزا

شاخص‌ها قادرند ژنوتیپ‌های با عملکرد بالا در هر محیط را شناسایی کنند و می‌توان از آن‌ها برای تخمین عملکرد استفاده کرد. بر این اساس شاخص‌های مختلفی برای ارزیابی واکنش ژنوتیپ‌ها در شرایط محیطی مختلف و بررسی متحمل و حساس به خشکی آن‌ها معرفی شده است (۱). رزیل و هامبلین (۱۶)، شاخص تحمل (TOL)^۱ و شاخص متوسط تولید یا بهره‌وری (MP)^۲ را معرفی کردند. فرانزند (۶)، شاخص‌های میانگین هندسی عملکرد (GMP)^۳ و شاخص تحمل به تنش (STI)^۴ را برای بررسی تحمل به خشکی ژنوتیپ‌ها معرفی کرد. فیشر و مور (۷)، شاخص حساسیت به تنش (SSI)^۵ را بر مبنای عملکرد در شرایط تنش و بدون تنش، مطرح نمودند. موسوی و همکاران (۱۳)، سه شاخص دیگر، تحت عنوان شاخص تحمل غیرزیستی (ATI)^۶، شاخص درصد حساسیت به تنش (SSPI)^۷ و شاخص تولید در شرایط بدون تنش و تنش (SNPI)^۸ را به منظور بررسی حساسیت یا تحمل به خشکی در ژنوتیپ‌های گندم دوروم معرفی کردند. شاخص پایداری عملکرد (YSI)^۹ توسط بوسالم و شاپوف (۲)، درصد کاهش عملکرد (%R)^{۱۰} توسط چوگان و همکاران (۳) و شاخص عملکرد (YI)^{۱۱} توسط گاووزی و همکاران (۱۰) پیشنهاد شدند. براساس نتایج دهقانی و همکاران (۴) و مجیدی و همکاران (۱۳)، شاخص‌های STI^{۱۲} و MP^{۱۳} به عنوان مناسب‌ترین

مقدمه کلزا را با نام‌های "Canola" و "Rapeseed" "Oilseed rape" سال‌های زیادی است که در صنعت و صنایع غذایی کاربرد دارد. در واقع ژنوتیپ‌های "Canola" می‌باشند که دارای مقدار طبقه‌بندی خاصی از "Rapeseed" می‌باشند که دارای ارسیک کمتر از ۲ درصد و میزان پایین گلوكوزینولات در کنجاله (کمتر از ۳۰ میکرومول در هر گرم ماده خشک کنجاله) و کیفیت روغن بالا می‌باشند (۹). مرحله گل‌دهی و تشکیل خورجین‌ها، یکی از مهم‌ترین تنش‌های محیطی در این گیاه می‌باشد که نسبت به خشکی بسیار حساس می‌باشد (۱۵، ۱۷). خشکی یکی از مهم‌ترین تنش‌های محیطی است که تعیین کننده توزیع پوشش گیاهی و محدودیت تولید در بخش کشاورزی می‌باشد و همچنین یک خطر جدی در تأمین امنیت غذایی جهان می‌باشد. یکی از روش‌های مقابله با خشکی، توسعه ارقام زراعی متحمل به خشکی است (۲۲). به علت اثر متقابل ژنوتیپ در محیط، عملکرد در شرایط تنش به تنهایی ملاک مناسبی برای انتخاب ژنوتیپ‌های متحمل به خشکی محسوب نمی‌شود و باید ژنوتیپ‌هایی مدنظر باشند که در مقایسه با سایر ژنوتیپ‌ها در شرایط محیطی یکسان، از نظر عملکرد افت کمتری داشته باشند (۵). شاخص‌هایی که در هر دو شرایط تنش و عدم تنش همبستگی بالایی با عملکرد دارند، به عنوان بهترین شاخص‌ها معرفی می‌شوند؛ چون این

1- Tolerance index

2- Mean productivity

3- Geometric mean productivity

4- Stress tolerance index

5- Stress susceptibility index

6- Abiotic-stress tolerance index

7- Stress susceptibility percentage index

8- Stress non-stress production index

9- Yield stability index

10- Percentage of yield reduction

11- Yield index

هدف از اجرای این تحقیق، بررسی تحمل به خشکی تعدادی از ارقام کلزا در شرایط تنفس خشکی در مرحله گل دهی با استفاده از شاخص‌های مختلف تحمل به خشکی بود. همچنین در این تحقیق از تکنیک SIIG در انتخاب ژنتیپ‌های متحمل به خشکی با استفاده از سایر شاخص‌های تحمل به تنفس به طور همزمان، استفاده شد.

مواد و روش‌ها

محل اجرای آزمایش در مزرعه مرکز تحقیقات و منابع طبیعی یزد، در موقعیت طول جغرافیایی ۵۴ درجه و ۱۶ دقیقه شرقی و عرض جغرافیایی ۳۱ درجه و ۵۵ دقیقه شمالی و ارتفاع ۱۲۳۶ متر از سطح دریا انجام گرفت. بزد با متوسط بارندگی سالانه ۱۰۶ میلی‌متر، میانگین دمای سالانه ۱۹/۲ سانتی‌گراد، میانگین رطوبت نسبی ۲۷ درصد و مجموع ساعات آفتابی ۳۴۸۳ ساعت، با اقلیمی خشک در فلات مرکزی ایران واقع شده است. خاک محل آزمایش دارای بافت لوم رسی شنی، میزان هدایت الکتریکی آن ۳/۸۸ میلی‌موس بر سانتی‌متر و میانگین اسیدیته خاک حدود ۷/۸ بود. آزمایش مزرعه‌ای به صورت طرح کرت‌های خرد شده (اسپیلت پلات) در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با ۳ تکرار در دو سال زراعی (۱۳۹۰-۹۲) اجرا شد. در این طرح تیمار رژیم رطوبتی در کرت اصلی و ارقام در کرت فرعی قرار گرفتند. نحوه آبیاری به صورت کرتی و نحوه اعمال تنفس به صورت قطع آبیاری بود. در شرایط نرمال، آبیاری بعد از ۸۰ میلی‌متر تبخیر از تشتک تبخیر اعمال می‌شد. در سال اول تنفس در مرحله خورجین‌دهی اعمال شد و در سال دوم تنفس هم در مرحله گل دهی و هم در مرحله خورجین‌دهی به صورت قطع آبیاری انجام شد. ژنتیپ‌های مورد بررسی شامل ۱۱ لاین دابل هاپلوبئد و ۱۰ رقم تجاری بود (جدول ۱). اندازه هر کرت آزمایشی ۲ در ۱ متر بوده و در هر کرت دو خط کشت با فاصله ۴۰ سانتی‌متر و حاشیه ۲۰ سانتی‌متر در نظر گرفته شد. فاصله دو بوته از هم روی خط کشت حدود ۶ سانتی‌متر و عمق کشت ۱ سانتی‌متر بود. در زمان کشت از کود فسفره (بر پایه ۱۵۰ کیلوگرم سوپر فسفات در هکتار) و پتاس (بر پایه ۱۵۰ کیلوگرم نیترات پتاسیم در هکتار) به صورت پیش کاشت استفاده شد. همچنین، نصف کود ازته مورد نیاز (۲۰۰ کیلوگرم در هکتار) به صورت پیش کاشت و نصف مابقی به صورت سرک در مرحله ۵-۶ برگی به خاک اضافه شد. جهت مبارزه با شته از سه مالاتیون به میزان ۱/۵ در هزار استفاده شد. برای جلوگیری از الودگی قارچی بذور توسط هیبوکلریت سدیم به مدت ۵ دقیقه ضد عفنونی شدند. در هر کرت حدود ۲۵ سانتی‌متر از ابتدا و انتهای هر خط به عنوان حاشیه در نظر گرفته شد و از ۱/۵ متر باقی مانده نمونه برداری انجام شد. صفاتی که قبل از برداشت اندازه‌گیری شدند شامل تعداد شاخه‌های فرعی و ارتفاع بوته بود. در مرحله رسیدگی پس از محاسبه تعداد دانه در غلاف، سایر بوته‌ها توسط خرمن کوب کوییده و بعد از بوجاری، عملکرد دانه و وزن هزار دانه محاسبه شد (۱۱). برای ارزیابی واکنش ژنتیپ‌ها نسبت به تنفس خشکی از شاخص تولید و شاخص میانگین روزیل و هامبلین

شاخص‌ها برای شناسایی و معرفی ارقام متحمل به خشکی در کلزا معرفی شدند. برای انتخاب ارقام متحمل یا حساس به تنفس استفاده از یک شاخص به تنها ی ممکن است منجر به نتایج مطلوبی نباشد، ولی با ارزیابی ژنتیپ‌ها با استفاده از شاخص‌های مختلف، احتمال پیدا کردن ژنتیپ‌های ایده‌آل افزایش می‌یابد. بر همین اساس در این مقاله تکنیک شاخص انتخاب ژنتیپ ایده‌آل (SIIG)^۱ به منظور ادغام شاخص‌های مختلف تحمل به خشکی، به منظور ارزیابی بهتر ژنتیپ‌ها استفاده می‌شود.

تکنیک SIIG، برای اولین بار برای ادغام شاخص‌های مختلف تحمل به خشکی (۲۱) و روش‌های مختلف تجزیه پایداری (۲۰)، برای افزایش کارایی انتخاب ژنتیپ‌های ایده‌آل استفاده شده است. این تکنیک برگرفته از مدل TOPSIS^۲ یا اولویت‌بندی بر اساس شباهت به را حل ایده‌آل می‌باشد که نخستین بار بوسیله ونگ و یون (۱۲) به عنوان یک روش تصمیم‌گیری چند معیاره معرفی شد. از روش SIIG می‌توان برای رتبه‌بندی و مقایسه بهتر ژنتیپ‌های مختلف و انتخاب بهترین ژنتیپ و تعیین فواصل بین ژنتیپ‌ها و گروه‌بندی آن‌ها استفاده نمود. از ویژگی‌های روش SIIG این است که برای محاسبه آن از سایر شاخص‌های تحمل به خشکی و عملکرد در شرایط تنفس و بدون تنفس استفاده می‌گردد. از آن جایی که ممکن است هر ژنتیپی از نظر یک شاخص یا صفتی ژنتیپ برتر باشد و در نهایت با افزایش تعداد صفات یا شاخص‌ها، ممکن است انتخاب ژنتیپ مناسب برای محقق دشوار شود، ولی به کمک روش SIIG تمام شاخص‌ها و صفات به صورت یک شاخص درآمد، رتبه‌بندی و تعیین ژنتیپ‌های برتر بسیار راحت‌تر می‌شود. از جمله مزیت‌های این روش آن است که معیارها یا شاخص‌های به کار رفته برای مقایسه می‌توانند دارای واحدهای سنجش متفاوتی بوده و طبیعت منفی و مثبت داشته باشند. به عبارت دیگر می‌توان از شاخص‌های منفی و مثبت به شکل ترکیبی در این تکنیک استفاده نمود. بر اساس این تکنیک، بهترین ژنتیپ، نزدیک‌ترین ژنتیپ به ژنتیپ ایده‌آل و دورترین از ژنتیپ غیرایده‌آل است. در اینجا منظور از ژنتیپ ایده‌آل، ژنتیپی فرضی است که بیشترین تحمل به تنفس و کمترین حساسیت به تنفس را داشته باشد، در حالی که ژنتیپ ایده‌آل، ژنتیپی فرضی است که بیشترین حساسیت به تنفس و کمترین تحمل به تنفس را داشته باشد. به طور خلاصه، ژنتیپ ایده‌آل از مجموع مقادیر ایده‌آل هر یک از شاخص‌ها به دست می‌آید، در حالی که ژنتیپ غیرایده‌آل از مجموع مقادیر غیر ایده‌آل هر یک از شاخص‌ها حاصل می‌گردد (۲۰، ۲۱). در تحقیقات خشکی، شاخص‌های مختلفی برای بررسی تحمل به خشکی وجود دارد و هر کدام از شاخص‌ها مزایا و معایب خود را دارند. هر کدام از شاخص‌ها را می‌توان در نهایت به صورت تک به تک با عملکرد در شرایط تنفس و غیرتنفس در یک نمودار ۳ بعدی بررسی کرد. ولی در روش SIIG می‌توان با توجه به نظر محقق از تمام شاخص‌ها به طور همزمان برای تصمیم‌گیری در مورد انتخاب ژنتیپ متحمل به تنفس استفاده نمود.

$$SIIG = \frac{d_i^-}{d_i^+ + d_i^-}$$

$$i = 1, 2, \dots, m, \quad 0 \leq SIIG \leq 1$$

مقدار SIIG بین صفر و یک تغییر می‌کند و هرچه گزینه مورد نظر به ژنتیپ ایده‌آل نزدیک‌تر باشد مقدار SIIG آن به یک نزدیک‌تر خواهد بود (۲۰، ۲۱).

در این تحقیق، برای انجام تجزیه واریانس، مقایسه میانگین تیمارها به روش دانکن و تجزیه خوشه‌ای از نرم‌افزار SPSS، برای محاسبه شاخص‌های تحمل به خشکی و شاخص انتخاب ژنتیپ ایده‌آل از نرم‌افزار Excel و در نهایت از نرم‌افزار Statistica بهمنظور ترسیم نمودار بای‌پلات و نمودار سه بعدی استفاده شد.

نتایج و بحث

تیمار آبی در دو سطح، یعنی آبیاری در تمام طول فصل (بدون تنفس) و تنفس آبی در مرحله گل‌دهی اعمال شد. به منظور بررسی اثر تنفس بر عملکرد دانه، اجزای عملکرد و برخی از صفات مرفوولوژیک، تجزیه واریانس انجام شد (جدول تجزیه واریانس نشان داده نشده است). نتایج نشان داد که اثر تنفس خشکی بر ارتفاع بوته، تعداد خورجین در بوته، تعداد دانه در خورجین، وزن هزار دانه و عملکرد دانه معنی‌دار بود که این مطلب نشان‌دهنده‌ی تاثیر تنفس، بر روی این صفات می‌باشد. همچنین، بین ارقام و لایین‌ها از نظر تمام صفات مورد بررسی، تفاوت معنی‌داری در سطح احتمال ۱٪ مشاهده شد. این نتایج نشان داد که احتمالاً نوع ژنتیکی بالقوه و تفاوت میان ژنتیپ‌ها وجود دارد. همچنین، معنی‌دار شدن اثر متقابل ژنتیپ × محیط در بسیاری از صفات (به جزء ارتفاع بوته و تعداد خورجین در بوته) نشان‌دهنده‌ی عکس‌العمل متفاوت ژنتیپ‌ها در شرایط تنفس و بدون تنفس بود. این مطلب نشان داد که ژنتیپ‌هایی وجود دارد که در شرایط تنفس و بدون تنفس عملکرد بالایی تولید کرده‌اند. بهمنظور بررسی بهتر ارقام از نظر صفات مورد بررسی، مقایسه میانگین ژنتیپ‌ها با استفاده از روش دانکن در جدول ۱ آورده شده است. همچنین، برای افزایش کارایی انتخاب ژنتیپ‌ها، از شاخص انتخاب ژنتیپ ایده‌آل (۲۰، ۲۱) که بر مبنای صفات عملکرد دانه، ارتفاع بوته، تعداد شاخه‌های فرعی، تعداد خورجین در بوته، تعداد دانه در خورجین و وزن هزار دانه (جدول ۱) محاسبه شده است، استفاده شد (جدول ۵). میزان شاخص انتخاب ژنتیپ ایده‌آل (SIIG) بین صفر و یک می‌باشد و هر چه مقدار SIIG به یک نزدیک‌تر باشد آن ژنتیپ از نظر صفات مورد بررسی مطلوب‌تر می‌باشد و بالعکس، هرچه مقدار SIIG به صفر نزدیک‌تر باشد ژنتیپ مورد نظر از نظر صفات مورد نظر، ژنتیپ ضعیفی می‌باشد (۲۱). بنابراین، ژنتیپ SLM046 با بالاترین مقدار SIIG (۰/۸۷۶)، بهترین ژنتیپ از نظر صفات مرفوولوژیک مورد مطالعه (جدول ۱) بود و بعد از آن، بهترتب ژنتیپ‌های Triangle (۰/۷۰۸)، DH13 (۰/۷۰۸)، DH13 (۰/۶۴۵)، DH7 (۰/۶۶۴)، Adriana (۰/۶۸۰)، DH13 (۰/۶۴۵)

(۱۶)، شاخص حساسیت به خشکی (SSI) (فیشر و موور، ۸)، میانگین هندسی عملکرد در دو شرایط تنفس و بدون تنفس (GMP)، شاخص تحمل به تنفس (STI) و میانگین هارمونیک عملکرد (HM) فرناندز (۶) استفاده شد.

نحوه محاسبه شاخص انتخاب ژنتیپ ایده‌آل

۱- تشکیل ماتریس داده‌ها با توجه به تعداد ژنتیپ‌ها و تعداد شاخص‌ها یا صفات مختلف مورد بررسی، ماتریس داده‌ها به صورت زیر تشکیل می‌شود.

$$D = \begin{bmatrix} x_{11} & x_{12} & \dots & x_{1m} \\ x_{21} & x_{22} & \dots & x_{2m} \\ \vdots & \ddots & \ddots & \vdots \\ x_{n1} & x_{n2} & \dots & x_{nm} \end{bmatrix}$$

در این ماتریس x_{ij} مقدار شاخص (صفت) آم ($j = 1, 2, \dots, m$) در رابطه با ژنتیپ زام ($i = 1, 2, \dots, n$) می‌باشد.

۲- تبدیل ماتریس داده‌ها به یک ماتریس نرمال از رابطه ذیل برای نرمال کردن داده‌ها استفاده می‌شود:

$$r_{ij} = \frac{x_{ij}}{\sqrt{\sum_{k=1}^n x_{kj}^2}}$$

ماتریس R به صورت زیر تعریف می‌شود:

$$R = \begin{bmatrix} r_{11} & r_{12} & \dots & r_{1m} \\ r_{21} & r_{22} & \dots & r_{2m} \\ \vdots & \ddots & \ddots & \vdots \\ r_{n1} & r_{n2} & \dots & r_{nm} \end{bmatrix}$$

۳- پیداکردن ژنتیپ ایده‌آل و ژنتیپ غیرایده‌آل در این مرحله برای هر شاخص یا صفت بهطور جداگانه، بهترین ژنتیپ و ضعیفترین انتخاب می‌شود.

۴- محاسبه فاصله از ژنتیپ ایده‌آل و ژنتیپ غیرایده‌آل در این مرحله برای هر گزینه، فاصله از ژنتیپ ایده‌آل و فاصله از ژنتیپ غیرایده‌آل بهترتب از روابط زیر محاسبه می‌شوند:

$$d_i^+ = \sqrt{\sum_{j=1}^m (r_{ij} - r_j^+)^2}$$

$$i = 1, \dots, n$$

$$d_i^- = \sqrt{\sum_{j=1}^m (r_{ij} - r_j^-)^2}$$

$$i = 1, \dots, n$$

در روابط فوق d_i^+ فاصله از ژنتیپ ایده‌آل و d_i^- فاصله از ژنتیپ غیرایده‌آل می‌باشد.

۵- محاسبه شاخص انتخاب ژنتیپ ایده‌آل (SIIG) در آخرین مرحله شاخص انتخاب ژنتیپ ایده‌آل (SIIG) از رابطه زیر محاسبه می‌شود:

Billy (۰/۲۷۹) DH3 (۰/۲۵۹) Oase (۰/۲۵۹) Savanah (۰/۳۵۶) DH4 (۰/۳۵۲) Tassilo (۰/۳۵۴) و (۰/۳۵۸) نیز بهترین جزء ضعیفترین ژنوتیپ‌ها بودند (جدول ۵).

DH10 (۰/۶۸۰) و DH11 (۰/۶۱۳) جزء بهترین ژنوتیپ‌ها بودند (جدول ۵). از طرف دیگر لاین DH1 کمترین مقدار SIIG (۰/۱۳۵) ژنوتیپ‌ها از نظر صفات مرفوژوئیک و عملکرد دانه بود. همچنین،

جدول ۱- مقایسه میانگین صفات مرفوژوئیک، اجزای عملکرد و عملکرد دانه در ۲۱ لاین و ژنوتیپ کلزا و منشاء آن‌ها

Table 1. Mean comparison of morphologic traits, yield components and grain yield for 21 genotypes and lines and its origins

نام ارقام و لاین‌ها	منشاء ارقام و لاین‌ها	ارتفاع بوته (cm)	تعداد شاخه‌های فرعی	تعداد خورجین در بوته	تعداد دانه در خورجین	وزن هزار دانه (g)	عملکرد (kg h ⁻¹)
ایران	ایران	۱۰/۱۵ ^g	۱۱/۱۷ ^{c-e}	۲۵/۴۳ ^{cd}	۱۸/۶۳ ^g	۳/۷۶۵ ^{cd}	۱۵۵۵/۶۱-k
ایران	ایران	۱۱/۱۲/۳ ^{ef}	۱۱/۱۷ ^{c-e}	۲۵/۶۵ ^{cd}	۲۳/۱. ^{b-c}	۳/۵۳۷ ^{ef}	۱۴۰/۹/۲-k
ایران	ایران	۱۱/۱۵/۷ ^{de}	۱۳/۶۷ ^{ab}	۲۸/۲۰ ^{cd}	۲۲/۲. ^{a-d}	۳/۷۸۲ ^c	۱۵۵۵/۶۱-k
ایران	ایران	۱۱/۱۲/۲ ^{ef}	۱۱/۳۳ ^{b-e}	۳۳/۰. ^{b-d}	۲۳/۲. ^{a-d}	۳/۷۳۷ ^f	۱۵۷۲/۹-h-k
ایران	ایران	۱۱/۱۷/۷ ^{de}	۱۰/۱۳ ^c	۳۶/۰. ^{a-c}	۲۰/۰. ^{a-g}	۳/۴۱۵ ^{ef}	۱۴۷۵/۶۱-k
ایران	ایران	۱۱/۱۷/۰ ^{de}	۱۲/۵. ^{a-e}	۲۶/۱۷ ^{lb}	۲۴/۰. ^{a-d}	۳/۷۶۵ ^{cd}	۱۷۴۰/۰-f-i
ایران	ایران	۱۱/۱۳/۳ ^{d-f}	۱۲/۲۳ ^{a-e}	۲۷/۷۷ ^{cd}	۲۴/۱. ^{a-d}	۳/۴۳۷ ^{ef}	۱۷۷۵/۰-f-i
ایران	ایران	۱۱/۱۶/۰ ^{de}	۱۳/۵/۵ ^a	۳۲/۷۲ ^{b-d}	۲۲/۰. ^{a-c}	۳/۸۶۵ ^{a-c}	۱۷۷۷/۰-f-i
ایران	آلمان	۱۱/۱۶/۰ ^{de}	۱۳/۵. ^{a-c}	۳۳/۸۵ ^{a-d}	۲۵/۶۸ ^{a-c}	۳/۵۸۷ ^{de}	۲۰۴۰/۰-c-e
ایران	آلمان	۱۱/۱۵/۲ ^{de}	۱۲/۵. ^{a-e}	۳۳/۸۵ ^{a-d}	۲۵/۶۸ ^{a-c}	۳/۵۱۵ ^{ef}	۱۹۸۸/۰-de
ایران	ایران	۱۱/۱۹/۲ ^{c-e}	۱۲/۵. ^{a-e}	۲۵/۵۱ ^{a-c}	۳۴/۱. ^{a-d}	۳/۵۱۵ ^{ef}	۱۷۸۴/۰-f-h
آلمان	Lilian	۱۱/۱۹/۳ ^{ab}	۱۳/۸۳ ^a	۴۵/۵۵ ^a	۲۲/۰. ^{b-d}	۳/۸۳۷ ^{bc}	۲۱۰۰/۰-c-e
آلمان	Billy	۱۱/۱۵/۷ ^{ed}	۱۱/۰.. ^{c-e}	۲۶/۷۸ ^{cd}	۲۱/۱. ^{d-f}	۳/۴۸۵ ^{ef}	۱۹۲۰/۰-a
فرانسه	Adriana	۱۱/۱۹/۲ ^{c-e}	۱۲/۱۷ ^{a-e}	۳۲/۳۰ ^{b-d}	۲۵/۶۷ ^{a-c}	۴/۰.. ^{a-c}	۲۳۵۱/۰-fab
فرانسه	Cooper	۱۱/۱۹/۷ ^{ab}	۱۱/۸۳ ^{a-e}	۲۹/۵۰ ^{cd}	۲۵/۵۵ ^{a-c}	۳/۸۳۷ ^{bc}	۱۹۰۴/۰-f
فرانسه	Oase	۱۱/۱۱/۷ ^{ef}	۱۰/۱۷ ^c	۲۳/۰.. ^{b-d}	۱۹/۷۵ ^{fg}	۳/۴۴۸ ^{ef}	۲۱۹۰/۰-fbc
فرانسه	Tassilo	۱۱/۰.. ^{b-e}	۱۰/۱۳ ^c	۲۹/۸۵ ^{cd}	۲۱/۱. ^{d-g}	۳/۵۶۵ ^e	۱۶۶۱/۰-g-j
آلمان	Triangle	۱۱/۱۷/۲ ^{a-c}	۱۲/۱۷ ^{a-e}	۳۲/۷۸ ^a	۲۶/۷۵ ^a	۳/۷۶۵ ^{cd}	۲۴۵۶/۰-a
آلمان	Karun	۱۱/۱۲/۰.. ^{a-d}	۱۱/۶۱ ^{a-b}	۳۱/۱۱ ^{b-d}	۲۳/۳۵ ^{b-e}	۳/۹۹۸ ^{ab}	۲۱۷۷/۰-f-d
فرانسه	Savanah	۱۱/۱۶/۰ ^{de}	۱۰/۱۸ ^{a-e}	۲۶/۸۳ ^{cd}	۲۲/۹۲ ^{c-e}	۳/۴۳۷ ^{ef}	۲۰۴۲/۰-c-e
آلمان	SLM047	۱۱/۱۳/۷ ^{a-d}	۱۳/۱۷ ^{a-d}	۴۳/۲۲ ^{ab}	۲۴/۱۹ ^{a-d}	۳/۷۹۸ ^c	۲۵۰۴/۰-a
میانگین کل		۱۱/۱۷/۸	۱۱/۱۷/۷	۳۱/۵۵	۲۳/۱۷	۳/۶۵۴	۱۹۰۱/۰

در هر ستون میانگین‌هایی که دارای حداقل یک حرف مشترک می‌باشند، براساس آزمون چند دامنه‌ای دانک در سطح احتمال ۵ درصد تفاوت معنی‌داری با هم ندازند.

جدول ۲- میانگین صفات مرفوژوئیک و اجزای عملکرد ارقام و لاین‌های کلزا در شرایط بدون تنفس (NS)، حالات تنفس آبی (WS) و درصد کاهش صفت (%) R

Table 2. Means of morphologic traits and yield components of canola genotypes/lines under non-stress (NS) and water stress (WS) conditions and percentage of reduction (%R)

نام ارقام و لاین‌ها	ارتفاع بوته (cm)	تعداد شاخه‌های فرعی	تعداد دانه در خورجین	تعداد خورجین در بوته	وزن هزار دانه (g)	عملکرد (kg h ⁻¹)	%R	WS	NS
DH1	۱۷/۱۲	۹۲	۱۱	۱۱/۱۷	۴/۰..	۱۵۵۵/۶۱-k	۱۳/۱۵	۳/۷۶۳	۴/۰..
DH3	۱۳/۸۱	۱۰۴	۱۲۱	۱۱/۱۷	۳/۵۳۷	۱۴۰/۹/۲-k	۵/۴۲	۳/۶۳	۴/۰..
DH4	۱۱/۱۷	۱۱۳	۱۱۸	۱۱/۱۷	۳/۷۸۲	۱۶/۴۴	۱/۰..	۳/۷۸۲	۴/۰..
DH5	۱۲/۰..	۱۱۳	۱۱۳	۱۱/۱۷	۳/۷۳۷	۱/۰..	۱/۰..	۳/۷۳۷	۴/۰..
DH6	۱۱/۱۳	۱۱۵	۱۲۵	۱۱/۱۷	۳/۴۱۵	۱/۰..	۱/۰..	۳/۴۱۵	۴/۰..
DH7	۹/۷۶	۱۱۱	۱۲۳	۱۱/۱۷	۳/۴۸۵	۱/۰..	۱/۰..	۳/۴۸۵	۴/۰..
DH8	۱۱/۱۳	۱۱۴	۱۲۶	۱۱/۱۷	۳/۵۱۵	۱/۰..	۱/۰..	۳/۵۱۵	۴/۰..
DH9	۱۱/۹۹	۱۱۱	۱۲۱	۱۱/۱۷	۳/۴۳۷	۰/۰..	۰/۰..	۳/۴۳۷	۰/۰..
DH10	۱۰/۰..	۱۰۰	۱۲۹	۱۱/۱۷	۳/۷۶۵	۰/۰..	۰/۰..	۳/۷۶۵	۰/۰..
DH11	۱۱/۰..	۱۰۰	۱۲۱	۱۱/۱۷	۳/۷۸۵	۰/۰..	۰/۰..	۳/۷۸۵	۰/۰..
DH13	۱۰/۰..	۱۰۰	۱۲۳	۱۱/۱۷	۳/۹۹۸	۰/۰..	۰/۰..	۳/۹۹۸	۰/۰..
Lilian	۱۱/۱۳	۱۱۵	۱۲۵	۱۱/۱۷	۳/۸۳۷	۰/۰..	۰/۰..	۳/۸۳۷	۰/۰..
Billy	۱۱/۰..	۱۰۰	۱۲۶	۱۱/۱۷	۳/۴۴۸	۰/۰..	۰/۰..	۳/۴۴۸	۰/۰..
Adriana	۱۱/۰..	۱۰۰	۱۲۶	۱۱/۱۷	۳/۵۱۵	۰/۰..	۰/۰..	۳/۵۱۵	۰/۰..
Cooper	۱۱/۰..	۱۰۰	۱۲۶	۱۱/۱۷	۳/۷۸۵	۰/۰..	۰/۰..	۳/۷۸۵	۰/۰..
Oase	۱۱/۰..	۱۰۰	۱۲۶	۱۱/۱۷	۳/۶۵۴	۰/۰..	۰/۰..	۳/۶۵۴	۰/۰..
Tassilo	۱۱/۰..	۱۰۰	۱۲۶	۱۱/۱۷	۳/۷۶۵	۰/۰..	۰/۰..	۳/۷۶۵	۰/۰..
Triangle	۱۱/۰..	۱۰۰	۱۲۶	۱۱/۱۷	۳/۹۹۸	۰/۰..	۰/۰..	۳/۹۹۸	۰/۰..
Karun	۱۱/۰..	۱۰۰	۱۲۶	۱۱/۱۷	۳/۸۳۷	۰/۰..	۰/۰..	۳/۸۳۷	۰/۰..
Savanah	۱۱/۰..	۱۰۰	۱۲۶	۱۱/۱۷	۳/۷۸۵	۰/۰..	۰/۰..	۳/۷۸۵	۰/۰..
SLM047	۱۱/۰..	۱۰۰	۱۲۶	۱۱/۱۷	۳/۷۹۸	۰/۰..	۰/۰..	۳/۷۹۸	۰/۰..
میانگین کل									
حداکثر	۱۱/۱۷	۹۲	۱۱۰	۱۱/۱۷	۱/۰..	۰/۰..	۰/۰..	۰/۰..	۰/۰..
حداقل	۱۱/۰..	۹۲	۱۱۰	۱۱/۰..	۰/۰..	۰/۰..	۰/۰..	۰/۰..	۰/۰..

این دو شاخص، ژنوتیپ‌هایی که دارای کمترین مقدار باشند حساسیت کمتری نسبت به تنفس دارند و ژنوتیپ‌های برتر در شرایط تنفس کاهش عملکرد کمتری نسبت به شرایط بدون تنفس دارند. بر مبنای این شاخص‌ها ممکن است ژنوتیپ‌هایی انتخاب شوند که دارای عملکرد پایین در شرایط بدون تنفس و عملکرد بالا در شرایط تنفس باشند^(۶). بنابراین ممکن است این شاخص‌ها در تمایز ژنوتیپ‌های با عملکرد بالا کارایی کمتری داشته باشند. در ضمن با توجه به مقدار پایین این شاخص‌ها، ژنوتیپ‌ها باید دارای عملکرد مناسب در شرایط تنفس و بدون تنفس باشند. شاخص SSI برای اصلاح تحت تنفس‌هایی باشد که مناسب می‌باشد، در صورتی که شاخص‌های MP و STI برای تنفس‌هایی باشد که بالا پیشنهاد می‌شوند^(۱۸). ژنوتیپ‌های Triangle، Triangular و SLM046 Billy بالاترین مقادیر MP GMP را داشتند و ژنوتیپ‌های Adriana SLM046 و STI بالاترین مقادیر HM و STI را به خود اختصاص دادند (جدول ۳). همچنین ژنوتیپ Triangle پیش‌ترین عملکرد را در شرایط بدون تنفس داشت و ژنوتیپ‌های Adriana SLM046 و STI بالاترین عملکرد را در شرایط تنفس خشکی به خود اختصاص دادند. بر اساس این پارامترها، ژنوتیپی که پیش‌ترین مقدار این شاخص‌ها را داشته باشد مطلوب است و جزو ژنوتیپ‌های متتحمل به تنفس محسوب می‌شوند. لاین DH3 کمترین مقادیر شاخص‌های MP، GMP، HM و STI را به خود اختصاص داد. همچنین این لاین دارای عملکرد پایین در شرایط تنفس و بدون تنفس بود (جدول ۳). از نظر فرناندز^(۶) شاخص STI قادر به گزینش ژنوتیپ‌های با عملکرد بالا و متتحمل به تنفس است و شاخص میانگین هندسی عملکرد کمتر تحت تأثیر ارزش نهایی صفات است و می‌تواند ژنوتیپ‌های گروه A را از بقیه جدا کند^(۱۹). شاخص تحمل به خشکی (STI) قادر است ژنوتیپ‌هایی را که در هر دو شرایط تنفس و بدون تنفس عملکرد بالایی دارند (گروه A) را از دو گروه ژنوتیپی که فقط در شرایط بدون تنفس (گروه B) و یا فقط در شرایط تنفس (گروه C) عملکرد نسبتاً بالایی دارند را تفکیک نماید. همچنین فرناندز^(۶)، شاخص‌های STI و GMP را به عنوان همبستگی با عملکرد در شرایط تنفس و بدون تنفس، به عنوان مناسب‌ترین شاخص‌های گزینش ژنوتیپ‌های دارای عملکرد مناسب، قابل توصیه است. بهمنظور بررسی بهتر تحمل به خشکی ژنوتیپ‌ها و لاین‌های دابل هاپلوبتید با استفاده از شاخص‌های تحمل به خشکی (جدول ۳) به طور همزمان از آماره SIIG استفاده شد (جدول ۵). در واقع این آماره، نتایج شاخص‌های مختلف تحمل به خشکی را ادغام نموده و تبدیل به یک شاخص واحد می‌نماید و کارایی تضمیم‌گیری را افزایش می‌دهد^(۲۱). بر این اساس، ژنوتیپ‌های Adriana SLM046 و STI با پیش‌ترین مقدار SIIG (بهترتبه ۰/۷۶۳ و ۰/۷۲۳) جزو متتحمل‌ترین ژنوتیپ‌ها به تنفس خشکی بودند (جدول ۵). همچنین این دو ژنوتیپ پیش‌ترین عملکرد را در شرایط تنفس به خود اختصاص دادند (جدول ۳). از طرفی ژنوتیپ Tassilo با کمترین مقدار SIIG (۰/۰۲۳۵)، جزو حساس‌ترین ژنوتیپ‌ها از نظر حساسیت به شکری بود و ژنوتیپ‌های DH13، DH9، DH3، DH1، DH1 و ژنوتیپ‌های

در جدول ۲ میانگین صفات ارتفاع بوته، تعداد شاخه‌های فرعی، تعداد خورجین در بوته، تعداد دانه در خورجین و وزن هزار دانه در شرایط بدون تنفس، تنفس آبی و درصد کاهش این صفات در شرایط تنفس نشان داده شده است. نتایج نشان داد که در شرایط تنفس، ارتفاع بوته در همه ژنوتیپ‌ها کاهش یافته است و بیش‌ترین درصد کاهش ارتفاع مربوط به ژنوتیپ Savanah (۰/۵۴) و کمترین درصد کاهش ارتفاع در شرایط تنفس مربوط به لاین دابل هاپلوبتید DH8 (۰/۱۷) بود. هم‌چنین، در شرایط تنفس تعداد شاخه‌های فرعی در تمام ارقام و لاین‌ها کاهش نشان داده است که در این میان بیش‌ترین کمترین درصد کاهش تعداد شاخه‌های فرعی بهترتبی مربوط به ژنوتیپ‌های Billy (۰/۵۰) و SLM046 (۰/۳۹) بود. از طرفی، نتایج نشان داد که تنفس خشکی باعث کاهش اجزای عملکرد در همه ارقام و لاین‌های مورد بررسی شده است. بیش‌ترین و کمترین درصد کاهش تعداد خورجین در بوته بهترتبی مربوط به لاین دابل هاپلوبتید DH3 (۰/۵۰) و ژنوتیپ Karun (۰/۰۲) است. همچنین، ژنوتیپ Tassilo بیش‌ترین درصد کاهش تعداد دانه در خورجین (۰/۴۷) را به خود اختصاص داد و کمترین درصد کاهش این صفت در شرایط تنفس مربوط به ژنوتیپ Billy (۰/۱۶) بود. بیش‌ترین و کمترین درصد کاهش وزن هزار دانه در شرایط تنفس به ترتیب مربوط به ژنوتیپ Oase (۰/۱۶) و SLM046 (۰/۷۴) بود (جدول ۲). بهمنظور جمع‌بندی نتایج و پیداکردن ژنوتیپ‌هایی که در مجموع، از نظر صفات مورد بررسی در شرایط تنفس و بدون تنفس و درصد کاهش آن‌ها در شرایط تنفس نسبت به سایر ارقام و لاین‌ها از وضعیت بهتری برخوردار باشند، از شاخص SIIG استفاده شد (جدول ۵). نتایج شاخص SIIG نشان داد ژنوتیپ SLM046 دارای نزدیک‌ترین فاصله به ژنوتیپ مطلوب یا ایده‌آل ($d^+ = ۰/۲۱۶$) و بیش‌ترین فاصله از ژنوتیپ نامطلوب یا غیرایده‌آل ($d^- = ۰/۸۱۸$) بود. بهمین دلیل با مقدار SIIG بزرگ‌تر (۰/۷۹۱) نسبت به سایر ژنوتیپ‌ها از برتری بالاتری برخوردار بود و بعد از آن لاین DH11 با مقدار SIIG = ۰/۷۵۶ نسبت به آن لاین DH1 صفات مورد بررسی بود (جدول ۲ و ۵). از طرفی لاین DH1 دارای بیش‌ترین فاصله از ژنوتیپ مطلوب ($d^+ = ۰/۷۹۵$) و کمترین فاصله از ژنوتیپ نامطلوب ($d^- = ۰/۲۱۰$) نسبت به سایر ژنوتیپ‌ها بود (جدول ۵). بنابراین، با پایین‌ترین مقدار SIIG (۰/۰۲۱) جزو ضعیفترین ژنوتیپ‌ها از نظر صفات مورد بررسی محسوب شد و بعد از آن ژنوتیپ‌های Billy، Savanah و DH3 بهترتبی با کمترین مقدار Tassilo در مرتبه بعدی قرار گرفتند. در جدول ۳، تعدادی از شاخص‌های محاسبه تحميل به خشکی یعنی شاخص میانگین هندسی عملکرد (GMP)، شاخص تحمل (TOL)، شاخص میانگین تولید (MP)، شاخص حساسیت به خشکی (SSI)، شاخص تحمل به تنفس (STI) و میانگین هارمونیک عملکرد (HM) آورده شده است. برمبنای TOL و SSI، کمترین مقدار این شاخص‌ها مربوط به لاین DH5 و بیش‌ترین مقدار این شاخص‌ها مربوط به ارقام DH13، DH9 و Savanah (جدول ۳). بر اساس

گرفتند. ژنوتیپ‌های Adriana، SLM046، Savanah، Karun، Oase، Triangle، Lilian و Lilian در گروه یک قرار گرفتند. ژنوتیپ‌های SLM046 و Adriana که در گروه ۱ قرار گرفته‌اند از نظر شاخص SIIG جزء بهترین ژنوتیپ‌ها از نظر تحمل به خشکی بودند و آن چنان‌که از بای پلات (شکل ۱) مشخص است، این دو ژنوتیپ در گروه ۲، فاصله بیشتری نسبت به سایر ژنوتیپ‌ها دارند. دابل هاپلولوئیدهای DH1، DH3، DH5، DH4 و DH6 در گروه ۳ قرار گرفتند که این ژنوتیپ‌ها از نظر شاخص SIIG جزء ژنوتیپ‌های ضعیف بودند و سایر ژنوتیپ‌ها در گروه دوم قرار گرفتند. در ضمن در گروه ۲ ژنوتیپ‌ها از نظر شاخص SIIG جزء ژنوتیپ‌های حساس به خشکی می‌باشند.

Billy، DH7 و Cooper بهترین مقدار SIIG در مرتبه بعدی از نظر حساسیت به خشکی قرار داشتند. سایر ژنوتیپ‌ها در حداصال این دو دسته از ژنوتیپ‌ها قرار گرفتند. با نگاهی به جدول ۳ مشخص می‌شود که این ارقام و لاین‌ها پایین‌ترین عملکرد را در شرایط تنفس نسبت به سایر ارقام و لاین‌ها داشتند. در واقع شاخص SIIG به خوبی توانسته که ارقام و لاین‌ها را از نظر تحمل به خشکی رتبه‌بندی نماید.

با پلات شکل ۱ پراکنده‌گی ژنوتیپ‌ها را بر اساس شاخص‌های STI، HM، SSI، GMP، MP و Ys را نشان می‌دهد. همچنین، به منظور گروه‌بندی بهتر ژنوتیپ‌ها بر مبنای شاخص‌های مختلف تحمل به خشکی از تجزیه کلاستر با ضریب تشابه مربع فاصله اقلیدسی^۱ و روش وارد^۲ استفاده شد (شکل ۱). بر این اساس ژنوتیپ‌ها در ۳ گروه قرار

جدول ۳- عملکرد دانه تحت شرایط عدم تنفس (Yp) و تنفس خشکی (Ys) و شاخص‌های مختلف تحمل به خشکی در ۲۱ لاین و رقم کلزا
Table 3. Grain yield under non-stress (YP) and drought stress (YS) conditions, and drought tolerance indices of 21 canola genotypes and lines

HM	STI	GMP	SSI	MP	TOL	YS	Yp	نام ارقام و لاین‌ها
۱۳۶۵/۱ ^{hi}	.۳۴۳ ^{i-k}	۱۴۵۷/۸ ^{j-k}	۱/۰.۹۷ ^{d-f}	۱۵۵۵/۵ ^{i-k}	۱۰.۸۶/۰ ^{b-f}	۱۰۱۲/۷ ^{g-i}	۲۰.۹۸/۶ ^{gh}	DH1
۱۲۲۰/۴ ⁱ	.۷۲۷ ⁸ ^k	۱۳۱۱/۴ ^j	۱/۱۳۷ ^{d-f}	۱۴۰/۹ ^{f-k}	۱۰.۳۱/۶ ^{b-e}	۸۹۳/۴ ⁱ	۱۹۲۵/۰ ^{hi}	DH3
۱۴۶۱/۱ ^{f-i}	.۳۶۷ ^{h-k}	۱۵۰/۷ ^{f-i-k}	.۸۸۹ ^{b-e}	۱۵۵۵/۵ ^{i-k}	۷۶۶/۶ ^b	۱۱۷۲/۲ ^{e-i}	۱۹۳۸/۹ ^{hi}	DH4
۱۵۶۰/۹ ^{e-h}	.۳۹۷ ^{g-k}	۱۵۶۵/۹ ^{g-j}	.۳۴ ^a	۱۵۷۲/۲ ^{i-k}	۲۷۳/۷ ^a	۱۴۳۶/۰ ^{c-f}	۱۷.۹/۰ ^j	DH5
۱۳۸۴/۱ ^{hi}	.۳۳۰ ^{jk}	۱۴۲۹/۲ ^{j-k}	.۸۸۴ ^{b-e}	۱۴۷۵/۶ ^{g-k}	۷۷۲/۲ ^b	۱۱۰/۴ ^{f-i}	۱۸۴۱/۷ ^{ij}	DH6
۱۵۰/۷ ^{f-i}	.۴۲۴ ^{g-j}	۱۶۱۹/۹ ^{g-j}	۱/۱۳۵ ^{d-f}	۱۷۴/۰ ^{۳g-i}	۱۲۷۲/۲ ^{c-g}	۱۱۰/۴ ^{f-i}	۲۳۷۶/۴ ^{ef}	DH7
۱۶۶۱/۶ ^{d-h}	.۴۷۶ ^{e-i}	۱۷۱۷/۷ ^{f-i}	.۸۸۶ ^{b-e}	۱۷۷۵/۰ ^{gh}	۸۹۷/۲ ^{bc}	۱۳۲۶/۴ ^{c-h}	۲۲۲۳/۶ ^{fg}	DH8
۱۴۷۹/۹ ^{f-i}	.۴۱۸ ^{g-k}	۱۶۰/۸/۲ ^{g-j}	۱/۱۹ ^{ef}	۱۷۷۴/۷ ^{g-i}	۱۳۶۸/۴ ^{d-g}	۱۰۵۳/۵ ^{g-i}	۲۴۳۱/۹ ^{ef}	DH9
۱۹۳۲/۷ ^{cd}	.۶۳۷ ^{cd}	۱۹۸۵/۷ ^{c-e}	.۷۹۲ ^{b-d}	۲۰۴/۰ ^{c-f}	۹۳۶/۳ ^{b-e}	۱۵۷۲/۰ ^{bc}	۲۵۰/۸ ^{ce}	DH10
۱۹۰/۵ ^{cd}	.۶۱۳ ^{c-e}	۱۹۹۴/۳ ^{c-f}	.۷۷۳ ^{b-c}	۱۹۸/۰ ^{d-f}	۹۰/۰ ^{f-b}	۱۵۹۱/۰ ^{bc}	۲۳۸۷/۱ ^{ef}	DH11
۱۴۹۶/۷ ^{f-i}	.۴۲۶ ^{g-j}	۱۶۲۴/۹ ^{g-j}	۱/۱۰ ^{ef}	۱۷۶۴/۶ ^{gh}	۱۳۷۶/۴ ^{e-g}	۱۰۷۶/۴ ^{f-i}	۲۴۵۲/۸ ^e	DH13
۱۸۲۸/۲ ^{c-e}	.۶۲۰ ^{c-e}	۱۹۵۹/۴ ^{c-f}	۱/۱۲ ^{d-f}	۲۱۰/۰ ^{c-e}	۱۵۱۱/۱ ^{fg}	۱۳۶۴/۴ ^{c-h}	۲۸۵۵/۶ ^{bc}	Lilian
۱۵۹۱/۱ ^{e-h}	.۴۹۴ ^{e-h}	۱۷۴۸/۲ ^{e-h}	۱/۱۴ ^{ef}	۱۹۲۰/۰ ^{e-g}	۱۵۹۱/۷ ^{gh}	۱۱۲۵/۰ ^{e-i}	۲۷۱۶/۷ ^{cd}	Billy
۲۲۶۰/۴ ^{ab}	.۸۸۵ ^{ab}	۲۳۰/۵ ^{۳a}	.۶۹۷ ^b	۲۳۵/۱ ^{۴ab}	۹۲۵/۰ ^{b-d}	۱۸۸۸/۹ ^{ab}	۲۸۱۳/۹ ^{bc}	Adriana
۱۶۹۷/۸ ^{d-g}	.۵۲۲ ^{d-g}	۱۷۹۷/۷ ^{d-g}	۱/۰.۴۹ ^{c-f}	۱۹۰/۳/۵ ^{fg}	۱۲۵۱/۴ ^{c-g}	۱۲۷۷/۸ ^{c-h}	۲۵۲۹/۲ ^{de}	Cooper
۱۸۸۴/۷ ^{c-e}	.۶۶۷ ^c	۲۰۳۱/۷ ^{cd}	۱/۱۵ ^{ef}	۲۱۹/۰/۷ ^{b-c}	۱۶۲۶/۱ ^{gh}	۱۳۷۲/۲ ^{c-g}	۳۰۰/۸/۳ ^b	Oase
۱۳۹۳/۵ ^{g-i}	.۳۷۴ ^{h-k}	۱۵۲۱/۳ ^{h-k}	۱/۲۱ ^{ef}	۱۶۶۱/۱ ^{gh}	۱۳۳۳/۳ ^{c-g}	۹۹۴/۰ ^{hi}	۲۳۲۷/۸ ^{ef}	Tassilo
۲۰۶۲/۱ ^{bc}	.۸۱۹ ^b	۲۲۵۱/۱ ^{ab}	۱/۲۱ ^{ef}	۲۴۵۶/۲ ^a	۱۹۶۵/۱ ^h	۱۴۷۳/۶ ^{c-e}	۳۴۳۸/۸ ^a	Triangle
۱۹۶۵/۸ ^{cd}	.۶۹۲ ^c	۲۰۵۹/۵ ^{b-c}	۱/۰۰/۷ ^{b-f}	۲۱۷۷/۱ ^{b-d}	۱۳۵۵/۶ ^{d-g}	۱۵۰۰/۰ ^{cd}	۲۸۵۵/۶ ^{abc}	Karun
۱۷۳۵/۰ ^{d-f}	.۵۷۲ ^{c-f}	۱۸۸۲/۴ ^{c-f}	۱/۱۸ ^{ef}	۲۰۴۲/۰ ^{c-f}	۱۵۸۴/۷ ^{gh}	۱۲۵۰/۰ ^{c-i}	۲۸۳۴/۷ ^{bc}	Savanah
۲۴۱۴/۱ ^a	.۹۷۷ ^a	۲۴۵۸/۹ ^a	.۶۷۸ ^b	۲۵/۰/۴ ^a	۹۵۷/۰ ^{b-e}	۲۰۲۸/۸ ^a	۲۹۰/۰/۵ ^b	SLM047
۱۷۰۵/۵	.۵۳۸	۱۸۰/۰/۲	.۰/۹۸۵	۱۹۰/۰/۶	۱۱۷۳/۲	۱۳۱۴/۹	۲۴۸۸/۲	میانگین

در هر ستون میانگین‌هایی که دارای حداقل یک حرف مشترک می‌باشد براساس آزمون چند دامنه‌ای دانکن در سطح احتمال ۵ درصد تفاوت معنی‌داری با هم ندارند.

گرفتند و همچنین از مقدار پایین SIIG برخوردار بودند. بر این اساس می‌توان گفت که این ژنوتیپ‌ها مناسب کشت در محیط‌های بدون تنفس آبی می‌باشند. لاین‌های DH10 و DH11 با داشتن عملکرد بالا در شرایط تنفس در گروه C قرار گرفتند. لاین‌های دابل هاپلولوئید DH2، DH1، DH4، DH7، DH13، DH5، DH8 و ژنوتیپ Tassilo در گروه D، DH13، DH8 و ژنوتیپ Adriana، SLM047 در شرایط بدون تنفس (Yp) و تنفس (YS) در نتیجه این عملکرد پایین در شرایط بدون تنفس و تنفس (TOL) باشند. هم‌بستگی بالای معنی‌داری دارد. شاخص انتخاب ژنوتیپ (TOL) هم‌بستگی بالای معنی‌داری دارد. شاخص انتخاب ژنوتیپ (SIIG) یک مدل گرینش‌گر بوده و بهمنظور انتخاب ایده‌آل ترین ارقام و لاین‌ها از بین ژنوتیپ‌های مورد بررسی به

فرناندز (۶) در بررسی عملکرد ژنوتیپ‌ها در دو شرایط تنفس و بدون تنفس، ژنوتیپ‌ها و لاین‌های دابل هاپلولوئید را به ۴ گروه A (عملکرد بالا در شرایط تنفس و بدون تنفس)، B (عملکرد بالا در شرایط بدون تنفس)، C (عملکرد بالا در شرایط تنفس) و D (عملکرد پایین در شرایط بدون تنفس و تنفس) تقسیم نمود. پراکنده‌گی ژنوتیپ‌ها براساس عملکرد در شرایط بدون تنفس (Yp) و تنفس (YS) و شاخص SIIG در نمودار سه بعدی در شکل ۲ نشان داده شده است. بر این اساس ژنوتیپ‌ها در چهار گروه قرار گرفتند. ژنوتیپ‌های SLM046 و Adriana در گروه A قرار گرفتند که نشان می‌دهد این ژنوتیپ‌ها دارای عملکرد بالا در شرایط تنفس و بدون تنفس می‌باشند. ژنوتیپ‌های Triangle، Lilian، Oase و Savanah در گروه B (عملکرد بالا در شرایط بدون تنفس) قرار

عبارت دیگر با استفاده از روش SIIG می‌توان شاخص‌های تحمل به خشکی، پارامترهای مختلف تجزیه پایداری یا صفات مختلف را به صورت یک شاخص واحد درآورد و انتخاب ژنوتیپ‌های برتر را مطمئن‌تر و دقیق‌تر انجام داد.

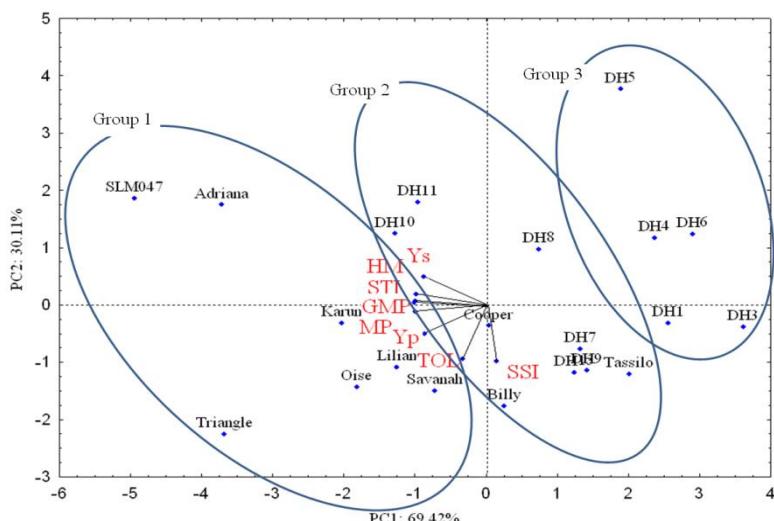
کار می‌رود. محققان می‌توانند از شاخص SIIG، به منظور انتخاب بهترین ژنوتیپ‌ها با استفاده از ادغام شاخص‌های مختلف تحمل به خشکی (۲۱)، پارامترهای تجزیه پایداری (۲۰) یا صفات مختلف، در سایر گیاهان استفاده کنند. به

جدول ۴- همبستگی بین شاخص‌های مختلف تحمل به خشکی و روش SIIG

Table 4. Correlation coefficients among drought tolerance indices and SIIG method

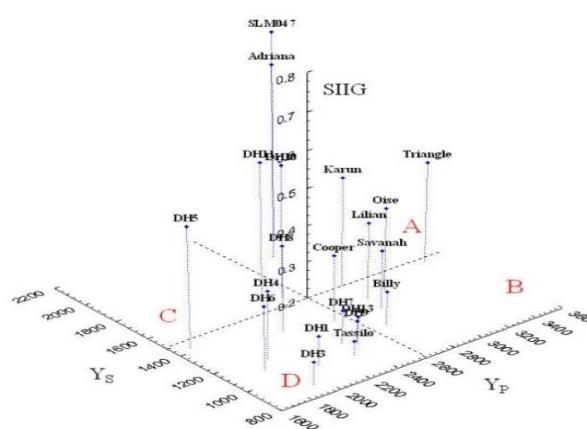
HM	STI	GMP	SSI	MP	TOL	Y _s	Y _p	
						./.۷۰۰**	./.۵۳۷**	Y _s
					./.۴۴۵ns	./.۹۳۳**	-./.۱۶۹ns	TOL
				-./.۴۰ns	./.۸۳۴**	./.۲۴۵ns	-./.۷۷۳**	MP
			-./.۱۵۸ns	./.۹۸۴**	./.۳۳۴ns	./.۸۸۷**	./.۸۲۲**	SSI
		./.۹۹۹**	-./.۱۵۸ns	./.۹۸۵**	./.۳۳۴ns	./.۸۸۷**	./.۸۲۲**	GMP
	./.۹۸۱**		-./.۳۰۰ns	./.۹۴۷**	./.۱۸۱ns	./.۷۹۵**	./.۹۲۱**	STI
./.۸۳۰**	./.۹۸۱**		-./.۷۲۹**	./.۶۴۵**	-./.۳۳۹ns	./.۳۷۵ns	./.۹۷۸**	HM
		./.۷۲۷**						SIIG

و **: غیرمعنی‌دار و معنی‌دار در سطح احتمال ۱ درصد ns



شکل ۱- بای‌پلات ۲۱ لاین و ژنوتیپ کلزا براساس اولین و دومین مؤلفه اصلی (PC) حاصل از شاخص‌های مختلف تحمل به خشکی و میانگین عملکرد دانه در شرایط تنش و بدون تنش

Figure 1. Biplot of 21 lines and genotypes based on first and two main components (PC) from drought tolerance different indexes and yield mean at non-stress and stress conditions



شکل ۲- نمودار سه‌بعدی انتخاب ژنوتیپ‌های متحمل به خشکی در کلزا بر مبنای عملکرد در شرایط تنش (Y_s) و عملکرد شرایط بدون تنش (Y_p) و روش SIIG

Figure 2. Three dimensional scatter graph for showing the relationship among yield in stress (Y_s), yield in non-stress (Y_p) and SIIG method

جدول ۵- مقادیر آماره شاخص انتخاب ژنوتیپ ایده‌آل (SIIG) و رتبه‌بندی ژنوتیپ‌ها بر مبنای شاخص‌های مختلف تحمل به خشکی، صفات مرفوگلوبولیک در شرایط نتش، بدون نتش و درصد کاهش عملکرد

Table 5. The selection index of ideal genotype (SIIG) and the ranking of genotypes and lines based on morphological traits at non-stress and stress conditions and drought tolerance indices

رتبه	SIIG بر مبنای صفات مرفوگلوبولیک در شرایط نتش، بدون نتش و درصد کاهش عملکرد			SIIG بر مبنای شاخص‌های تحمل به خشکی			SIIG بر مبنای صفات مرفوگلوبولیک			نام ارقام و لاین‌ها	
	SIIG	d ⁻	d ⁺	SIIG	d ⁻	d ⁺	SIIG	d ⁻	d ⁺		
۲۱	-۰/۲۱۰	-۰/۲۱۱	-۰/۷۹۵	۱۷	-۰/۲۷۸	-۰/۱۶۸	-۰/۴۳۶	۲۱	-۰/۱۲۵	-۰/۰۴۱	-۰/۲۶۴ DH1
۱۸	-۰/۳۵۱	-۰/۳۶۳	-۰/۶۷۰	۲۰	-۰/۲۶۰	-۰/۱۶۸	-۰/۴۷۷	۱۹	-۰/۲۷۹	-۰/۰۸۸	-۰/۲۲۷ DH3
۱۴	-۰/۵۱۳	-۰/۴۴۶	-۰/۵۱۸	۱۱	-۰/۳۸۴	-۰/۱۴۱	-۰/۳۸۶	۱۶	-۰/۳۵۶	-۰/۱۱۲	-۰/۲۰۳ DH4
۱۵	-۰/۵۱۲	-۰/۵۷۹	-۰/۵۵۲	۵	-۰/۵۲۵	-۰/۳۷۵	-۰/۳۳۹	۱۲	-۰/۴۰۹	-۰/۱۲۵	-۰/۱۸۱ DH5
۱۳	-۰/۵۴۲	-۰/۵۶۲	-۰/۴۷۵	۱۳	-۰/۳۷۰	-۰/۱۴۰	-۰/۴۰۸	۱۴	-۰/۳۹۱	-۰/۱۲۴	-۰/۱۹۴ DH6
۱۰	-۰/۵۷۴	-۰/۵۸۵	-۰/۴۴۴	۱۶	-۰/۲۸۸	-۰/۱۶۵	-۰/۴۰۹	۵	-۰/۶۴۵	-۰/۲۲۰	-۰/۱۲۱ DH7
۱۲	-۰/۵۵۴	-۰/۶۲۱	-۰/۵۰۱	۸	-۰/۴۳۱	-۰/۲۵۰	-۰/۳۳۰	۱۳	-۰/۴۰۶	-۰/۱۲۵	-۰/۱۸۳ DH8
۸	-۰/۶۰۴	-۰/۶۰۷	-۰/۴۹۹	۱۹	-۰/۲۶۱	-۰/۱۵۰	-۰/۴۲۵	۱۰	-۰/۴۸۷	-۰/۱۴۸	-۰/۱۵۶ DH9
۱۱	-۰/۵۵۵	-۰/۶۱۱	-۰/۴۹۱	۴	-۰/۵۵۷	-۰/۳۱۳	-۰/۲۳۹	۶	-۰/۶۱۳	-۰/۱۸۷	-۰/۱۱۸ DH10
۲	-۰/۷۵۶	-۰/۷۷۷	-۰/۲۵۰	۳	-۰/۵۷۵	-۰/۲۲۷	-۰/۲۲۲	۷	-۰/۶۰۳	-۰/۱۸۳	-۰/۱۲۰ DH11
۶	-۰/۵۲۷	-۰/۶۳۵	-۰/۳۷۷	۱۸	-۰/۲۶۷	-۰/۱۵۳	-۰/۴۲۱	۳	-۰/۶۸۰	-۰/۲۳۹	-۰/۱۱۳ DH13
۴	-۰/۶۶۴	-۰/۶۷۶	-۰/۳۴۲	۱۰	-۰/۴۰۸	-۰/۳۴۰	-۰/۳۴۸	۱۱	-۰/۴۱۷	-۰/۱۳۰	-۰/۱۸۱ Lilian
۲۰	-۰/۲۲۲	-۰/۲۲۲	-۰/۷۷۸	۱۵	-۰/۲۸۸	-۰/۱۶۹	-۰/۴۱۷	۱۸	-۰/۱۹۴	-۰/۰۸۹	-۰/۲۳۳ Billy
۹	-۰/۵۸۹	-۰/۵۸۰	-۰/۴۰۴	۲	-۰/۷۲۳	-۰/۱۹۹	-۰/۱۶۰	۴	-۰/۶۴۴	-۰/۲۱۱	-۰/۱۱۷ Adriana
۳	-۰/۶۵۹	-۰/۶۶۷	-۰/۳۳۱	۱۲	-۰/۳۷۷	-۰/۲۱۳	-۰/۳۵۲	۹	-۰/۵۰۸	-۰/۱۵۸	-۰/۱۰۴ Cooper
۱۶	-۰/۴۵۵	-۰/۵۱۲	-۰/۶۱۴	۸	-۰/۴۳۳	-۰/۲۵۹	-۰/۳۵۲	۲۰	-۰/۲۵۹	-۰/۰۹۱	-۰/۲۶۱ Oase
۱۷	-۰/۴۵۴	-۰/۴۸۴	-۰/۰۰۰	۲۱	-۰/۳۳۵	-۰/۱۳۸	-۰/۴۴۷	۱۷	-۰/۳۵۲	-۰/۱۰۴	-۰/۱۹۶ Tassilo
۵	-۰/۶۳۱	-۰/۶۶۱	-۰/۳۸۶	۷	-۰/۴۷۳	-۰/۳۵	-۰/۳۷۳	۲	-۰/۷۰۸	-۰/۱۲۳	-۰/۰۹۶ Triangle
۷	-۰/۶۰۷	-۰/۶۵۰	-۰/۴۲۱	۶	-۰/۴۹۷	-۰/۲۸۹	-۰/۲۹۳	۸	-۰/۵۱۷	-۰/۱۵۸	-۰/۱۴۷ Karun
۱۹	-۰/۲۸۳	-۰/۲۸۴	-۰/۷۱۹	۱۴	-۰/۳۵۸	-۰/۲۱۰	-۰/۳۸۰	۱۵	-۰/۳۵۸	-۰/۱۱۰	-۰/۱۹۸ Savanah
۱	-۰/۷۹۱	-۰/۸۱۸	-۰/۲۱۶	۱	-۰/۷۸۴	-۰/۴۷۱	-۰/۱۴۵	۱	-۰/۸۷۶	-۰/۰۳۸	SLM047

منابع

- Bansal, K.C. and S.K. Sinha. 1991. Assessment of draught resistance in 20 accessions of *Triticum aestivum* and related species. I. Total dry matter and grain yield stability. *Euphytica*, 56: 7-14.
- Bouslama, M. and W.T. Schapaugh. 1984. Stress tolerance in soybean. Part 1: evaluation of three screening techniques for heat and drought tolerance. *Crop Science*, 24: 933-937.
- Choukan, R., T. Taherkhani, M.R. Ghannadha and M. Khodarahmi. 2006. Evaluation of drought tolerance in grain maize inbred lines using drought tolerance indices. *Iranian Journal Agricultural Science*, 8(1): 79-89.
- Dehghani, G., F. Malek shhi and B. Alizadeh. 2009. A Study of Drought Tolerance Indices in Canola (*Brassica napus* L.). Genotypes. *Journal of Science and Technology of Agriculture and Natural Resources*, 13(48): 77-90 (In Persian).
- Farshadfar, E., S.H. Sabaghpoor and H. Zali. 2012. Comparison of parametric and non-parametric stability statistics for selecting stable chickpea (*Cicer arietinum* L.) genotypes under diverse environments. *Australian Journal of Crop Science*, 6: 514-524.
- Fernandez, G.C.J. 1992. Effective selection criteria for assessing plant stress tolerance. In: Kuo CG, ed. *Adaptation of Food Crops to Temperature and Water Stress*. Shanhua: Asian Vegetable Research and Development Center, Taiwan, Publ. No. 93-410, 257-270.
- Fischer, R.A. and R. Maurer. 1978. Drought resistance in spring wheat cultivars. Part 1: grain yield response. *Australian Journal of Agricultural Research*, 29: 897- 912.
- Fischer, R.A. and T. Wood. 1979. Drought resistance in spring wheat cultivars III. Yield association with morphological traits. *Australian Journal of Agricultural Research*, 30: 1001-1020.
- Flakelar, C.L., D.J. Luckett, J.A. Howitt, G. Dorana and P.D. Prenzler. 2015. Canola (*Brassica napus*) oil from Australian cultivars shows promising levels of tocopherols and carotenoids, along with good oxidative stability. *Journal of Food Composition and Analysis*, 42: 179-186.
- Gavuzzi, P., F. Rizza, M. Palumbo, R.G. Campaline, G.L. Ricciardi and B. Borghi. 1997. Evaluation of field and laboratory of drought and heat stress in winter cereals. *Canadian Journal Plant Science*, 77: 523-531.
- Ghodrati, G.R. 2012. Response of grain yield and yield components of promising genotypes of spring rapeseed (*Brassica napus* L.) under non-stress and moisture-stressed conditions. *Crop Breeding Journal*, 2: 49-56.
- Hwang, C.L. and K.P. Yoon. 1981. Multiple attribute decision making methods and applications. Springer, New York, 350 pp.
- Majidi, M.M., M.J. Ghahdrijani, F. Rashidi and Mirlohi. 2015. Identification of canola cultivars with drought tolerance indices. *Iranian Journal of Agricultural Science*, 45(4): 565-573 (In Persian).

- ۱۲۵
14. Moosavi, S.S., B. Yazdi Samadi, M.R. Naghavi, A.A. Zali, H. Dashti and A. Pourshahbazi. 2008. Introduction of new indices to identify relative drought tolerance and resistance in wheat genotypes. DESERT, 12: 165-178.
 15. Qifuma, S.H., R. Niknam and D.W. Turner. 2006. Responses of osmotic adjustment and seed yield of *Brassica napus* and *B. juncea* to soil water deficit at different growth stages. Australian Journal of Agricultural Research, 57: 221-226.
 16. Rosielie, A.A. and J. Hamblin. 1981. Theoretical aspects of selection for yield in stress and non-stress environment. Crop Science, 21: 943-946.
 17. Sinaki, J.M., E. Majidi Heravan, A.H. Shirani Rad, G. Noormohamadi and G. Zarei. 2007. The effects of water deficit during growth stages of canola (*B. napus* L.). American-Eurasian journal of agricultural & environmental, 2(4): 417-424.
 18. Sio-Se Mardeh, A., A. Ahmadi, K. Poustini and V. Mohammadi. 2006. Evaluation of drought resistance indices under various environmental conditioning. Field Crop Research, 98: 222-229.
 19. Yousofi, M. and A.M. Rezai. 2008. Assessment of drought tolerance in different breeding lines of wheat (*Triticum aestivum* L.). Journal of science and technology of agriculture and natural, 42(11): 113-122 (In Persian).
 20. Zali, H., O. Sofalian, T. Hasanloo, A. Asghari and S.M. Hoseini. 2015. Appraising of drought tolerance relying on stability analysis indices in canola genotypes simultaneously, using selection index of ideal genotype (SIIG) technique: Introduction of new method. Biological Forum – An International, 7(2): 703-711.
 21. Zali, H., O. Sofalian, T. Hasanloo, A. Asghari and M. Zeinalabedini. 2016. Appropriate Strategies for Selection of Drought Tolerant Genotypes in Canola. Journal of Crop Breeding, 78(20): 77-90 (In Persian).
 22. Zali, H., T. Hasanloo, O. Sofalian, A. Asghari and M. Zeinalabedini. 2016. Drought Stress Effect on Physiological Parameter and Amino Acids Accumulations in. Journal of Crop Breeding, 8(18): 191-203 (In Persian).

Identifying drought Tolerant Canola Genotypes using Selection Index of Ideal Genotype

Hassan Zali¹, Tahereh Hasanloo², Omid Sofalian³, Ali Asgharii³ and Mehran Enayati Shariatpanahi⁴

1- Assistant professor, Seed and Plant Improvement Department, Fars Agricultural and Natural Resources, Research Center, Agricultural Research, Education and Extension Organization (AREEO), Darab, Iran,
(Corresponding author: Hzali90@yahoo.com)

2- Assistant professor, Department of Molecular Physiology, Agricultural Biotechnology Research Institute of Iran (ABRII), AREEO, Karaj, Iran

3- Associated professor, Plant Breeding Department, University of Mohaghegh Ardabili, Ardabil, Iran

4- Associated professor, Department of Tissue Culture & Gene Transformation, Agricultural Biotechnology Research Institute of Iran (ABRII), AREEO, Karaj, Iran

Received: May 4, 2017

Accepted: August 13, 2017

Abstract

Drought stress is one of the most important abiotic factors which adversely affects growth, metabolism and yield of crops worldwide. The goal of the research was identify drought tolerate canola genotypes using the different drought tolerance indices. The experiment was conducted as split plot based on randomized complete block design with three replications at the experimental farm of agricultural and natural resources research center, Yazd, Iran .Two irrigation levels consisting of irrigation after 80mm evaporation from class "A" pan as control, no irrigation from flowering stage were applied in main plots and subplots were 21 winter canola cultivars/double haploid. Six drought tolerance indices, including stress tolerance index (STI), geometric mean productivity (GMP), stress susceptibility index (SSI), mean productivity (MP), stress tolerance (TOL), harmonic mean (HM) were used and calculated for all treatments. Then selection index of ideal genotype (SIIG) based on both tolerance indices (STI, GMP, SSI, MP, TOL, and HM) and morphological traits were defined and calculated. Selection index of ideal genotype (SIIG) is a decision making method that is very simple to implement. The results showed water stress negatively affected yield and yield components, plant height, and number of branches of rapeseed genotypes. Based on the results "SLM046" and "Adriana" with maximum SIIG (0.791 and 0.756) were identified as the most ideal genotypes among assessed genotypes. As "SLM046" and "Adriana" genotypes were superior to the other genotypes under drought condition, they can be considered as promising genotypes for drought regions. These results were also approved by three dimensional scatter graphs. It is concluded that selection index of ideal genotype (SIIG) could be serve as an appropriate index to identify drought tolerance genotypes based on a set of drought stress tolerance indices and morphological traits in crops.

Keywords: Canola, Drought, Morphological traits, SIIG method